

International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, the names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names.** WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs.**

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI.** L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta.** La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 123

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 123 Proposed INN not later than 28 November 2020.**

Publication date: 29/07/2020

Dénominations communes internationales proposées: Liste 123

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 123 de DCI Proposées le 28 novembre 2020 au plus tard.**

Date de publication : 29/07/2020

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 123

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Denominaciones Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para la **Lista 123 de DCI Propuestas el 28 de noviembre de 2020 a más tardar. Fecha de publicación: 29/07/2020**

<i>Proposed INN</i> (Latin, English, French, Spanish)	<i>Chemical name or description: Action and use: Molecular formula</i> <i>Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula</i>
<i>DCI Proposée</i>	<i>Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute : Numéro dans le registre du CAS: Formule développée</i>
<i>DCI Propuesta</i>	<i>Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular</i> <i>Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada</i>

acapatamabum #

acapatamab immunoglobulin scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, prostate specific membrane antigen, PSMA)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody single chain (scFv)₂-scFc, bispecific;
IG single chain scFv-scFv-scFc, anti FOLH1 and anti-CD3E (1-986) [scFv-VH-V-kappa anti-FOLH1 (1-243) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 G49>C (44) (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -15-mer-tris(tetraglycyl-seryl) linker (122-136)-V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (79.3%) -IGKJ2*01 Q120>C (236) (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9] (163-168.186-188.225-233) (137-243)] -6-mer seryl-tetraglycyl-seryl linker (244-249) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (250-498) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (275-282.300-309.348-363) (250-374) -15-mer-tris(tetraglycyl-seryl) linker (375-389) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (415-423.441-443.480-488) (390-498)] -4-mer- tetraglycyl linker (499-502) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (503-986) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (hinge 6-15 (503-512), CH2 R83>C (574), N84.4>G (579), V85>C (584) (513-622), CH3 E12 (638), M14 (640) (623-727), CHS (728-729)) (503-729) -30-mer hexakis(tetraglycyl-seryl) linker (730-759) -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (hinge 6-15 (760-769), CH2 R83>C (831), N84.4>G (836), V85>C (841) (770-879), CH3 E12 (895), M14 (897) (880-984), CHS (985-986)) (760-986)]], non-glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells
immunomodulator, antineoplastic

acapatamab immunoglobuline scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folate hydrolase, antigène membranaire spécifique de la prostate, PSMA)], et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal à chaîne unique (scFv)₂-scFc, bispécifique;
IG à chaîne unique scFv-scFv-scFc, anti FOLH1 et anti-CD3E (1-986) [scFv-VH-V-kappa anti-FOLH1 (1-243) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 G49>C (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -15-mer-tris(tétraglycyl-séryl) linker (122-136)-V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (79.3%) -IGKJ2*01 Q120>C (236) (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9] (163-168.186-188.225-233) (137-243)] -6-mer-séryl-tétraglycyl-séryl linker (244-249) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (250-498) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (275-282.300-309.348-363) (250-374) -15-mer-tris(tétraglycyl-séryl) linker (375-389) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (415-423.441-443.480-488) (390-498)] -4-mer- tétraglycyl linker (499-502) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (503-986) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (charnière 6-15 (503-512), CH2 R83>C (574), N84.4>G (579), V85>C (584) (513-622), CH3 E12 (638), M14 (640) (623-727), CHS (728-729)) (503-729) -30-mer-hexakis(tétraglycyl-séryl) linker (730-759) -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (charnière 6-15 (760-769), CH2 R83>C (831), N84.4>G (836), V85>C (841) (770-879), CH3 E12 (895), M14 (897) (880-984), CHS (985-986)) (760-986)]], non-glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO)
immunomodulateur, antinéoplasique

acapatamab

inmunoglobulina scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* FOLH1 (folato hidrolasa, antígeno membranario específico de la prostata, PSMA)], y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal con cadena única (scFv)₂-scFc, biespecífica;

IG con cadena única scFv-scFv-scFc, anti FOLH1 y anti-CD3E (1-986) [scFv-VH-V-kappa anti-FOLH1 (1-243) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 G49>C (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -15-mer-tris(tetraglicil-seril) linker (122-136)-V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (79.3%) -IGKJ2*01 Q120>C (236) (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9] (163-168.186-188.225-233) (137-243)] -6-mer-seril-tetraglicil-seril linker (244-249) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (250-498) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)]/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (275-282.300-309.348-363) (250-374) -15-mer-tris(tetraglicil-seril) linker (375-389) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (415-423.441-443.480-488) (390-498)] -4-mer- tetraglicil linker (499-502) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (503-986) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (bisagra 6-15 (503-512), CH2 R83>C (574), N84.4>G (579), V85>C (584) (513-622), CH3 E12 (638), M14 (640) (623-727), CHS (728-729)) (503-729) -30-mer-hexakis(tetraglicil-seril) linker (730-759) -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (bisagra 6-15 (760-769), CH2 R83>C (831), N84.4>G (836), V85>C (841) (770-879), CH3 E12 (895), M14 (897) (880-984), CHS (985-986)) (760-986)]], no glicosilado, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO)

inmunomodulador, antineoplásico

2314491-93-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGSGG	LVKPGESLRL	SCAASGFTFS	DYYMYWVRQA	PGKCLEWVAI	50
ISDGGYYTY	SDIIKGRFTI	SRDNAKNSLY	LQMNSLKAED	TAVYYCARGF	100
PLLRLHGAMDY	WGQGLTVTVS	SGGGSGGGG	SGGGSGDIQM	TQSPSSLSAS	150
VGDRVTITCK	ASQNVDTNVA	WYQKPGQAP	KSIIYSASYV	YWDVPSRFSG	200
SASGTDFTLT	ISSVQSEDF	TYCQYQDQ	LITFGCGTKL	EIKSGGGSGE	250
QVLVESGGGL	VQPGGSLKLS	CAASGFTFNK	YAMNWRQAP	KGLEWVARI	300
RSKYNNYATY	YADSVKDRFT	ISRDDSKNTA	YLQMNKLKTE	DTAVYYCVRH	350
GNFGNSYISY	WAYWGQGLTV	TVSSGGGGSG	GGSGGGGSGQ	TVVTQEPSLT	400
VSPGGTVTLT	CGSSTGAVTS	GNYPNVVQK	PGQAPRGLIG	GTRFLAPGTF	450
ARFSGSLLGG	KAALTLGSGV	PEDEAEYCYV	LWYSNRWVFG	GGTKLTVLGG	500
GGDKTHTCPP	CPAPELLGGP	SVFLFPPKPK	DTLMISRTPE	VTCVVDVSH	550
EDPEVKFNWY	VDGVEVHNK	TKPCEEQYGS	TYRCVSVLTV	LHQDWLNGKE	600
YKCKVPSNKA	PAPIEKTISK	AKGQPREPQV	YTLPPSREEM	TKNQVSLTCL	650
VKGFYPSDIA	VEWESNGQPE	NNYKTTTPVL	DSGDSFFLYS	KLTVDKSRWQ	700
QGNVFSQSV	HEALHNHYTQ	KSLSLSPGKG	GGSGGGGSGG	GGSGGGGSGS	750
GGSGGGGSGD	KTHTCPPCPA	PELLGGPVSF	LFPPKPKDTL	MISRTPEVTC	800
VVDVSHEDP	EVKFNWYVDG	VEVHNATKTP	CEEQYGSTYR	CVSVLTVLHQ	850
DWLNGKEYCK	KVSNKALPAP	IEKTIKAKG	QPREPQVYTL	PPSREEMTKN	900
QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPVLDSD	GSFFLYSKLT	950
VDKSRWQQGN	VFSCSVMEHA	LHNHYTQKSL	SLSPGK		986

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-V (C23-C104)	22-96	159-224	271-347	411-479
Intra-C (C23-C104)	543-603	649-707	800-860	906-964
Intra-CH2 (C83-C85)	574-584	838-848		
Inter-VH-VL (C49-C120)	44-236			
Inter-h11 (h 11 - h 11)	508-765			
Inter-h14 (h 14 - h 14)	511-768			

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

CH2 N84.4>G:

579, 836

Aglycosylated

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

CHS K2:

986

acidum valiloxibicum

valiloxibic acid

4-[[[(2S)-2-amino-3-methylbutanoyl]oxy]butanoic acid,
4-(L-valyloxy)butanoic acid
GABA_B receptor agonist

acide valiloxibique

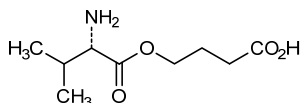
acide 4-[[[(2S)-2-amino-3-méthylbutanoyl]oxy]butanoïque
acide 4-(L-valyloxy)butanoïque
agoniste des récepteurs GABA_B

ácido valiloxibico

ácido 4-[[[(2S)-2-amino-3-metilbutanoil]oxi]butanoico,
ácido 4-(L-valiloxi)butanoico
agonista de los receptores GABA_B

C₉H₁₇NO₄

238401-16-6

**adrenomedullinum pegolum #**

adrenomedullin pegol

human adrenomedullin, C-terminal L-tyrosil amide, pegylated at O⁴ of Y¹ with [(3S)-3-amino-4-[[[(2R)-1-amino-3-[[[(3RS)-2,5-dioxo-1-{3-oxo-3-[α-methyl(polyoxyethylene)-ω-amino]propyl]pyrrolidin-3-yl]sulfanyl]-1-oxopropan-2-yl]amino]-4-oxobutyl]carbamoyle]; O⁴.¹-[[[(3S)-3-amino-4-[[[(2R)-1-amino-3-[[[(3RS)-1-{3-[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-amino]-3-oxopropyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]sulfanyl]-1-oxopropan-2-yl]amino]-4-oxobutyl]carbamoyle]adrenomedullin (human) *vasodilator peptide hormone*

adrénomedulline pégol

adrénomédulline humaine, L-tyrosil amide C-terminal, pégylée en O⁴ de Y¹ avec [(3S)-3-amino-4-[[[(2R)-1-amino-3-[[[(3RS)-2,5-dioxo-1-{3-oxo-3-[α-méthyl(polyoxyéthylène)-ω-amino]propyl]pyrrolidin-3-yl]sulfanyl]-1-oxopropan-2-yl]amino]-4-oxobutyl]carbamoyle]; O⁴.¹-[[[(3S)-3-amino-4-[[[(2R)-1-amino-3-[[[(3RS)-1-{3-[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-amino]-3-oxopropyl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]sulfanyl]-1-oxopropan-2-yl]-4-oxobutyl]carbamoyle]adrénomédulline (humaine) *hormone peptidique vasodilatatrice*

adrenomedulina pegol

adrenomedulina humana, C-terminal L-tirosil amida, pegilada en O⁴ de Y¹ con [(3S)-3-amino-4-[[[(2R)-1-amino-3-[[[(3RS)-2,5-dioxo-1-{3-oxo-3-[α-metil(polioxiétileno)-ω-amino]propil]pirrolidin-3-il]sulfanil]-1-oxopropan-2-il]amino]-4-oxobutil]carbamoilo]; O⁴.¹-[[[(3S)-3-amino-4-[[[(2R)-1-amino-3-[[[(3RS)-1-{3-[α-metilpoli(oxiétileno)-ω-amino]-3-oxopropil]-2,5-dioxopirrolidin-3-il]sulfanil]-1-oxopropan-2-il]-4-oxobutil]carbamoilo]adrenomedulina (humana) *hormona peptídica vasodilatadora*

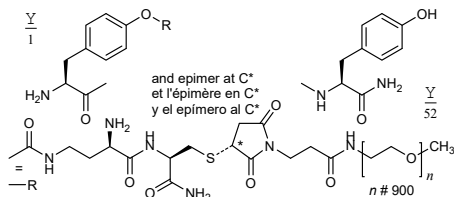
C₂₈₀H₄₃₀N₈₆O₈₃S₄(C₂H₄O)_{≈900}

1432735-93-7

Sequence / Séquence / Secuencia

YRQSMNNEFG LRSFGCRFGT CTVQKLAHQI YQFTDKDKDN VAPRSKISQ 50
G_Y 52Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
36-86 43-89

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

**aldumastatum**

aldumastat

(5S)-5-cyclopropyl-5-{3-[(3S)-4-(3,5-difluorophenyl)-3-methylpiperazin-1-yl]-3-oxopropyl}imidazolidine-2,4-dione

matrix metalloproteinase inhibitor

aldumastat

(5S)-5-cyclopropyl-5-{3-[(3S)-4-(3,5-difluorophényl)-3-méthylpipérazin-1-yl]-3-oxopropyl}imidazolidine-2,4-dione

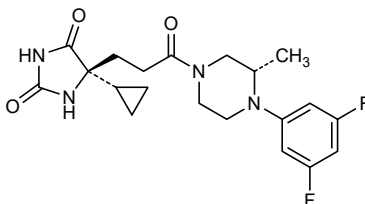
inhibiteur de la métalloprotéinase de la matrice

aldumastat

(5S)-5-ciclopopil-5-{3-[(3S)-4-(3,5-difluorofenil)-3-metilpiperazin-1-il]-3-oxopropil}imidazolidina-2,4-diona

*inhibidor de la metaloproteínasa de matriz*C₂₀H₂₄F₂N₄O₃

1957278-93-1

**alnuctamabum #**

alnuctamab

immunoglobulin G1-kappa/lambda with domain crossover, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (TNF receptor superfamily member 17, tumor necrosis factor receptor superfamily, member 17, B cell maturation antigen, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific, trivalent; gamma1-lambda heavy chain anti-TNFRSF17 and anti-CD3E (VH-CH1-V-lambda-CH1-h-CH2-CH3) (1-671) [VH anti-TNFRSF17 (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17 (CH1 K26>E (146),

K119>E (212), K120 (213) (117-214), hinge 1-6 (215-220)) (117-220) -10-mer bis(tetraglycyl-seryl) linker (221-230) -V-LAMBDA anti-CD3E (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (80.0%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (256-264.282-284.321-329) (231-339)) -2-mer diseryl linker (340-341) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v32 CH3 W22 (CH1 K120 (438) (342-439), hinge 1-15 (440-454), CH2 L1.3>A (458), L1.2>A (459), P114>G (553) (455-564), CH3 S10>C (578), D12 (580), L14 (582), T22>W (590) (565-669), CHS (670-671)) (342-671)], (219-216')-disulfide with kappa light chain anti-TNFRSF17 (1'-216') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (90.6%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [7.3.10] (27-33.51-53.90-99) (1'-109') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%) E12>R (125), Q13>K (126), Km3 A45.1 (155), V101 (193) (110'-216')]; (444-232'')-disulfide with VH-C-kappa light chain anti-CD3E, (1'''-232''') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (87.0%) -IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.10.16] (26-33.51-60.99-114) (1'''-125''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (99.1%) T1.3>S (127), Km3 A45.1 (171), V101 (209) (126'''-232''')]; gamma1 heavy chain anti-TNFRSF17 (1''-446'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.9%) -IGHD) -IGHJ5*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105) (1''-116'') -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (CH1 K26>E (146), K119>E (212), K120 (213) (117''-214''), hinge 1-15 (215''-229''), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234), P114>G (328) (230''-339''), CH3 Y5>C (348), D12 (355), L14 (357), T22>S (365), L24>A (367), Y86>V (406) (340''-444''), CHS (445''-446'')) (117''-446'')], (219''-216''')-disulfide with kappa light chain anti-TNFRSF17 (1'''-216''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (90.6%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [7.3.10] (27-33.51-53.90-99) (1'''-109''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%) E12>R (125), Q13>K (126), Km3 A45.1 (155), V101 (193) (110'''-216''')]; dimer (450-225''-453-228''-578-348'')-trisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa antineoplastic

alnuctamab

immunoglobuline G1-kappa/lambda avec domaines échangés, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du TNF, membre 17 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, antigène de maturation de cellule B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique, trivalent; chaîne lourde gamma1 anti-TNFRSF17 et anti-CD3E (VH-CH1-V-lambda-CH1-h-CH2-CH3) (1-671) [VH anti-TNFRSF17 (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.9%) -IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17 (CH1 K26>E (146), K119>E (212), K120 (213) (117-214), charnière 1-6 (215-220)) (117-220) -10-mer bis(tetraglycyl-séryl) linker (221-230) -V-LAMBDA anti-CD3E (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* (IGLV7-46*01 (80.0%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (256-264.282-284.321-329) (231-339)) -2-merdiséryl linker (340-341) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v32 CH3 W22 (CH1 K120 (438) (342-439), charnière 1-15 (440-454), CH2 L1.3>A (458), L1.2>A (459), P114>G (553) (455-564), CH3 S10>C (578), D12 (580), L14 (582), T22>W (590) (565-669), CHS (670-671)) (342-671)], (219-216')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-TNFRSF17 (1'-216') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (90.6%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [7.3.10] (27-33.51-53.90-99) (1'-109') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%) E12>R (125), Q13>K (126), Km3 A45.1 (155), V101 (193) (110'-216')]; (444-232'')-disulfure avec la chaîne légère VH-C-kappa anti-CD3E (1'''-232''') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (87.0%) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.10.16] (26-33.51-60.99-114) (1'''-125''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (99.1%) T1.3>S (127), Km3 A45.1 (171), V101 (209) (126'''-232''')];

chaîne lourde gamma1 anti-TNFRSF17 (1"-446") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105) (1"-116") -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (CH1 K26>E (146), K119>E (212), K120 (213) (117"-214"), charnière 1-15 (215"-229"), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234), P114>G (328) (230"-339"), CH3 Y5>C (348), D12 (355), L14 (357), T22>S (365), L24>A (367), Y86>V (406) (340"-444"), CHS (445"-446")) (117"-446")], (219"-216'")-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-TNFRSF17 (1'""-216'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (90.6%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [7.3.10] (27-33.51-53.90-99) (1'""-109'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%) E12>R (125), Q13>K (126), Km3 A45.1 (155), V101 (193) (110'""-216'")]; dimère (450-225'":453-228'":578-348'")-trisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa antinéoplasique

alnuclumab

immunoglobulina G1-kappa/lambda con dominios cruzados, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del TNF, miembro 17 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, antígeno de maduración de célula B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecífico, trivalente;

cadena pesada gamma1 anti-TNFRSF17 y anti-CD3E (VH-CH1-V-lambda-CH1-h-CH2-CH3) (1-671) [VH anti-TNFRSF17 (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17 (CH1 K26>E (146), K119>E (212), K120 (213) (117-214), bisagra 1-6 (215-220)) (117-220) -10-mer bis(tetraglicil-seril) linker (221-230) -V-LAMBDA anti-CD3E (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* (IGLV7-46*01 (80.0%) -IGLJ3*02 (100%) CDR-IMGT [9.3.9] (256-264.282-284.321-329) (231-339)) -2-merdiseril linker (340-341) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1,G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v32 CH3 W22 (CH1 K120 (438) (342-439), bisagra 1-15 (440-454), CH2 L1.3>A (458), L1.2>A (459), P114>G (553) (455-564), CH3 S10>C (578), D12 (580), L14 (582), T22>W (590) (565-669), CHS (670-671)) (342-671)], (219-216')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-TNFRSF17 (1'-216') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (90.6%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [7.3.10] (27-33.51-53.90-99) (1'-109') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%) E12>R (125), Q13>K (126), Km3 A45.1 (155), V101 (193) (110'-216')]; (444-232')-disulfuro con la cadena ligera VH-C-kappa anti-CD3E (1'""-232'") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (87.0%) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.10.16] (26-33.51-60.99-114) (1'""-125'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (99.1%) T1.3>S (127), Km3 A45.1 (171), V101 (209) (126'""-232'")];

cadena pesada gamma1 anti-TNFRSF17 (1"-446") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105) (1"-116") -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (CH1 K26>E (146), K119>E (212), K120 (213) (117"-214"), bisagra 1-15 (215"-229"), CH2 L1.3>A (233), L1.2>A (234), P114>G (328) (230"-339"), CH3 Y5>C (348), D12 (355), L14 (357), T22>S (365), L24>A (367), Y86>V (406) (340"-444"), CHS (445"-446")) (117"-446")], (219"-216'")-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-TNFRSF17 (1'""-216'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (90.6%) -IGKJ1*01 (91.7%)) CDR-IMGT [7.3.10] (27-33.51-53.90-99) (1'""-109'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%) E12>R (125), Q13>K (126), Km3 A45.1 (155), V101 (193) (110'""-216'")]; dímero (450-225'":453-228'":578-348'")-trisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa antineoplásico

2296827-07-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (1 st -671 anti-TNFRSF17 and anti-CD3)		
EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS DNAMGWVRQA PGKGLEWVSA 50
ISGPGSSTYY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYCAKVL 100
GWFDYWGQGT	LVTVSSASTK	GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVEDYFP 150
EPVTVSWNSG	ALTSQVHTFF	AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
VNKKPSNTKV	DEKVEPKSCD	GGGSGGGGGS QAVVTQEPSEL TVSPGGTITVL 250
TCGSSSTGAVT	TSNIANWVQE	KPQQAIFRGLI GGTNKRAPGT PARFSGSLLG 300
GKAALTLSGA	QPEDEAEYYC	ALWYSNLWVF GGGTKLTVLS SASTKGPSVF 350
FLAFSSSKSTS	GGTAALGCLV	KDYFFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS 400
SGLYSLSSVV	TVPSSSLGTQ	TYICNVNHKP SNRKVDKVE PKSCDKTHTC 450
PPCPAPEAAG	GPSVFLFPFK	PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN 500
WYVDGVEVHN	AKTKPREEQY	NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK 550
ALGAPIEKTI	SKAKGQPREP	QVYTLPPCRD ELTRKNQVSLV CLVKGFPYPSD 600
IAVEWESNGQ	PENNYKTPFP	VLDSDGSEFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFPSCS 650
VMHEALHNHY	TQKSLSLSPG	K 671

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (1 st -446 ^{'''} anti-TNFRSF17)		
EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS DNAMGWVRQA PGKGLEWVSA 50
ISGPGSSTYY	ADSVKGRFTI	SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYCAKVL 100
GWFDYWGQGT	LVTVSSASTK	GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVEDYFP 150
EPVTVSWNSG	ALTSQVHTFF	AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
VNKKPSNTKV	DEKVEPKSCD	KHTCTPPCPA PEAAGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC	VVVDVSHEDP	EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ	DWLNGKEYKC	KVSNKALGAP IEKTIKAKG QPREPQVCTL 350
PFSRDELTKN	QVSLSCAVKG	FYPDSIAVEW ESNQGPENNY KTTTPPVLDSD 400
GSFFLVSKLT	VDKSRWQQGN	VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSPGK 446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (1 st -216 ['] and 1 ^{'''} -216 ^{'''} anti-TNFRSF17)		
EIVLTQSPGT	LSLSPGERAT	LSCRASQSVS DEYLSWYQQK PGQAPRLLIH 50
SASSTRATGIP	DRFSGSGSGT	DFTLAISRLE PEDFAVYCYQ QYGYPPDFTF 100
GQGTKEVIKR	TVAAPSVFIF	PPSDRKLKSG TASVVCLLNN FYPREAKVQW 150
KVDNALQSGN	SQESVTEQDS	KDSTYSLSST LTLTKADYEK HKVYACEVTH 200
QGLSSPVTKS	FNRGEC	216

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (1 ^{'''} -232 ^{'''} anti-CD3E)		
EVQLLESGGG	LVQPGGSLRL	SCAASGFTFS TYAMNWWRQA PGKGLEWVSR 50
IRSKYNNYAT	YYADSVKGRF	TISRDSKNT LYLQMNSLRA EDTAVYVCVR 100
HGNFGNSYVS	WFAYWGQCTL	VTWSSASVAV PSVFIFPPSD EQLKSGTASV 150
VCLLNFIYPR	EAKVQWKVDN	ALQSGNSQES VTEQDSKDSY YLSSTLTLS 200
KADYEHKHY	ACEVTHQGLS	SPVTKSFNRG EC 232

Post-translational modifications		
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro		
Intra-H (C23-C104)	22 ^{''} -96 ^{''}	143 ^{''} -199 ^{''} 252-320 368-424 485-545 591-649
Intra-L (C23-C104)	23 ^{''} -89 ^{''}	136 ^{''} -196 ^{''}
	22 ^{'''} -98 ^{'''}	152 ^{'''} -212 ^{'''}
	23 ^{'''} -89 ^{'''}	136 ^{'''} -196 ^{'''}
Inter-H-L (h 5-CL 126)	219-216 [']	444-232 ^{'''} 219 ['] -216 ^{'''}
Inter-H-H (h 11, h 14)	450-225 [']	453-228 [']
Inter-H-H engineered	578-348 [']	

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
521, 296[']
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
671, 446[']

ancremonamum
ancremonam

1-(((Z)-[1-(2-amino-1,3-thiazol-4-yl)-2-oxo-2-(((3S,4R)-2-oxo-4-[(2-oxo-1,3-oxazolidin-3-yl)methyl]-1-sulfoazetidin-3-yl)amino)ethylidene]amino}oxy)cyclopropane-1-carboxylic acid
monobactam antibiotic

ancrémonam

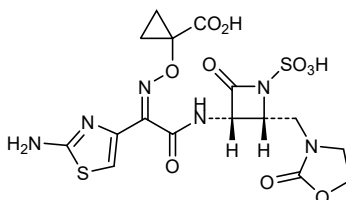
acide 1-(((Z)-[1-(2-amino-1,3-thiazol-4-yl)-2-oxo-2-(((3S,4R)-2-oxo-4-[(2-oxo-1,3-oxazolidin-3-yl)méthyl]-1-sulfoazétidin-3-yl)amino)éthylidène]amino}oxy)cyclopropane-1-carboxylique
antibiotique monobactame

ancremonam

ácido 1-(((Z)-[1-(2-amino-1,3-tiazol-4-il)-2-oxo-2-
(((3*S*,4*R*)-2-oxo-4-[(2-oxo-1,3-oxazolidin-3-il)metil]-1-
sulfoazetidin-3-il)amino)etilideno]amino)oxi)
ciclopropano-1-carboxílico
antibiótico monobactámico

C₁₆H₁₈N₆O₁₀S₂

1810051-96-7



apitegromabum #

apitegromab

immunoglobulin G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* pro-MSTN (pro-growth differentiation factor 8, pro-GDF8, pro-myostatin, pro-GDF-8)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (100%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%)) CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115) (1-126)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (127-224), hinge 1-12 S10>P (234) (225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS K>del (452)) (127-452)], (140-214')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-44*01 (98%) - IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.3.10] (26-33.51-53.90-99) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')];

dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
myostatin inhibitor

apitégromab

immunoglobuline G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* pro-MSTN (pro-facteur de croissance et de différenciation 8, pro-GDF8, pro-myostatine, pro-GDF-8)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;

chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (100%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%)) CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115) (1-126)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (127-224), charnière 1-12 S10>P (234) (225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS K>del (452)) (127-452)], (140-214')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-44*01 (98%) - IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.3.10] (26-33.51-53.90-99) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'-215')];

dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
inhibiteur de la myostatine

apitegromab

inmunoglobulina G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* pro-MSTN (pro-factor de crecimiento y de diferenciación 8, pro-GDF8, pro-miostatina, pro-GDF-8)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-30*03 (100%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%)) CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115) (1-126)-*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (127-224), bisagra 1-12 S10>P (234) (225-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS K>del (452)) (127-452)], (140-214')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-215') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV1-44*01 (98%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.3.10] (26-33.51-53.90-99) (1'-109') -*Homo sapiens*IGLC2*01 (100%) (110'-215')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inhibidor de la miostatina

2278276-46-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVESGGG VVQPGSRSLRL SCAASGFTFS SYGMHWVRQA PGKGLEWVAV 50
ISYDGSNKYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLAED TAVYYCARDL 100
LVRFLEWSHY YGMDVWGQGT TTVTSSASTK GPSVFPLAPC SRSTSESTAA 150
LGCLVKDYFP EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVTVTPSS 200
SLGTKITYTCN VDHKPSNTRV DKRVESYKGP PCPPCPAPEF LGGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSQEDPEVQ FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QFNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKGLPSSIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS QEEMTKNQVS LTCLVKGFP SDAVEWESN GQPENNYKTT 400
PFVLDSDGSF FLYSRLTVDK SRWQEGNVFS CSVMHEALHN HYTKSLSLS 450
LG 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QSVLTQPPSA SGTTPGQRVTI SCSGSSSNIG SNTVHWYQQL PGTAPELLIY 50
SDNQRPSPGP DRFSGSKSGT SASLAISGLQ SEDEADYCA AWDDSLNGVF 100
GGGKTLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVTVA 150
WKADSSPVKA GVEETTPSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH 200
EGSTVEKTVA PTECS 215

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22"-96" 153"-209" 267"-327" 373"-431"
22"-96" 153"-209" 267"-327" 373"-431"
Intra-L (C23-C104) 22"-89" 137"-196"
22"-89" 137"-196"
Inter-H-L (h 10-CL 126) 140-214" 140"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 232-232" 235-235"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
H VH Q1:
I, I"
L VL Q1:
I', I''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
303, 303"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

asundexianum
asundexian

(4S)-2⁴-chloro-4-ethyl-7³-fluoro-3⁵-methoxy-3²,5-dioxo-1⁴-(trifluoromethyl)-3²H-6-aza-3(4,1)-pyridina-1(1)-[1,2,3]triazola-2(1,2),7(1)-dibenzenaheptaphane-7⁴-carboxamide
blood coagulation factor XIa inhibitor

asundexian

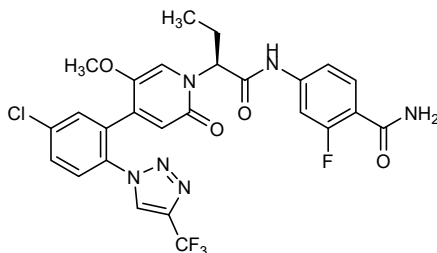
(4S)-2⁴-chloro-4-éthyl-7³-fluoro-3⁵-méthoxy-3²,5-dioxo-1⁴-(trifluorométhyl)-3²H-6-aza-3(4,1)-pyridina-1(1)-[1,2,3]triazola-2(1,2),7(1)-dibenzénaheptaphane-7⁴-carboxamide
inhibiteur du facteur XIa de coagulation sanguine

asundexián

(4S)-2⁴-cloro-4-etil-7³-fluoro-3⁵-metoxi-3²,5-dioxo-1⁴-(trifluorometil)-3²H-6-aza-3(4,1)-piridina-1(1)-[1,2,3]triazola-2(1,2),7(1)-dibencenaheptafano-7⁴-carboxamida
inhibidor del factor Xla de coagulación sanguínea

C₂₆H₂₁ClF₄N₆O₄

2064121-65-7

**atidarsagenum autotemcelum #**

atidarsagène autotemcel

Autologous CD34⁺ hematopoietic stem and progenitor cells transduced *ex vivo* with a replication-defective lentiviral vector encoding human arylsulfatase A (ARSA).
 Autologous CD34⁺ hematopoietic stem and progenitor cells (HSPC), obtained from bone marrow (BM) or mobilised peripheral blood (mPB), transduced *ex vivo* with a replication-defective pseudotyped HIV-1 based lentiviral vector encoding the human arylsulfatase A (ARSA) transgene under the control of a human phosphoglycerate kinase (PGK) promoter and the Woodchuck hepatitis virus posttranscriptional regulatory element (WPRE). The vector is pseudotyped with the vesicular stomatitis virus (VSV) envelope glycoprotein. The vector genome also contains a fragment of the HIV-1 *gag*, an HIV-1 Rev response element (RRE) and an HIV-1 central polypurine tract (cPPT) and a fragment of *nef*. The CD34⁺ cell population is positive for CD90, CD133, CD19 and CD15 and negative for CD3, CD56 and CD16.
cell-based gene therapy (metachromatic leukodystrophy)

atidarsagène autotemcel

Des cellules souches et progénitrices hématopoïétiques CD34⁺ autologues ont été transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral à réplication défectueuse codant pour l'arylsulfatase A humaine (ARSA).
 Des cellules souches et progénitrices hématopoïétiques CD34⁺ autologues (HSPC), obtenues à partir de moelle osseuse (BM) ou de sang périphérique mobilisé (mPB), ont été transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral, à base de VIH-1 pseudotypé et présentant un défaut de réplication, codant pour le transgène de l'arylsulfatase A humaine (ARSA), sous le contrôle d'un promoteur de la phosphoglycérate kinase (PGK) humaine et de l'élément régulateur post-transcriptionnel Woodchuck (WPRE) du virus de l'hépatite. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine d'enveloppe du virus de la stomatite vésiculeuse (VSV). Le génome du vecteur contient également un fragment du *gag* du VIH-1, un élément de réponse post-transcriptionnel (RRE) du VIH-1 et un tractus central de polypurine du VIH-1 (cPPT), ainsi qu'un fragment de *nef*. La population de cellules CD34⁺ est positive pour CD90, CD133, CD19 et CD15 et négative pour CD3, CD56 et CD16.
thérapie génique à base de cellules (leucodystrophie métagénétique)

atidarsagén autotemcel

Células troncales y progenitoras hematopoyéticas CD34+ autólogas transducidas *ex vivo* con un vector lentiviral deficiente en replicación que codifica para la arilsulfatasa A humana (ARSA). Las células troncales y progenitoras hematopoyéticas CD34+ autólogas, obtenidas de médula ósea o movilizadas de sangre periférica, se transducen *ex vivo* con un vector lentiviral basado en VIH-1 seudotipado y deficiente en replicación, que codifica el transgen de la arilsulfatasa A humana (ARSA) bajo el control de un promotor de la fosfoglicerato quinasa humana (PGK) y del elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). El vector está seudotipado con la glicoproteína de la envuelta del virus de la estomatitis vesicular (VSV). El genoma del vector también contiene un fragmento de *gag* del VIH-1, un elemento de respuesta post-transcripcional (RRE) del VIH-1 y un tramo central de poli-purinas (cPPT) de VIH-1, así como un fragmento de *nef*. La población de células CD34+ es positiva para CD90, CD133, CD19 y CD15 y negativa para CD3, CD56 y CD16.

terapia génica basada en células (leucodistrofia metacromática)

avipendekinum pegolum #
avipendekin pegol

human L-methionyl-interleukin 15, produced in *Escherichia coli*, pegylated at N² of Met¹ and N⁶ of Lys residues with 4-[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-oxy]butanoyl groups;
L-methionyl-interleukin 15 (human, non-glycosylated), produced in *Escherichia coli*, substituted on an average of one site among N² of Met¹ and/or N⁶ of lysyl residues with 4-[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-oxy]butanoyl groups (~40 kDa each)
interleukin derivative

avipendékine pégol

L-méthionyl-interleukine 15 humaine, produite par *Escherichia coli*, pégylée en N² de Met¹ et N⁶ des résidus Lys avec des groupes 4-[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-oxy]butanoyle;
L-méthionyl-interleukine 15 (humaine, non-glycosylée), produite dans *Escherichia coli*, substituée sur une moyenne d'un site parmi le N² du Met¹ et/ou N⁶ des résidus lysyl par des groupes 4-[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-oxy]butanoyle (~40 kDa chacun)
dérivé de l'interleukine

avipendekina pegol

L-metionil-interleukina 15 humana, producida en *Escherichia coli*, pegilada en N² de Met¹ y N⁶ de residuos Lis con grupos 4-[α-metilpoli(oxiétileno)-ω-oxi]butanoilo;

L-metionil-interleukina 15 (humana, no glicosilada),
 producida en *Escherichia coli*, sustituida pro término
 medio de un sitio entre el N² del Met¹ y/o el N⁶ de los
 residuos lisil por grupos 4-[α-metilpoli(oxietileno)-ω-
 oxil]butanoilo (~40 kDa cada uno)
derivado de la interleukina

C₅₆₃H₈₉₈N₁₄₄O₁₈₅S₈[C₅H₈O₂(C₂H₄O)_n]_x 2361317-09-9
 n ≈ 900, x ≈ 1

Sequence / Séquence / Secuencia

MNWNVISDL KKIEDLIQSM HIDATLYTES DVHPSCKVTA MKCFLLLELQV 50
 ISLES GDASI HDTVENLIIL ANNSLSSNGN VTESGCKEKE ELEEKNKEF 100
 LQSFVHIVQM FINTS 115

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 36-86, 43-89

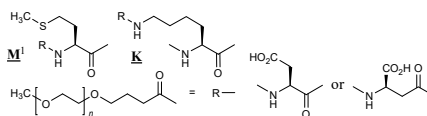
Partial deamidation / Désamidation partielle / Desamidación parcial

N78 (Asn>Asp, isoaspartyl)

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

avipendekin : pegol ~ 1:1

M¹ (Met 1: ~32-40 %), K (Lys 11, 37, 42, 87: ~33-42 %; Lys 12, 95, 98: ~18-35 %)



avotaciclibum

avotaciclib

2,6-bis(2-aminopyrimidin-4-yl)pyridin-3-ol
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

avotaciclib

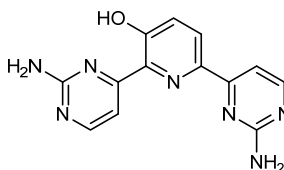
2,6-bis(2-aminopyrimidin-4-yl)pyridin-3-ol
*inhibiteur des kinases dépendantes des cyclines,
 antinéoplasique*

avotaciclib

2,6-bis(2-aminopirimidin-4-il)piridin-3-ol
*inhibidor de las kinasas dependientes de las ciclinas,
 antineoplásico*

C₁₃H₁₁N₇O

1983983-41-0



azercabtagenum zapreleucelum #

azercabtagene zapreleucel

Adult allogeneic CD4+ and CD8+ enriched T cells
 transduced with an anti-CD19 chimeric antigen
 receptor (CAR) that is site-specific integrated into the
 cellular genome.

Adult allogeneic CD4+ and CD8+ enriched T cells,
 gene edited through the electroporation of homing
 endonuclease mRNA, which is translated into

	endonuclease protein that introduces a double-stranded DNA break in exon 1 of the endogenous T cell receptor alpha constant (TRAC) locus. Cells are subsequently transduced with a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 6 (rAAV6) vector, encoding an anti-CD19 CAR transgene consisting of a murine CD19-specific scFv (clone FMC63), a CD8 hinge/transmembrane domain, a novel 6 (N6) co-stimulatory domain and CD3 zeta signalling domain, under the control of the synthetic promoter JeT and the SV40 poly(A) signal. CAR transgene integration is achieved via homology directed recombination at the endonuclease target site (exon 1 of TRAC). Depletion of CD3+ cells is performed on the transduced cells to remove cells with functional endogenous T cell receptor (TCR). The cells are ≥40% anti-CD19 CAR+, ≥99% CD3- (T cell receptor knock out) and are a mixture of CCR7+/CD4+ and CCR7+/CD8+ T cells. Activation of the cells is accompanied <i>in vitro</i> by release of IFNγ, IL-2, IL-6, and TNFα in an antigen-dependent manner. <i>cell-based gene therapy (antineoplastic)</i>
azercabtagène zapréleucel	Cellules T adultes allogéniques de type CD4+ et CD8+ transduites avec un récepteur d'antigène chimérique (CAR) anti-CD19 qui est intégré de manière spécifique au site. Cellules T allogéniques enrichies en cellules de type CD4+ et CD8+, dont les gènes ont été édités par l'électroporation du mRNA de l'endonuclease de ciblage, qui est traduite en une protéine endonucléase qui introduit une rupture d'ADN double brin dans l'exon 1 du locus du récepteur alpha endogène aux cellules T (TRAC). Les cellules sont transduites ensuite avec un vecteur du virus recombinant à adéno-associé, non réplicatif de type 6 (rAAV6), qui code pour un transgène anti-CD19 CAR, qui consiste en un scFv spécifique à CD19 (clone FMC63), un domaine CD8 transmembranaire/charnière, en un nouveau domaine de co-stimulation 6 (N6) et en un domaine de signalisation CD3 zêta, sous le contrôle du promoteur synthétique JeT et d'un signal poly(A) SV40. L'intégration du transgène CAR est obtenue via la recombinaison homologue dirigée au site de ciblage de l'endonuclease (l'exon 1 du TRAC). La déplétion des cellules CD3+ est effectuée sur les cellules transduites pour éliminer les cellules avec des récepteurs T (TCR) endogènes. Les cellules sont ≥40% anti-CD19 CAR+, ≥99% CD3- (récepteurs T désactivés) et sont un mélange de cellules T de type CCR7+/CD4+ et CCR7+/CD8+. L'activation des cellules est accompagnée <i>in vitro</i> par le relâchement d'IFNγ, IL-2, IL-6, et TNFα d'une manière antigène-dépendante. <i>thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)</i>
azercabtagén zapreleucel	Células T adultas, alogénicas, enriquecidas en CD4+ y CD8+, transducidas con un receptor de antígenos quimérico (CAR) anti-CD19 que se integra en el genoma celular de forma específica de sitio.

Células T adultas, alogénicas, enriquecidas en CD4+ y CD8+, con genes editados mediante la electroporación del ARNm de una endonucleasa de homing, que se traduce a una proteína endonucleasa que introduce una rotura en el ADN de doble cadena en el exón 1 del locus de la región constante del receptor alfa de células T endógenas (TRAC). Las células son posteriormente transducidas con un vector recombinante, no replicativo, de virus adeno-asociado tipo 6 (rAAV6) que codifica para un transgén de CAR anti-CD19 que consiste en un scFv murino anti-CD19 (clon FMC63), un dominio bisagra/transmembrana CD8, un nuevo dominio de co-estimulación 6 (N6) y el dominio de señalización CD3 zeta, bajo el control del promotor sintético JeT y la señal poly(A) del SV40. La integración del transgén CAR se consigue mediante recombinación homóloga dirigida en el sitio diana de la endonucleasa (exón 1 de TRAC). Se realiza la depleción de células CD3+ en las células transducidas para eliminar las células con un receptor de células T (TCR) endógeno funcional. Las células son ≥40% CAR anti-CD19+, ≥99% CD3- (receptor de células T desactivado) y tienen una mezcla de células T CCR7+/CD4+ y CCR7+/CD8+. La activación de las células está acompañada *in vitro* por la liberación de IFN γ , IL-2, IL-6, y TNF α de una manera antígeno-dependiente.

terapia génica basada en células (antineoplásico)

bapotulimabum #
bapotulimab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* ILDR2 (immunoglobulin like domain containing receptor 2, C1orf32)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma2 heavy chain *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*10 (100%) -(IGHD)-IGHJ5*01 (81.2%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG2*01, G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (121-218), hinge 1-12 (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS K>del (445)) (121-445)], (134-219')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-28*01 (99%) -IGKJ4*01 (83.3%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
dimer (222-222":223-223":226-226":229-229")-tetrakisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-derived cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

bapotulimab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* ILDR2 (récepteur 2 contenant un domaine immunoglobuline-like, C1orf32)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma2 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*10 (100%) -(IGHD)-IGHJ5*01 (81.2%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG2*01, G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (121-218), charnière 1-12 (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS K>del (445)) (121-445)], (134-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV2-28*01 (99%) -IGKJ4*01 (83.3%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
dimère (222-222":223-223":226-226":229-229")-tétrakisdisulfure, produite dans une lignée cellulaire dérivée des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

bapotulimab

immunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* ILDR2 (receptor 2 que contiene un dominio inmunoglobulina-like, C1orf32)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
 cadena pesada gamma2 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*10 (100%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (81.2%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG2*01, G2m.. CH2 V45.1 (CH1 (121-218), bisagra 1-12 (219-230), CH2 V45.1 (281) (231-339), CH3 (340-444), CHS K>del (445)) (121-445)], (134-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (99%) -IGKJ4*01 (83.3%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
 dímero (222-222'':223-223'':226-226'':229-229'')-tetrakisdisulfuro, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2359413-58-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS SYAISWVRQA PGQGLEWMGG 50
 IIPILGIAN Y AQKFQGRVTI TADKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARGR 100
 LPYGFDFWSW GQGTLTIVTS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK 150
 DYFPEPTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSNFGTQT 200
 YTCNVDHKPS NTKVDKTVR KCCVECPCCP APPVAGPSVF LFPPKPKDTL 250
 MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EQVFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQFNSTFR 300
 VPSVLTIVHQ DNLNGKEYKC KVSNGKLPAP IEKTISKTKG QPREPQVYTL 350
 PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPFENY KTTFPMLDSD 400
 GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMEHA LHNHYTQKSL SLSPG 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIVMTQSPIS LPVTPGPAS ISCRSSQSL YSNGYNYLDW YLQKPGQSPQ 50
 LLILYGSNRA SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVG YYCMQALQTF 100
 LTFGGGCKLE IRRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
 VQWVKDNLQ SGNQSQSVTE QDSKDSYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
 VTHQQLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 260-320 366-424
 22"-96" 147"-203" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23'-93" 139'-199"
 23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126)* 134-219' 134"-219"

Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11)* 222-222' 223-223' 226-226' 229-229'

*A-isoform, predominant

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl)

H VH Q1:

1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

barecetamabum #**barecetamab**

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor tyrosine-protein kinase erbB-3, HER3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, nG1m1, G1m17 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-215')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (92.9%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.3.11] (26-33.51-53.90-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (100%) (111'-216')];
 dimer (230-230'':233-233'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
antineoplastic

barécétamab immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (récepteur à activité tyrosine kinase erbB-3, HER3)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, nG1m1, G1m17 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (225-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (92.9%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.3.11] (26-33.51-53.90-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (100%) (111'-216')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antineoplasique

barecetamab inmunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor de la actividad tirosina kinasa erbB-3, HER3)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, nG1m1, G1m17 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (225-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (92.9%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.3.11] (26-33.51-53.90-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC3*03 (100%) (111'-216')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplásico

2275727-74-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYDMSWVRQA PGKGLEWVST 50
IDLDSGSIYY ADSVQGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVVYCAKDL 100
HMGPEGPFDY WQGGTLTVTS SASTKGPVSF PLAPSSKSTS GGTAAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SNWSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TTPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVKKKVE PKSCDKTHTC PPCAPEPELLG GFSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAEWESNGQ PENNYKTTTP 400
VLDSGDSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
QSVLTQPPSA SGTFGQRTVI SCSGSSSNIG SNSVSWYQQL PGTAFLKLLIY 50
SDNHRPSGVP DRFSGSKSGT SASLAISGLR SEDEADYYCQ GWDTSLSGHV 100
FGGGTKLTVL GQPKAAPSVT LFPPSSEELQ ANKATLVCLI SDFYPGAVTV 150
AWKADSSPVK AGVETTPPSK QSNNKYAAAS YLSLTPEQWK SHKSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTECS 216
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 22'-89' 138'-197'
22"'-89'" 138'"-197'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-215' 224"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

L VL Q1:

I', I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

301, 301"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

451, 451"

batiraxceptum #

batiraxcept

human tyrosine-protein kinase receptor UFO (AXL oncogene) fragment (8-202, 1-195 in the current sequence), variant (G¹⁴>S⁷, A⁵⁴>V⁴⁷, D⁶⁹>G⁶², V⁷⁴>A⁶⁷, G¹⁰⁹>R¹⁰²), fused via peptidyl linker (¹⁹⁶GGGGS²⁰⁰) to a human immunoglobulin G1 Fc fragment (201-426, C-terminal Lys residue deleted), dimer, glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells; [G¹⁴>S(7), A⁵⁴>V(47), D⁶⁹>G(62), V⁷⁴>A(67), G¹⁰⁹>R(102)] human AXL receptor tyrosine kinase (AXL oncogene, tyrosine-protein kinase receptor UFO) (8-202)-peptide (1-195), fused via a G₄S linker (196-200) to a human immunoglobulin G1 C-terminal K>del Fc fragment (201-426), dimer (206-206':209-209')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

batiraxcept

récepteur de la tyrosine kinase-protéine UFO (oncogène AXL), fragment (8-202, 1-195 dans la séquence présente), variant (G¹⁴>S⁷, A⁵⁴>V⁴⁷, D⁶⁹>G⁶², V⁷⁴>A⁶⁷, G¹⁰⁹>R¹⁰²), fusionné via un peptide liant (¹⁹⁶GGGGS²⁰⁰) à un fragment Fc de l'immunoglobuline humaine G1 (201-426, résidu Lys C-terminal supprimé), dimère, glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO); [G¹⁴>S(7), A⁵⁴>V(47), D⁶⁹>G(62), V⁷⁴>A(67), G¹⁰⁹>R(102)] tyrosine kinase du récepteur AXL humaine (oncogène AXL, récepteur de la tyrosine kinase-protéine UFO) (8-202)-peptide (1-195), fusionné via un peptide liant G₄S (196-200) au fragment Fc C-terminal K>del de l'immunoglobuline G1 humaine (201-426), dimère (206-206':209-209')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

batiraxcept

receptor de la proteína tirosina kinasa humana UFO (oncogén AXL) fragmento (8-202, 1-195 en la secuencia actual), variante (G¹⁴>S⁷, A⁵⁴>V⁴⁷, D⁶⁹>G⁶², V⁷⁴>A⁶⁷, G¹⁰⁹>R¹⁰²), fusionado a través de un conector peptidil (¹⁹⁶GGGGS²⁰⁰) a una inmunoglobulina humana G1 Fc fragmento (201-426, residuo Lis C-terminal eliminado), dímero, glicosilado, producido en células ováricas de hámster Chino (CHO); [G¹⁴>S(7), A⁵⁴>V(47), D⁶⁹>G(62), V⁷⁴>A(67), G¹⁰⁹>R(102)] AXL receptor tirosina kinasa humana (oncogén AXL, receptor de la proteína tirosina-kinasa UFO) (8-202)-péptido (1-195), fusionado a través de un péptido G₄S (196-200) con un fragmento Fc C-terminal K>del de la inmunoglobulina G1 humana (201-426), dímero (206-206':209-209')-bisdisulfuro, producido en células ováricas de hámster Chino (CHO), glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2268717-61-7

Sequence / Séquence / Secuencia
 EESPFVSNPG NITGARGLTG TLRCQLQVQG EPPEVHWLRD GQILELV DST 50
 QTQVPLGEDE QGDWIVASOL RITSLQLSDT GQYQCLVFLG HQTFFVSQPGY 100
 VRLEGLPYFL EEPEDRTVAA NTFNLSCQA QGPPEPVDLL WLQDAVPLAT 150
 APGHGQPSRL HVPGLNKTSS FSCEAHNAKG VTTSRTATIT VLPQC **GGGGS** 200
 DKTHTCFCPCP APELLGGPSV FLFPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED 250
 PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQVNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK 300
 CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQRPPEQVYT LPFSREEMTK NQVSLTCLVK 350
 GFYFSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPFVLDS DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG 400
 NVFSCSVME ALHNHYTQKS LSLSPG 426

Post-translational modifications
 Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 intra-AXL 24-85 128-173 intra-Fc 241-301 347-405
 24'-85' 128'-173' 241'-301' 347'-405'
 inter-Fc 206-206' 209-209'

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
 AXL: N11, N125, N166, N11', N125', N166';
 Fc: N277, N277'

befotertinibum
 befotertinib

N-[2-[[2-(dimethylamino)ethyl](methyl)amino]-4-methoxy-5-({4-[1-(2,2,2-trifluoroethyl)-1*H*-indol-3-yl]pyrimidin-2-yl}amino)phenyl]prop-2-enamide
epidermal growth factor receptor (EGFR) tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

béfotertinib

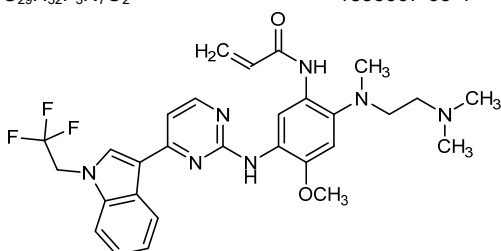
N-[2-[[2-(diméthylamino)éthyl](méthyl)amino]-4-méthoxy-5-({4-[1-(2,2,2-trifluoroéthyl)-1*H*-indol-3-yl]pyrimidin-2-yl}amino)phényl]prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase du récepteur du facteur de croissance épidermique (EGFR), antinéoplasique

befotertinib

N-[2-[[2-(dimetilamino)etil](metil)amino]-4-metoxi-5-({4-[1-(2,2,2-trifluoroetil)-1*H*-indol-3-il]pirimidin-2-il}amino)fenil]prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa del receptor del factor de crecimiento epidérmico (EGFR), antineoplásico

C₂₉H₃₂F₃N₇O₂

1835667-63-4



belumosudilum
 belumosudil

2-(3-{4-[(1*H*-indazol-5-yl)amino]quinazolin-2-yl}phenoxy)-*N*-(propan-2-yl)acetamide
Rho-associated (ROCK) kinase inhibitor

bélumosudil

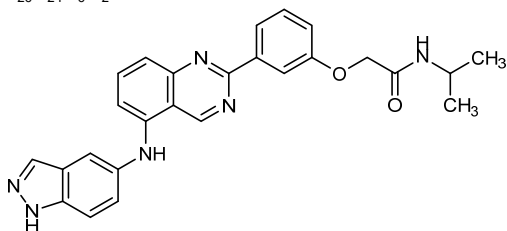
2-(3-{4-[(1*H*-indazol-5-yl)amino]quinazolin-2-yl}phénoxy)-*N*-(propan-2-yl)acétamide
inhibiteur de la protéine kinase associée à Rho

belumosudil

2-(3-[4-[(1*H*-indazol-5-il)amino]quinazolin-2-il]fenoxi)-
N-(propan-2-il)acetamida
inhibidor de la proteína kinasa asociada al Rho

C₂₆H₂₄N₆O₂

911417-87-3



bentracimabum #
 bentracimab

immunoglobulin Fab G1-lambda, anti-[ticagrelor and its active metabolite AR-C124910XX], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 VH-(CH1-hinge) gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-234) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*06 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-58.97-118) (1-129) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3 (CH1 R120 (226) (130-227), hinge 1-7 (228-234)) (130-234)], (232-215')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV1-51*01 (94.6%) -IGLJ2*01 (81.8%)) CDR-IMGT [8.3.11] (26-33.51-53.90-100) (1'-110') - *Homo sapiens*IGLC2*01(100%) (111'-216')], non-glycosylated, produced in the bacteria *Escherichia coli* antidote to ticagrelor (95)(57)

bentracimab

immunoglobuline Fab G1-lambda, anti-[ticagrelor et son métabolite actif AR-C124910XX], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 VH-(CH1-charnière) chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-234) [VH (*Homo sapiens* (1-234) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-69*06 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-58.97-118) (1-129) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3 (CH1 R120 (226) (130-227), charnière 1-7 (228-234)) (130-234)], (232-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV1-51*01 (94.6%) -IGLJ2*01 (81.8%)) CDR-IMGT [8.3.11] (26-33.51-53.90-100) (1'-110') -*Homo sapiens*IGLC2*01(100%) (111'-216')], non-glycosylé, produit dans la bactérie *Escherichia coli* antidote du ticagrélor (95)(57)

bentracimab

inmunoglobulina Fab G1-lambda, anti-[ticagrelor y su metabolito activo AR-C124910XX], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;

VH-(CH1-bisagra) cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-234) [VH (*Homo sapiens* (1-234) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-58.97-118) (1-129) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3 (CH1 R120 (226) (130-227), bisagra 1-7 (228-234)) (130-234)], (232-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-51*01 (94.6%) -IGLJ2*01 (81.8%)) CDR-IMGT [8.3.11] (26-33.51-53.90-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01(100%) (111'-216')], no glicosilado, producido en la bacteria *Escherichia coli* *antídoto del ticagrelor* (95)(57)

2260568-31-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQESGAE VKKPGSSVRV SKKASGGTFD SYSIHWVRQA PQQGLEWGG 50
IIPAFGTLSS AQDFQARVTI SADKSTSTAY MELSGLRSED TAVYYCARGS 100
FDYYFWSASH PFDALAIWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSG 150
TAALGCLVKD YFPEPVTYVW NSGALTSGVH TFPFVQLQSSG LYSLSVTV 200
PSSSLGTQTY ICNVNHKPSN TKVDKRVPEK SCDK 234

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QSVVTQPPSV SAAPGGKVTI SCGSGNSDIG NNYVSWYQOL PGTAPKLLIY 50
DNNKRPSGIP DRFSGSKSGT SATLAITGLQ AGDEADYCG TWLYDRAVGL 100
FGGKTKVTVL GQPKAAPSTV LFPPSSEELQ ANKATLVCLL SDFYFGAVTV 150
AWKADSSPVK AGVETTTPSK QSNKNYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTECS 216

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 156-212

Intra-L (C23-C104) 22'-89' 138'-197'

Inter-H-L (h5-CL 126) 232-215'

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

L VH Q1:

I

L VL Q1:

I'

No N-glycosylation site / pas de sites de N-glycosylation / ningun posición de N-glycosilación
Agycosylated

bepirovirsenum

bepirovirsen

all-P-ambo-2'-O-(2-methoxyethyl)-P-thioguanlyl-
(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-
(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-
2'-O-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-
methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-
thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-*P*-
thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-
2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-
thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-
2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-
thioguanlyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-
2'-O-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-(2-
methoxyethyl)-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-
methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-
methoxyethyl)-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-
methoxyethyl)-5-methylcytidine
antiviral

bépirovirsén

tout-P-ambo-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-P-thioguanlyl-
(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-
(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-
2'-O-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanlyl-(3'→5')-2'-O-(2-
méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-

bépirovirsén

P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidine
antiviral

tout-P-ambo-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidine
antiviral

bepirovirsén

todo-P-ambo-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-5-metilcitidina
antiviral

C₂₃₀H₃₀₉N₈₈O₁₁₅P₁₉S₁₉

1403787-62-1

(3'-5') $\overline{\text{G}}=\overline{\text{C}}=\overline{\text{A}}=\overline{\text{A}}=\overline{\text{d}}[\overline{\text{G}}=\overline{\text{T}}=\overline{\text{G}}=\overline{\text{A}}=\overline{\text{G}}=\overline{\text{C}}=\overline{\text{G}}=\overline{\text{A}}=\overline{\text{A}}=\overline{\text{G}}=\overline{\text{U}}=\overline{\text{G}}=\overline{\text{C}}]$ *Legend* d : 2'-deoxynucleotides $\overline{\text{X}}$: 2'-*O*-(2-methoxyethyl)nucleotideC, C, $\overline{\text{U}}$: 5-methylnucleotide

beremagenum geperpavecum #
beremagene geperpavec

A replication-defective herpes simplex virus encoding human collagen type VII alpha 1 chain (COL7A1). A recombinant replication-defective, non-integrating herpes simplex virus-1 (HSV-1) (KOS strain) encoding two copies of human collagen type VII alpha 1 chain (COL7A1), inserted into the immediate early (IE) infected cell protein 4 (ICP4) gene regions after deletion of both copies of ICP4 genes, under the control of the human cytomegalovirus (hCMV) immediate early promoter and bovine growth hormone polyadenylation signal (bGHpA). The infected cell protein 22 (ICP22) gene is also deleted.
gene therapy (dystrophic epidermolysis bullosa)

berémagène géperpavec

Un virus herpès simplex à réplication défectueuse codant pour la chaîne du collagène humain de type VII alpha 1 (COL7A1).
Un virus recombinant de l'herpès simplex-1 (HSV-1) (souche KOS), non intégrateur et à défaut de réplication, codant pour deux copies de la chaîne du collagène humain de type VII alpha 1 (COL7A1), insérées dans les régions du gène de la protéine d'infection cellulaire précoce 4 (ICP4) après délétion des deux copies des gènes ICP4, sous le contrôle du promoteur précoce immédiat du cytomégalo virus humain (hCMV) et du signal de polyadénylation de l'hormone de croissance bovine (bGHpA). Le gène de la protéine d'infection cellulaire précoce 22 (ICP22) est également supprimé.
thérapie génique (épidermolyse bulleuse dystrophique)

beremagén geperpavec

Un virus herpes simplex deficiente para replicación que codifica para la cadena de colágeno humano de tipo VII alfa 1 (COL7A1).
Un virus herpes simplex -1 (HSV-1) (cepa KOS) recombinante, no integrativo y deficiente en replicación, que codifica dos copias de la cadena de colágeno humano de tipo VII alfa 1 (COL7A1), insertadas en las regiones del gen de la proteína de infección celular inmediatamente temprana 4 (ICP4) tras la delección de las dos copias de genes ICP4, bajo el control del promotor inmediatamente temprano del citomegalovirus humano (hCMV) y la señal de poliadenilación de la hormona de crecimiento bovina (bGHpA). El gen de la proteína de infección celular 22 (ICP22) está también delecionado.
terapia génica (epidermólisis ampulosa distrófica)

2241888-62-8

cagrilintidum
cagrilintide

$N^{2,1}$ -[N-(19-carboxynonadecanoyl)-L-γ-glutamyl]-[N¹⁴>E, V¹⁷>R, A²⁵>P, S²⁸>P, S²⁹>P, Y³⁷>P]-human amylin (islet amyloid polypeptide, IAPP, diabetes-associated peptide, DAP, insulinoma amyloid peptide, INN: *amlintide*), (35-40)-disulfide
amylin analogue

cagrilintide

$N^{2,1}$ -[N-(19-carboxynonadécanoil)-L-γ-glutamyl]-[N¹⁴>E, V¹⁷>R, A²⁵>P, S²⁶>P, S²⁹>P, Y³⁷>P]-amyline humaine (polypeptide amyloïde des îlots, IAPP, peptide associé au diabète, DAP, polypeptide amyloïde de l'insulinome, *DCI: amlintide*), (35-40)-disulfure
analogue de l'amyline

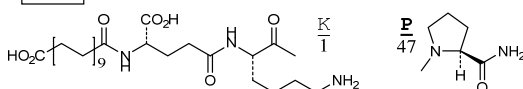
cagrilintida

$N^{2,1}$ -[N-(19-carboxinonadecanoil)-L-γ-glutamyl]-[N¹⁴>E, V¹⁷>R, A²⁵>P, S²⁶>P, S²⁹>P, Y³⁷>P]-amilina humana (polipéptido amiloide de los islotes, IAPP, péptido asociado a la diabetes, DAP, polipéptido amiloide insulinoma, *DCI: amlintida*), (35-40)-disulfuro
análogo de amilina

C₁₉₄H₃₁₂N₅₄O₅₉S₂

1415456-99-3

KCNTATCATQ RLAEFLRHSS NNEFGPILPPT NVGSENTP 47



cantharidinum

cantharidin

(3a*R*,4*S*,7*R*,7a*S*)-3a,7a-dimethylhexahydro-4,7-epoxy-2-benzofuran-1,3-dione
vesicant

cantharidine

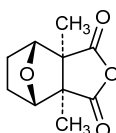
(3a*R*,4*S*,7*R*,7a*S*)-3a,7a-diméthylhexahydro-4,7-époxy-2-benzofurane-1,3-dione
vésicant

cantaridina

(3a*R*,4*S*,7*R*,7a*S*)-3a,7a-dimetilhexahidro-4,7-epoxi-2-benzofurano-1,3-diona
vesicante

C₁₀H₁₂O₄

56-25-7



carfloglitazarum

carfloglitazar

O-[2-(9*H*-carbazol-9-yl)ethyl]-N-[2-(4-fluorobenzoyl)phenyl]-DL-tyrosine
peroxisome proliferator activating receptor (PPAR) agonist

carfloglitazar

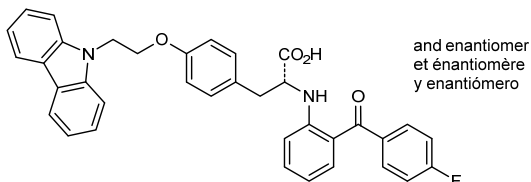
O-[2-(9*H*-carbazol-9-yl)éthyl]-N-[2-(4-fluorobenzoyl)phényl]-DL-tyrosine
agoniste des récepteurs activés par les proliférateurs de peroxysomes

carfloglitazar

O-[2-(9*H*-carbazol-9-yl)etil]-*N*-[2-(4-fluorobenzoyl)fenil]-DL-tirosina
agonista de los receptores activados por los factores de proliferación de peroxisomas

C₃₆H₂₉FN₂O₄

2213406-75-6



cedirogantum

cedirogant

[1-(2,4-dichloro-3-[[7-chloro-5-(trifluoromethyl)-1*H*-indol-1-yl]methyl]benzoyl)piperidin-4-yl]acetic acid
retinoid-related orphan receptor-γt (RORγt) antagonist

cédirogant

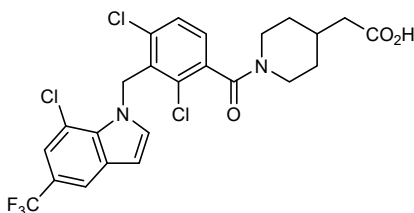
acide [1-(2,4-dichloro-3-[[7-chloro-5-(trifluorométhyl)-1*H*-indol-1-yl]méthyl]benzoyl)pipéridin-4-yl]acétique
antagoniste des récepteurs γt orphelins liés aux rétinoïdes (RORγt)

cedirogant

ácido [1-(2,4-dicloro-3-[[7-cloro-5-(trifluorometil)-1*H*-indol-1-il]metil]benzoyl)piperidin-4-il]acético
antagonista de los receptores γt huérfanos relacionados con los retinoides (RORγt)

C₂₄H₂₀Cl₃F₃N₂O₃

2055496-11-0



cevaretigenum ritoparvovecum #

cevaretigene ritoparvovec

A non-replicating adeno-associated viral vector serotype 5 vector encoding human retinoid isomerohydrolase (RPE65).

A recombinant non-replicating adeno-associated viral vector serotype 5 (rAAV5), encoding codon-optimised human retinoid isomerohydrolase (retinal pigment epithelium-specific 65 kDa protein [RPE65]), under the control of the human RPE65 promoter and an SV40 poly(A) signal, flanked by AAV2 inverted terminal repeats (ITR).

gene therapy (retinal dystrophy)

cévarétigène ritoparvovec

Un vecteur adénoviral à réplication défectueuse de sérotype 5 et codant pour l'isomérohydrolase rétinoïde humaine (RPE65).

	Un vecteur adénoviral recombinant à réplication défectueuse de sérotype 5 (rAAV5), codant pour une isomérohydrolase rétinienne humaine, avec des codons optimisés (protéine de 65 kDa spécifique de l'épithélium pigmentaire rétinien [RPE65]), sous le contrôle du promoteur RPE65 humain et d'un signal SV40 poly(A), flanqué de répétitions terminales inversées (ITR) AAV2. <i>thérapie génique (dystrophie rétinienne)</i>
cevaretigén ritoparvovec	Un vector de virus adeno-asociado serotipo 5, no replicativo, que codifica para la isomerohidrolasa retinoide humana (RPE65). Un vector de virus adeno-asociado recombinante serotipo 5, (rAAV5) no replicativo, que codifica para la isomerohidrolasa retinoide humana (proteína de 65 kDa específica del epitelio pigmentario retiniano [RPE65]) con los codones optimizados, bajo el control del promotor de RPE65 humano y una señal poly(A) de SV40, flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITR) del AAV2. <i>terapia génica (distrofia retiniana)</i>
	2247971-00-0
cipaglicosidasum alfa # cipaglicosidase alfa	human lysosomal α-glucosidase (acid alpha-glucosidase, acid maltase) fragment (57-952, 57-69 from the propeptide sequence), (1-896, 1-13 in the current sequence), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycosylated; human lysosomal α-glucosidase (acid alpha-glucosidase, GAA, acid maltase; EC 3.2.1.20) pre-pro-protein (57-952)-peptide (with 13 residues (57-69) of the propeptide (28-69)), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>enzyme replacement therapy</i>
cipaglicosidase alfa	α-glucosidase lysosomale humaine (alpha-glucosidase acide, maltase acide) fragment (57-952, 57-69 de la séquence du propeptide), (1-896, 1-13 dans la séquence actuelle), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycosylée; α-glucosidase lysosomale humaine (alpha-glucosidase acide, GAA, maltase acide; EC 3.2.1.20) pré-pro-protéine (57-952)-peptide (avec 13 résidus (57-69) du propeptide (28-69)), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>traitement enzymatique substitutif</i>
cipaglicosidasa alfa	α-glucosidasa lisosomal humana (ácido alfa-glucosidasa, ácido maltasa) fragmento (57-952, 57-69 de la secuencia propéptido), (1-896, 1-13 en la secuencia actual), producido en células ováricas de hámster Chino (CHO), glisosiladas; α-glucosidasa lisosómica humana (alfa glucosidasa ácida, GAA, maltasa ácida; EC 3.2.1.20) pre-pro-proteína (57-952)-péptido, (con 13 residuos (57-69) del propéptido (28-69)), producido en las células ováricas de hámster Chino (CHO), glicosilada alfa <i>tratamiento enzimático de sustitución</i>

2359727-71-0

Sequence / Séquence / Secuencia

QGASRPGR DAQ AHPGRPR AVPTQCDVPP NSRFDCAPOK AITQECCLEAR 50
 GCCYIPAKQG LQAQMGQPF CFFPPSYPSY KLENLSSEM GYTATLTRTT 100
 PTFPPKIDILT LRLDVMMETE NRLHFTIKDP ANRREYVPLE TPHVHSRAPS 150
 PLYSVFEFSEE PFGVIVRQL DGRVLLNTTV APLFFADQFL QLSTSLPSQY 200
 ITGLAEHLSP LMLSTSWTRI TLMNRDLAPT PGANLYGSHF FYLALEDGGS 250
 AHGVFLNLSN AMDVVLQPSF ALSWRSTGGI LDVYIFLGPKE PKSVVQQYLD 300
 VVGYPFMPPY WGLGFHLCRW GYSSTAITRQ VVENMTRAHF PLDVQWNDLD 350
 YMDSRRDFTF NKDGRDFFA MVQELHQGGR RYMMIVDFAI SSSGPAQSYR 400
 PYDEGLRRGV FITNETGQPL IGKWPWGSTA FPDFTNPAL AWWEDMVAEF 450
 HDQVPFDGMW IDMNPSNFI RGSDEGCPNN ELENPPYVPG VVGGLQAAT 500
 ICASSHQFLS THYNLHNLVG LTEAIAHSHA LVKARGTRPF VISRSTFAGH 550
 GRYAGHWTGD VSSWEQLAS SVPEILQFNL LGVPLVGADY CGFLGNTSEE 600
 LCVRWTLGA FYPMRNHNS LLSLPQEPYS FSEPAQQAMR KALTLRYALL 650
 PHLYTLFQA HVAGETVARP LFLEFPKSS TWTVDHQLLW GEALLITPVL 700
 QAGKAEVTGY FPLGTWYDLQ TVPVEALGSL PPPPAAPREP AIHSEGQWVT 750
 LPAPLDTINV HLRAGYIPL QCPGLTTSES RQQPALAVA LTKGGEARGE 800
 LPWDDGESLE VLERGAYTQV IFLARNNTIV NELVRVTSEG AGLQLQKVTV 850
 LGVATAPQQV LSNVPVSNF TYSPTKVLDD ICVSLLMGEQ FLVSWC 896

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 26-53, 36-52, 47-71, 477-502, 591-602

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

N84, N177, N334, N414, N596, N826, N869

cirtuvivintum

cirtuvivint

2-(4-methylpiperazin-1-yl)-N-[6-(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)isoquinolin-3-yl]pyridine-4-carboxamide
Wnt pathway inhibitor

cirtuvivint

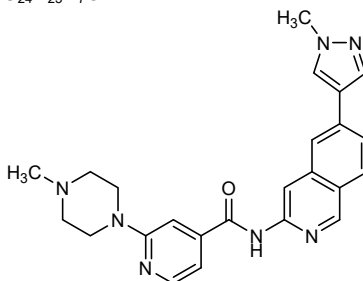
2-(4-méthylpipérazin-1-yl)-N-[6-(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)isoquinoléin-3-yl]pyridine-4-carboxamide
inhibiteur de la voie Wnt

cirtuvivint

2-(4-metilpiperazin-1-il)-N-[6-(1-metil-1*H*-pirazol-4-il)isoquinolein-3-il]piridina-4-carboxamida
inhibidor de la vía Wnt

C₂₄H₂₅N₇O

2143917-62-6

**coprelotamabum #**

coprelotamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185cerbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH humanized (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with kappa light chain humanized

	(1'-214') [V-KAPPA humanized (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, glycoform alfa, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-DG44 cell line <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
coprélotamab	immunoglobuline G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-450) [VH humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (81.6%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450))] (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA humanisé (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') - <i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, glycoforme alfa, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44 <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
coprelotamab	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[<i>Homo sapiens</i> ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-66*01 (81.6%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450))] (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA humanizado (<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, forma glicosilada alfa, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44 <i>immunomodulador, antineoplásico</i>

2348469-84-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWVRQA PGKGLEWVAR 50
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCSRWG 100
GDGFYAMDYW GQGTLYTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFFAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNKKFS NTKVDKKVEP KSCDKHTTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VILHQQDLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTI S KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCRASQDVN TAVAWYQQKPK GKAPKLLIYS 50
ASFLYSGVPS RFGSGSRGTD FTLTISSSLQP EDFATYYCQQ HYTTPTPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214" 223"-214"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
450, 450"

cotoretigenum toliparovecum #
cotoretigene toliparovec

A replication-defective adeno-associated viral vector encoding codon-optimised human retinitis pigmentosa GTPase regulator (RPGR).
A recombinant replication-defective adeno-associated viral vector serotype 8 (rAAV8) encoding codon-optimised human retinitis pigmentosa GTPase regulator (RPGR), under the control of human rhodopsin kinase (RK) promoter and bovine growth hormone poly(A) sequence, flanked by AAV2 inverted terminal repeats (ITR).
gene therapy (X-linked retinitis pigmentosa)

cotoretigène toliparovec

Un vecteur adénoviral défectueux en terme de réplication et codant pour le régulateur de la GTPase de la rétinite pigmentaire humaine avec des codons optimisés (RPGR).
Un vecteur adénoviral recombinant de sérotype 8 (rAAV8) à réplication défectueuse codant pour un régulateur de la GTPase de la rétinite pigmentaire humaine (RPGR) avec des codons optimisés, sous contrôle du promoteur de la kinase de la rhodopsine humaine et de la séquence poly(A) de l'hormone de croissance bovine, flanqué de répétitions terminales inversées (ITR) de l'AAV2.
thérapie génique (rétinite pigmentaire liée à l'X)

cotoretigén toliparovec

Un vector de virus adeno-asociado, deficiente de replicación, que codifica para el regulador de la GTPasa implicado en la retinosis pigmentaria humana (RPGR) con los codones optimizados.

Un vector de virus adeno-asociado recombinante de serotipo 8 (rAAV8), deficiente de replicación, que codifica para el regulador de la GTPasa implicado en la retinosis pigmentaria humana (RPGR) con los codones optimizados, bajo el control del promotor de la rodopsin quinasa (RK) humana y la secuencia poly(A) de la hormona de crecimiento bovina, flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITR) del AAV2.

terapia génica (retinosis pigmentaria ligada al cromosoma X)

2246424-95-1

cotosudilum

cotosudil

6-[(2*R*)-2-methyl-1,4-diazocane-1-sulfonyl]isoquinoline
Rho-associated (ROCK) kinase inhibitor

cotosudil

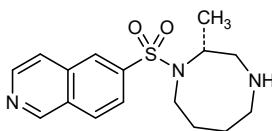
6-[(2*R*)-2-méthyl-1,4-diazocane-1-sulfonyl]isoquinoléine
inhibiteur de la protéine kinase associée à Rho

cotosudil

6-[(2*R*)-2-metil-1,4-diazocano-1-sulfonyl]isoquinoleína
inhibidor de la proteína kinasa asociada al Rho

C₁₆H₂₁N₃O₂S

1258833-31-6

**dafsolimabum #**

dafsolimab

immunoglobulin G2B-kappa, anti-[CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], *Mus musculus* monoclonal antibody; gamma2b heavy chain *Mus musculus* (1-456) [VH (*Mus musculus* IGHV1-4*01 (95.9%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (94.1%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Mus musculus* IGHG2B*02 (100%) (CH1 (121-217), hinge 1-22 (218-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (121-456)], (135-213')-disulfide with kappa light chain *Mus musculus* (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-59*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Mus musculus* IGKC1*01 (100%) (107'-213')]; dimer (229-229":232-232":235-235":238-238")-tetrakisdisulfide, produced in SP2/0-derived mouse myeloma cells, glycoform alfa
immunomodulator

dafsolimab

immunoglobuline G2B-kappa, anti-[CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal *Mus musculus*;

dafsolimab

chaîne lourde gamma2b *Mus musculus* ((1-456) [VH (*Mus musculus* IGHV1-4*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (94.1%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Mus musculus* IGHG2B*02 (100%) (CH1 (121-217), charnière 1-22 (218-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (121-456)], (135-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Mus musculus* (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-59*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Mus musculus* IGKC1*01 (100%) (107'-213')]); dimère (229-229":232-232":235-235":238-238")-tétrakisdisulfure, produit par une ligne cellulaire dérivée de myélome murin SP2/0, glycoforme alfa *immunomodulateur*

inmunoglobulina G2B-kappa, anti-[CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal *Mus musculus*; cadena pesada gamma2b *Mus musculus* ((1-456) [VH (*Mus musculus* IGHV1-4*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (94.1%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Mus musculus* IGHG2B*02 (100%) (CH1 (121-217), bisagra 1-22 (218-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (121-456)], (135-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Mus musculus* (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-59*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Mus musculus* IGKC1*01 (100%) (107'-213')]); dímero (229-229":232-232":235-235":238-238")-tetraakisdisulfuro, producido en una línea celular de mieloma murino SP2/0, forma glicosilada alfa *immunomodulador*

2367001-71-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQQSGAE	LARPGASVKM	SCRASGYTFT	SYTMHWVKQR	PGQGLEWIGY	50
INPSSGYTNY	IQRFKDKATL	TADKSSSTAY	MQVSSLTSED	SAVYYCARGS	100
RYDYYGMDYW	GGGTSVTVSS	AKTTPPSVYP	LAPGCGDTTG	SSVTLGCLVK	150
GYFPESVTVT	WNSGSLSSSV	HTFPALLQSG	LYTMSSSVTV	PSSTWPSQTV	200
TCSVAHPASS	TTVDKKLEPS	GPSTINPCF	PCKECHKCPA	PNLEGGPSVF	250
IFFPNIKDVL	MISLTPKVT	VVVDVSEDDP	DVQISWFVNN	VEVHTAQQTQ	300
HREDYNSTIR	VVSTLPIQHQ	DWMSGKEFKC	KVNNKDLPSF	IERTISKIKG	350
LVRAPQVYIL	PPPAEQLSRK	DVSLTCLVVG	FNPGDISEVW	TSNGHTEENY	400
KDTAPVLDSD	GSYFIYSKLN	MKTSRWEKTD	SFSCNVRHEG	LKNYYLKKTI	450
SRSPGK					456

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QIVLTQSPA	MSASPGERVT	MTCASASSSVS	YMHWYQKQSG	TSPKRWIYDT	50
SKLASGVPAR	FSGSGSGTSY	SLTISSMEAE	DAATYYCQWQ	SSNPLTFGAG	100
TKLELKRADA	APTVISIFPPS	SEQLTSGGAS	VVCFLNNFYP	KDINVWKWID	150
GSEKQNGVLN	SWTDQDSKDS	TYSMSSTLTL	TKDEYERHNS	YTCEATHKTS	200
TSPIVKSFNR	NEC				213

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22"-96"	147"-202"	270"-330"	376"-434"
	22"-96"	147"-202"	270"-330"	376"-434"

Intra-L (C23-C104)	23'-87'	133'-193'
	23"-87"	133"-193"

Inter-H-L (CH1 11-CL 126) 135'-213' 135"-213"

Inter-H-H (h 12, h 15, h 18, h 21) 229-229" 232-232" 235-235" 238-238"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

H VH Q1:

I, I"

L VL Q1:

I', I'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

306, 306"

Fucosylated complex bi-antennary SP2/0-type glycans / glycanes de type SP2/0 bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo SP2/0 biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

456, 456"

dafsolimabum setaritoxum #

dafsolimab setaritox

immunoglobulin G2B-kappa, anti-[CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], *Mus musculus* monoclonal antibody conjugated to aglycosylated ricin toxin A (RTA); gamma2b heavy chain *Mus musculus* (1-456) [VH (*Mus musculus*IGHV1-4*01 (95.9%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (94.1%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Mus musculus*IGHG2B*02 (100%) (CH1 (121-217), hinge 1-22 (218-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (121-456)], (135-213')-disulfide with kappa light chain *Mus musculus* (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV4-59*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Mus musculus*IGKC1*01 (100%) (107'-213')]; dimer (229-229":232-232":235-235":238-238")-tetrakisdisulfide, produced in SP2/0-derived mouse myeloma cells, glycoform alfa, substituted at N⁶ of an average of 1.6 lysyl residues with 4-[(1RS)-1-[[L-methionyl-ricin toxin A-chain (Met-RTA, non-glycosylated, produced in *Escherichia coli*)-S²⁶⁰-yl]sulfanyl]ethyl]benzoyl groups
immunomodulator

dafsolimab sétaritox

immunoglobuline G2B-kappa, anti-[CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal *Mus musculus* conjugué à la toxine A de la ricine aglycosylée (RTA); chaîne lourde gamma2b *Mus musculus* -(1-456) [VH (*Mus musculus*IGHV1-4*01 (95.9%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (94.1%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Mus musculus*IGHG2B*02 (100%) (CH1 (121-217), charnière 1-22 (218-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (121-456)], (135-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Mus musculus* (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV4-59*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Mus musculus*IGKC1*01 (100%) (107'-213')]; dimère (229-229":232-232":235-235":238-238")-tétrakisdisulfure, produit par une lignée cellulaire dérivée de myélome murin SP2/0, glycoforme alfa, substitué en N⁶ sur un moyenne de 1.6 résidus lysyl par des groupes 4-[(1RS)-1-[[L-méthionyl-chaîne A de la toxine de ricine (Met-RTA, non-glycosylée, produite par *Escherichia coli*)-S²⁶⁰-yl]sulfanyl]éthyl]benzoyle
immunomodulateur

dafsolimab setaritox

immunoglobulina G2B-kappa, anti-[CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal *Mus musculus* conjugado con la toxina A de la ricina aglicosilada (RTA); cadena pesada gamma2b *Mus musculus* -(1-456) [VH (*Mus musculus*IGHV1-4*01 (95.9%) -(IGHD)-IGHJ4*01 (94.1%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Mus musculus*IGHG2B*02 (100%) (CH1 (121-217), bisagra 1-22 (218-239), CH2 (240-349), CH3 (350-454), CHS (455-456)) (121-456)], (135-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Mus musculus* (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV4-59*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Mus musculus*IGKC1*01 (100%) (107'-213')];

dímero (229-229":232-232":235-235":238-238")-tetrakisdisulfuro, producido en una línea celular de mieloma murino SP2/0, forma glicosilada alfa, sustituida en N° de un promedio de 1,6 residuos de lisilo con grupos de 4-[(1*RS*)-1-[[L-metionil-cadena A de toxina de ricina (Met-RTA, no glicosilada, producida por *Escherichia coli*)-S²⁶⁰-il]sulfanil]etil]benzoilo inmunomodulador

2361013-28-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQQSGAE	LARPGASVVM	SCKASGYTFT	SYTMHWVKQR	PQQGLEWIGY	50
INPSSGYTNY	IQRFKDKATL	TADKSSSTAY	MQVSSLTSED	SAVYTCARGS	100
RYDYYGMDYW	GQGTSTVTSS	AKTTPPSVYP	LAPGCGDTTG	SSVTGLCLVK	150
GYFPESVTVT	WNSGSLSSSV	HTFPALLQSG	LYTMSSTVT	PSSTWPSQTV	200
TCSVAHPASS	TTVDKLEPS	GPISTINPCP	PCKECHKCPA	PNLEGGPSVF	250
IFPPNIKDVLT	MISLTPKVT	VVDVSEDDP	DVQISWVFN	VEVHTAQQT	300
HREDYNSTIR	VVSTLPIHQ	DWMSGKEFK	KVNNKDLSP	IERTISKIK	350
LVRAPQVYIL	PPPAEQLSRK	DVSLTCLVVG	FNPGDISVEW	TSNGHTEENY	400
KDTAPVLDS	GSYFIYSKLN	MKTSKWEKTD	SFSCNVRHEG	LKNYYLKTKI	450
SRSPGK					456

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QIVLTQSPA	MSASPGKVT	MTCASSSVS	YMHVYQKSG	TSPKRWIYDT	50
SKLASGVPAR	FSGSGSGTSY	SLTISSMEAE	DAATYYCQW	SSNPLTFGAG	100
TKLEKRA	APTVISFP	SEQLTSGGAS	VVCFLNNFYP	KDINVWKID	150
GSEKQNV	SWTDQSKDS	TYSMSSTLT	TKDEYERHNS	YTCEATHKTS	200
TSPIVKSFNR	NEC				213

Met-Ricin A chain / Met-chaîne A de la Ricine / Met-cadena A de la Ricina

MIFPKQYPII	NFTTAGATVQ	SYTNFIRAVR	GRLTTGADV	HDIPVLPNRV	50
GLPINQRFIL	VELSNHAELS	VTALDVTNA	YVGYRAGNS	AYFFHPDNQE	100
DAEAITHLFT	DVQNRYTFAF	GGNYDRLEQL	AGNLRENIEL	GNPGLEEAI	150
ALYYYSTGGT	QLPTLARSFI	ICIQMISEAA	RFQYIEGEMR	TRIRYNRRSA	200
PDPSTVITLEN	SWGRLSTAIQ	ESNQGAFA	ISQRRNGSK	FSVYDVSLI	250
PIIALMVYRC	APPPSSQF				268

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	147-202	270-330	376-434
	22"-96"	147"-202"	270"-330"	376"-434"

Intra-L (C23-C104)	23'-87'	133'-193'
	23"-87"	133"-193"

Inter-H-L (CH1 11-CL 126) 135-213' 135"-213"

Inter-H-H (h 12, h 15, h 18, h 21) 229-229" 232-232" 235-235" 238-238"

Met-RTA: C172 = Cys-SH,

C260 = Cys-S-S-CH(CH₃)-p-C₆H₄-CO-[N₆-Lys(H,L)]

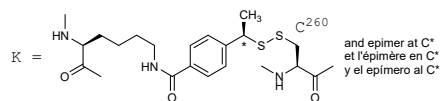
Conjugation sites / Sites de conjugaison / Posiciones de conjugación

major: K74 K141' K206'

K74" K141" K206"

minor: K326 K329 K349 K442 K447 K18' K52' K168'

K326" K329" K349" K442" K447" K18" K52" K168"



N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

H VH Q1:

1, 1"

L VL Q1:

1', 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

306, 306"

Fucosylated complex bi-antennary SP2/0-type glycans / glycanes de type SP2/0 bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo SP2/0 biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

456, 456"

dalosirvatum
dalosirvat

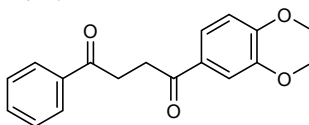
1-(2,3-dihydro-1,4-benzodioxin-6-yl)-4-phenylbutane-1,4-dione
sirtuin (SIRT) activator

dalosirvat 1-(2,3-dihydro-1,4-benzodioxin-6-yl)-4-phénylbutane-1,4-dione
activateur de la sirtuine

dalosirvat 1-(2,3-dihidro-1,4-benzodioxin-6-il)-4-fenilbutano-1,4-diona
activador de la sirtuína

C₁₈H₁₆O₄

1360540-81-3



dalpiciclibum
dalpiciclib

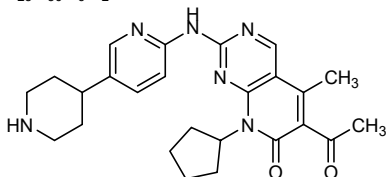
6-acetyl-8-cyclopentyl-5-methyl-2-[[5-(piperidin-4-yl)pyridin-2-yl]amino]pyrido[2,3-*d*]pyrimidin-7(8*H*)-one
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

dalpiciclib 6-acétyl-8-cyclopentyl-5-méthyl-2-[[5-(pipéridin-4-yl)pyridin-2-yl]amino]pyrido[2,3-*d*]pyrimidin-7(8*H*)-one
inhibiteur des kinases dépendantes des cyclines, antinéoplasique

dalpiciclib 6-acetil-8-ciclopentil-5-metil-2-[[5-(piperidin-4-il)piridin-2-il]amino]pirido[2,3-*d*]pirimidin-7(8*H*)-ona
inhibidor de las kinasas dependientes de las ciclinas, antineoplásico

C₂₅H₃₀N₆O₂

1637781-04-4



danavorextonum
danavorexton

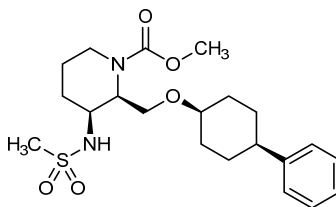
methyl (2*R*,3*S*)-3-(methanesulfonamido)-2-[[*cis*-4-phenylcyclohexyl]oxy]methyl]piperidine-1-carboxylate
orexin receptor agonist

danavorexton (2*R*,3*S*)-3-(méthanesulfonamido)-2-[[*cis*-4-phénylcyclohexyl]oxy]méthyl]pipéridine-1-carboxylate de méthyle
agoniste du récepteur de l'orexine

danavorexton (2*R*,3*S*)-2-[[*cis*-4-fenilciclohexil]oxi]metil]-3-(metanosulfonamido)piperidina-1-carboxilato de metilo
agonista del receptor de la orexina

C₂₁H₃₂N₂O₅S

2114324-48-8



dapiglutidum
dapiglutide

human glucagon like peptide-2 (GLP-2) analogue;
N^{6,16}-[N-(17-carboxyheptadecanoyl)-L-γ-glutamyl]-
[A²>Aib (2-methylalanine), D³>E, S⁷>T, D⁸>S, M¹⁰>L,
N¹¹>A, N¹⁶>K, L¹⁷>Q, N²⁴>A, T²⁹>H]human glucagon-
like peptide 2 (GLP-2)
glucagon like peptides (GLP) analogue

dapiglutide

analogue du peptide 2 semblable au glucagon (GLP-2)
humain;
N^{6,16}-[N-(17-carboxyheptadécanoyl)-L-γ-glutamyl]-
[A²>Aib (2-méthylalanine), D³>E, S⁷>T, D⁸>S, M¹⁰>L,
N¹¹>A, N¹⁶>K, L¹⁷>Q, N²⁴>A, T²⁹>H]peptide 2
semblable au glucagon humain (GLP-2)
analogue des peptides d'action type glucagon

dapiglutida

análogo del péptido 2 semejante al glucagón (GLP-2)
humano;
N^{6,16}-[N-(17-carboxiheptadecanoil)-L-γ-glutamil]-
[A²>Aib (2-metilalanina), D³>E, S⁷>T, D⁸>S, M¹⁰>L,
N¹¹>A, N¹⁶>K, L¹⁷>Q, N²⁴>A, T²⁹>H]]péptido 2
semejante al glucagón humano (GLP-2)
análogo de los péptidos de acción tipo glucagón

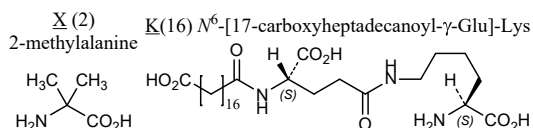
C₁₉₂H₃₀₂N₄₆O₅₇

2296814-85-0

Sequence / Séquence / Secuencia

HXEGSFTSEL ATILDKQAAR DFIWLIQHK ITD 33

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



daplusiranum
daplusiran

*all-P-ambo-O-[(2R,3S)-2-(hydroxymethyl)oxolan-3-yl]
hydrogen 5'-O-([[(2R,3S)-3-([[(cis-4-{(3S,8S)-17-[(2-
acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,8-
bis[(2-{2-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-
galactopyranosyl)oxy]ethoxy)ethyl]carbamoyl]-6,11-
dioxo-15-oxa-2,7,12-triazaheptadecan-1-
oyl]cyclohexyl)oxy]hydroxyphosphorothioyl]oxy)oxolan
-2-yl]methoxy]hydroxyphosphorothioyl)-2'-O-
methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-
O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-
2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl*

-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-*P*-thio-3'-uridylyl duplex with *all-P-ambo*-2'-O-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanilyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidine
antiviral

daplusiran

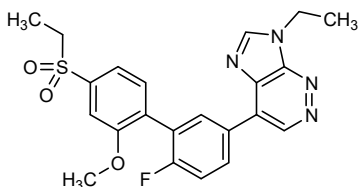
tout-P-ambo-5'-O-(((2*R*,3*S*)-3-(((*cis*-4-((3*S*,8*S*)-17-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,8-bis[(2-{[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]éthoxy}éthyl)carbamoyl]-6,11-dioxo-15-oxa-2,7,12-triazaheptadécane-1-oyl)cyclohexyl)oxy]hydroxyphosphorothioyl)oxy)oxolan-2-yl)méthoxy]hydroxyphosphorothioyl)-2'-O-méthylguanilyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanilyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanilyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-hydrogène-2'-O-méthyl-*P*-thio-3'-uridylyl de O-[(2*R*,3*S*)-2-(hydroxyméthyl)oxolan-3-yle] duplex avec *tout-P-ambo*-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanilyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroguanilyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidine
antiviral

darigabat

4-[4'-(etanosulfonyl)-6-fluoro-2'-metoxi[1,1'-bifenil]-3-il]-
7-etil-7*H*-imidazo[4,5-*c*]piridazina
antagonista de los receptores GABA_A

C₂₂H₂₁FN₄O₃S

1614245-70-3



darovasertibum

darovasertib

3-amino-*N*-[3-(4-amino-4-methylpiperidin-1-yl)pyridin-
2-yl]-6-[3-(trifluoromethyl)pyridin-2-yl]pyrazine-2-
carboxamide
antineoplastic

darovasertib

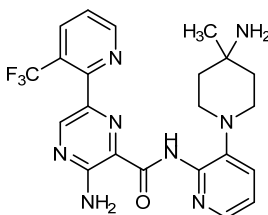
3-amino-*N*-[3-(4-amino-4-méthylpipéridin-1-yl)pyridin-
2-yl]-6-[3-(trifluorométhyl)pyridin-2-yl]pyrazine-2-
carboxamide
antineoplasique

darovasertib

3-amino-*N*-[3-(4-amino-4-metilpiperidin-1-il)piridin-2-il]-
6-[3-(trifluorometil)piridin-2-il]pirazina-2-carboxamida
antineoplásico

C₂₂H₂₃F₃N₆O

1874276-76-2



daxdilimabum #

daxdilimab

immunoglobulin G1-lambda, anti-[*Homo sapiens*
LILRA4 (leukocyte immunoglobulin like receptor A4,
ILT7, CD85g)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-452) [VH
(*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (98.0%) -(IGHD) -
IGHJ2*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-
58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%)
G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), hinge 1-15
(221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363)
(346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-
disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-
216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01
(98.0%) -(IGLJ2*01 (90.9%)) CDR-IMGT [9.3.10] (26-
34.52-54.91-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01
(100%) (111'-216')]; dimer (231-231":234-234")-
bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary
(CHO)-derived cell line, glycoform alfa
immunomodulator

daxdilimab

immunoglobuline G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* LILRA4 (récepteur A4 immunoglobuline-like des leucocytes, ILT7, CD85g)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (98.0%) -IGLJ2*01 (90.9%)) CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]; dimère (231-231'':234-234'')-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire dérivée des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur

daxdilimab

immunoglobulina G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* LILRA4 (receptor A4 immunoglobulina-like de los leucocitos, ILT7, CD85g)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (98.0%) -IGLJ2*01 (90.9%)) CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]; dímero (231-231'':234-234'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador

2245966-28-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLQQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYGISVWRQA PGQGLEWMGW 50
ISAYNGNTHY AQKLQGRVTM TIDTSTSTAY MELSLRSDS TAVYICARGN 100
LWGWDSDAFD IWGRGTLVTV SSASTKGFVS FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFFAVLQ SGLYSLSSV VTFVSSSLGT 200
QTYICNVNHH PSNTKVDKRV EPKSCDRTHT CPFCFAPELL GGSVFLFPF 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKFREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDLVN GKEYKCKVSN KALPAIEKT ISKAKGQFRE 350
PQVYTLFPSS EEMTKQVSL TCLVKGFYFS DIAVESNSG QPENNYKTFP 400
FVLDSGSGSF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALNH YTKSLSLSF 450
GK 452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QSALTQPAFV SGSPGQSITI SCTGTSSDVG GYNYVSWYQK HPGKAPKIMI 50
YDVSNRPSGV SNRFGSKSG NTASLTISGL QAEDADNYC SSYTSSSTVV 100
FGGKTKVTWL GPKAAPSVT LFPPSSEELQ ANKATLVCLL SDFYPAATV 150
AWKADSSPK AGVETTTFSK QSNKYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTECS 216

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430

22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 22'-90' 138'-197'

22"-90" 138"-197"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-215' 225"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231' 234-234"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

H VH Q1:

1, 1"

L VL Q1:

1', 1'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2N84.4:

302, 302"

Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complejos afucosilados / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos afucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

452, 452"

dazodalibepum #

dazodalibep

engineered binding protein (1-85) anti-(human CD40 ligand) derived from the human tenascin third fibronectin type III domain (785-869), fused via the peptidyl linker ⁸⁶GGGGGGGGGGGGGGG¹⁰⁰ to engineered binding protein (101-190) anti-(human CD40 ligand) derived from the human tenascin third fibronectin type III domain (780-869), fused via the peptidyl linker ¹⁹¹GGGGGGGGGGGGG²⁰⁰ to human albumin (201-785), variant (C³⁴>S²³⁴), produced in *Escherichia coli*; [tenascin (785-869)-peptide (1-85) (containing a third fibronectin type III domain), engineered for binding to the CD40 ligand (CD40L)]-[G₁₅ linker (86-100)]-[tenascin (780-869)-peptide (101-190) (containing a third fibronectin type III domain), engineered for binding to the CD40 ligand (CD40L)]-[G₁₀ linker (91-100)]-[(C³⁴>S)-human serum albumin (HSA)] fusion protein, produced in *Escherichia coli immunomodulator*

dazodalibep

protéine de liaison mise au point (1-85) anti-(ligand de CD40 humain) dérivée du troisième domaine de la fibronectine de type III de la ténascine humaine, fusionnée via un peptide liant ⁸⁶GGGGGGGGGGGGGGG¹⁰⁰ à la protéine de liaison mise au point (101-190) anti-(ligand de CD40 humain) dérivée du troisième domaine de la fibronectine de type III de la ténascine humaine, fusionnée via un peptide liant ¹⁹¹GGGGGGGGGGGGG²⁰⁰ à l'albumine humaine (201-785), variant (C³⁴>S²³⁴), produite par *Escherichia coli*; protéine de fusion de [ténascine (785-869)-peptide (1-85) (contenant un troisième domaine de fibronectine de type III)], conçu pour se lier au ligand de CD40 (CD40L)]-[peptide G₁₅ de liaison (86-100)]-[ténascine (780-869)-peptide (101-190) (contenant un troisième domaine de fibronectine de type III)], conçu pour se lier au ligand de CD40 (CD40L)]-[peptide G₁₀ de liaison (91-100)]-[(C³⁴>S)-albumine sérique humaine (ASH)], produite par *Escherichia coli immunomodulateur*

dazodalibep

proteína de unión diseñada (1-85) anti-(ligando CD40 humano) derivada de un tercer dominio de fibronectina tipo III de tenascina humana (785-869), fusionada a través de un conector ⁸⁶GGGGGGGGGGGGGGG¹⁰⁰ a la proteína de unión diseñada (101-190) anti-(ligando CD40 humano) derivado de un tercer dominio de fibronectina tipo III de tenascina humana (780-869), fusionado a través de un conector peptidil ¹⁹¹GGGGGGGGGGGGG²⁰⁰ a la albúmina humana (201-785), variante (C³⁴>S²³⁴), producida in *Escherichia coli*; proteína de fusión de [tenascina (785-869)-péptido (1-85) (que contiene un tercer dominio de fibronectina tipo III)], diseñado para unirse al ligando de CD40 (CD40L)]-[péptido conector G₁₅ (86-100)]-[tenascina (780-869)-péptido (101-190) (que contiene un tercer dominio de fibronectina tipo III)], diseñado para unirse al ligando de CD40 (CD40L)]-[péptido conector G₁₀ (91-100)]-[(C³⁴>S)-albúmina sérica humana (ASH)], producida por *Escherichia coli inmunomodulador*

2245953-10-8

Sequence / Séquence / Secuencia

SQIEVKDVTDT T¹TALITWSD²D FGEYVWCELT YGIKDVPGDR TTIDLYWHHA 50
 HYSIGNLKPD TEYEVSLICR S³GDMSSNPAK ETFTT⁴GGGGG GGGGGGGGGG 100
 RLDAPSQIEV KDVTDTTALI T⁵WSDDFGEYV WCELT⁶YGIKD VPGDR⁷TTIDL 150
 WYHHAHYSIG NLKPDTEYEV SLICRS⁸GDMSSNPAKETFTT⁹ GGGGGGGGGG 200
 DAHKSEVAHR FKDLGEENFK ALVLIAFAQY LQQSPFEDHV KLVNEVTEFA 250
 KTCVADESAE NCDKSLHTLF GDKLCTVATL RETYGEMADC CAQ¹⁰QEPERNE 300
 CFLQHKDDNF NLPLRVRFV DVMCTAFHDN EETFLKKYLY EIARRHPFYF 350
 APELLFFAKR YKAAFT¹¹ECQC AADKAA¹²CLLP KLDEL¹³RDEGK ASSAQ¹⁴RRLKC 400
 ASLQKFGERA FKAWAVARLS QRF¹⁵PKAEFAE VSKLV¹⁶TDLT¹⁷K VHT¹⁸EC¹⁹HGDL 450
 LECADDRADL AKYICENQDS ISSKL²⁰KECCE KPLLEKSHCI AEVEND²¹EMPA 500
 DLPSLAADFV ESKDVCKNYA EAKDV²²FLGMF LYEYARRHPD YSV²³WLLRLA 550
 KTYETTLEKC CAAADPHECY AKVDFEFKFL VEE²⁴PNLIQ NC²⁵ELFEQLGE 600
 YKFNALLVR YTKKVPQVST PTLVEVSRNL GKVGSKCC²⁶KH PEAKR²⁷MPCAE 650
 DYLSVVLNQL CVLHEKTPVS DRVT²⁸KCTES LVNRR²⁹PCFSA LEVD³⁰ET³¹YVFK 700
 EFN³²AE³³TFTFH ADICTLSEKE RQIKKQ³⁴TALV ELV³⁵KHK³⁶PKAT KEQLKAV³⁷MDD 750
 FAF³⁸VEKCC³⁹ ADDKETCF⁴⁰AE EGKKLVAASQ AALGL 785

Mutations / Mutations / Mutaciones

F^{18,123}-S, K^{19,124}-D, P^{20,125}-D, L^{21,126}-F, A^{22,127}-G, I^{24,129}-Y, D^{25,130}-V, G^{26,131}-W, I^{27,132}-C, T^{46,151}-W, E^{47,152}-Y, D^{48,153}-H, E^{49,154}-H, N^{50,155}-A, Q^{51,156}-H, S^{69,174}-C, R^{71,176}-S, C²³⁴-S

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

27-69, 132-174, 253-262, 275-290, 291-301, 324-368, 369-377, 400-445, 446-453, 465-478, 479-489, 516-560, 561-569, 592-637, 638-648, 661-676, 677-687, 714-758, 759-767

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación

none / aucune / ninguna

depemokimabum #
depemokimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL5 (interleukin 5, IL-5)], humanized monoclonal antibody;

gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH humanized (*Homo sapiens* IGHV2-70*19 (75.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 M15.1>Y (254), S16>T (256), T18>E (258) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-220')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line lacking the glutamine synthetase (GS) gene, glycoform alfa
immunomodulator

dépémokimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL5 (interleukine 5, IL-5)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV2-70*19 (75.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 M15.1>Y (254), S16>T (256), T18>E (258) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-220')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-220') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1 ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase, glycoforme alfa
immunomodulateur

depemokimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL5 (interleukina 5, IL-5)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV2-70*19 (75.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 M15.1>Y (254), S16>T (256), T18>E (258) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)] (120-449)], (222-220')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-220') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (91.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [12.3.9] (27-38.56-58.95-103) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (159), V101 (197) (114'-220')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1 en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS), forma glicosilada alfa *inmunomodulador*

2243274-14-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVTLRESGPA LVKPTQTTLT TCTVSGFSLT GSSVHWVRQP PGKGLEWLGV 50
IWASGGTDYN SALMSRLSIS KDTSRNQVVL TMTNMDPVDV ATYYCARDPP 100
SGLLRLDYWG RGLTLVTSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEFVTVSW NSGALTSGVH TFPVAVLQSSG LYSLSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHHKPSN TKVDKRVFEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPKPK 250
DTLYITREPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSGSGFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLN NSGNQKNVLA WYQKFGQPP 50
KLLIYGASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQNVHSF 100
PFTFGGQTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNFEYPREA 150
KQWVKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC 220

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 146-202 263-323 369-427
22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23"-94" 140"-200"
23"-94" 140"-200"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-220" 222"-220"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
VH Q1:
1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
449, 449"

deucravacitinibum
deucravacitinib

6-(cyclopropanecarboxamido)-4-[2-methoxy-3-(1-methyl-1*H*-1,2,4-triazol-3-yl)anilino]-*N*-(²H₃)methylpyridazine-3-carboxamide
Janus kinase inhibitor

deucravacitinib

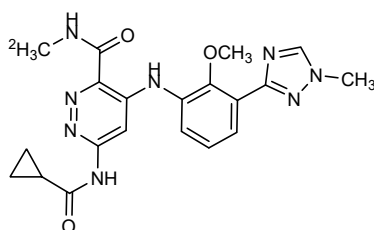
6-(cyclopropanecarboxamido)-4-[2-méthoxy-3-(1-méthyl-1*H*-1,2,4-triazol-3-yl)anilino]-*N*-(²H₃)méthylpyridazine-3-carboxamide
inhibiteur de la kinase de Janus

deucravacitinib

6-(ciclopropanocarboxamido)-*N*-(²H₃)metil-4-[3-(1-metil-1*H*-1,2,4-triazol-3-il)-2-metoxianilino]piridazina-3-carboxamida
inhibidor de la kinasa de Janus

$C_{20}H_{19}^2H_3N_8O_3$

1609392-27-9

**dirocaftorum**

dirocaftor

N-[5-hydroxy-2,4-bis(trimethylsilyl)phenyl]-4-oxo-1,4-dihydroquinoline-3-carboxamide
cystic fibrosis transmembrane regulator (CFTR) protein modulator

dirocaftor

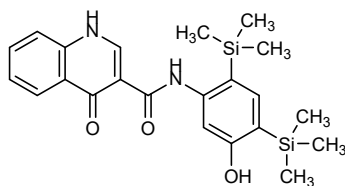
N-[5-hydroxy-2,4-bis(triméthylsilyl)phényl]-4-oxo-1,4-dihydroquinoléine-3-carboxamide
modulateur de la protéine régulatrice de la perméabilité transmembranaire impliquée dans la mucoviscidose (CFTR)

dirocaftor

N-[5-hidroxi-2,4-bis(trimetilsilil)fenil]-4-oxo-1,4-dihidroquinoleína-3-carboxamida
modulador de la proteína reguladora de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR)

 $C_{22}H_{28}N_2O_3Si_2$

2137932-23-9

**divozilimabum #**

divozilimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-*[Homo sapiens* MS4A1 (membrane-spanning 4-domains subfamily A member 1, CD20)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-451) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (86.7%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-213')-disulfide with kappa light chain (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV4-72*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens*IGKV3D-11*02 (73.3%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimer (230-230'':233-233'')-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa
immunomodulator

divozilimab immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (membre 1 de la sous-famille A à 4 domaines transmembranaires, CD20)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (86.7%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-213')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-72*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (73.3%) - IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunomodulateur

divozilimab inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MS4A1 (miembro 1 de la subfamilia A con 4 dominios transmembranarios, CD20)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (86.7%) - (IGHD) -IGHJ1*01 (86.7%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-213')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-72*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (73.3%) - IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [5.3.9] (27-31.49-51.88-96) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (152), V101 (190) (107'-213')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2254061-60-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLVQPGAE VVKPGASVKV SCKASGYTFT SYNMHWRQA PGRGLEWNGA 50
IYPNGDTSY NQKFKGRVTM TRDKSTSTVY MELSSLRSED TAVVYCARST 100
YGGDGWYFNV WGGQGLTVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTALGCLV 150
KDYFPEPVTW SNWSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVK PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPFK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQ 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAEWESNGQ PENNYKTTPT 400
VLDSGGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QIVLSQSPAI LSASFGERTV LTCRASSVS YIHWFQKQPG KAPKPLIYAT 50
SNLASGVPSR FSGSGSGTDF SLTISRVEPE DFAVYQCQW TSNPPTFGGG 100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNFPY REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYLSLSTLT SKADYEKKHV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNH GEC 213

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23'-87' 133'-193'
23'''-87''' 133'''-193'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-213' 224"-213"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
L VL Q1:
I', I''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
451, 451"

ebronucimabum #
ebronucimab

immunoglobulin G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotein convertase subtilisin/kexin type 9, neural apoptosis-regulated convertase 1, NARC1, NARC-1, proprotein convertase 9, PC9)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123)-*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-216')-disulfide with lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-11*01 (81.6%) -IGLJ1*01 (90.9%)) CDR-IMGT [9.3.11] (26-34.52-54.91-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (112'-217')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antihypercholesterolemia

ébronucimab

immunoglobuline G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotéine convertase subtilisine/kexine type 9, convertase 1 régulée par l'apoptose neuronale, NARC1, NARC-1, proprotéine convertase 9, PC9)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-216')-disulfure avec la chaîne légère lambda2 *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-11*01 (81.6%) -IGLJ1*01 (90.9%)) CDR-IMGT [9.3.11] (26-34.52-54.91-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (112'-217')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antihypercholestérolémique

ebronucimab

immunoglobulina G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proteína convertasa subtilisina/kexina tipo 9, convertasa 1 regulada por la apoptosis neuronal, NARC1, NARC-1, proteína convertasa 9, PC9)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-453) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (226-216')-disulfuro con la cadena ligera lambda2 *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-11*01 (81.6%) -IGLJ1*01 (90.9%)) CDR-IMGT [9.3.11] (26-34.52-54.91-101) (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (112'-217')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
antihipercolesterolémico

2304800-90-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
EVQLVESGGG	LVQPGRSLRL	SCAASGFTFS	SYSMNWVRQA PGKGLEWVSG 50
ISSSSSYISY	ADSVQGRFTI	SRDNGKNSLY	LQMNSLRAED TALYFCAREY 100
DFWSAYYDAF	DVWGQGTMTV	VSSASTKGPS	VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPPEV	TVSWNSGALT	SGVHTFPAVL	QSSGLYSLSL VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH	KPSNTKVDKK	VEPKSCDKTH	TCPPCPAPEL LGGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS	RTPEVTCVVV	DVSHEDPEVK	FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS	VLTVLHQDWL	NGKEYCKKVS	NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS	RDELTKNQVS	LTCLVKGYFP	SDIAVEWESN GQFPENNYKTT 400
FPVLDSGDSF	FLYSKLTVDK	SRWQQGNVFS	CSVMHEALHN HYTKQSLSL 450
FGK			453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
QSELTQPRSV	SGSPGQSVTI	SCGTGSRNIG	GGNDVHWYQQ HPGKAPKLLI 50
SGVIERSSGV	PDRFSGSKSG	NTASLTISGL	QAEDEADYYC QSFQGSLSGS 100
VFGTGTDDTV	LGQPKAAPSV	TLFPPSSEEL	QANKATLVCL ISDFYPGAVT 150
VAWKADSSPV	KAGVETTTPS	KQSNNKYAAS	SYLSLTPEQW KSHRSYSCQV 200
THEGSTVEKT	VAPTECS		217

Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22-96	150-206	267-327 373-431
	22"-96"	150"-206"	267"-327" 373"-431"
Intra-L (C23-C104)	22'-90'	139'-198'	
	22'''-90'''	139'''-198'''	
Inter-H-L (h 5-CL 126)	226-216'	226"-216"	
Inter-H-H (h 11, h 14)	232-232"	235-235"	

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)	
L VL Q1:	
I', I"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
303, 303"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.	
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal	
H CHS K2:	
453, 453"	

edralbrutinibum
edralbrutinib

4-amino-1-[(3*R*)-1-(but-2-ynoyl)pyrrolidin-3-yl]-3-[4-(2,6-difluorophenoxy)phenyl]-1,6-dihydro-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyridazin-7-one
Bruton's tyrosine kinase inhibitor

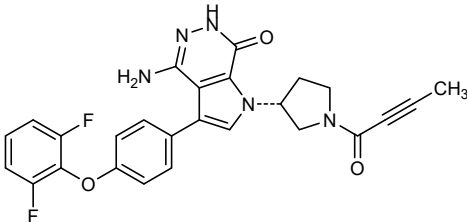
édralbrutinib

4-amino-1-[(3*R*)-1-(but-2-ynoyl)pyrrolidin-3-yl]-3-[4-(2,6-difluorophénoxy)phényl]-1,6-dihydro-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyridazin-7-one
inhibiteur de la tyrosine kinase de Bruton

edralbrutinib

4-amino-1-[(3*R*)-1-(but-2-inoil)pirrolidin-3-il]-3-[4-(2,6-difluorofenoxi)fenil]-1,6-dihidro-7*H*-pirrolo[2,3-*d*]piridazin-7-ona
inhibidor de la tirosina kinasa de Bruton

C₂₆H₂₁F₂N₅O₃ 1858206-58-2



elimusertibum
elimusertib

2-[(3*R*)-3-methylmorpholin-4-yl]-4-(1-methyl-1*H*-pyrazol-5-yl)-8-(1*H*-pyrazol-3-yl)-1,7-naphthyridine
antineoplastic

élimusertib

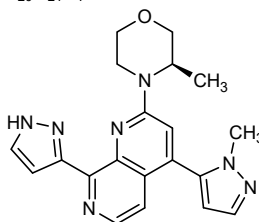
2-[(3*R*)-3-méthylmorpholin-4-yl]-4-(1-méthyl-1*H*-pyrazol-5-yl)-8-(1*H*-pyrazol-3-yl)-1,7-naphtyridine
antineoplasique

elimusertib

2-[(3*R*)-3-metilmorfolin-4-il]-4-(1-metil-1*H*-pirazol-5-il)-8-(1*H*-pirazol-3-il)-1,7-naftiridina
antineoplásico

C₂₀H₂₁N₇O

1876467-74-1



eluvixtamabum #

eluvixtamab

immunoglobulin scFv-scFv, anti-[*Homo sapiens* CD33 (sialic acid binding Ig-like lectin 3, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon)], monoclonal antibody single chain, bispecific; IG scFv-scFv single chain, anti-CD33 and anti-CD3E (1-511) [scFv-VH-V-kappa anti-CD33 (1-250) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122)-15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (123-137) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.9] (164-175.193-195.232-240) (138-250)] -6-mer seryl-tetraglycyl-seryl linker (251-256) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (257-505) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (282-289.307-316.355-370) (257-381) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (382-396) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (422-430.448-450.487-495) (397-505)] -hexahistidine (506-511)], non-glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells
immunomodulator, antineoplastic

éluvixtamab

immunoglobuline scFv-scFv, anti-[*Homo sapiens* CD33 (lectine 3 de type Ig-like liant l'acide sialique, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon)], anticorps monoclonal à chaîne unique, bispécifique; IG scFv-scFv à chaîne unique, anti-CD33 et anti-CD3E (1-511) [scFv-VH-V-kappa anti-CD33 (1-250) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122)-15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (123-137) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.9] (164-175.193-195.232-240) (138-250)] -6-mer séryl-tétraglycyl-séryl linker (251-256) -scFv-VH-V-lambda

eluvixtamab

anti-CD3E (257-505) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD)-IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD)-IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (282-289.307-316.355-370) (257-381) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (382-396) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%) CDR-IMGT [9.3.9] (422-430.448-450.487-495) (397-505)] -hexahistidine (506-511)], non-glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO)
immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina scFv-scFv, anti-[*Homo sapiens* CD33 (lectina 3 de tipo Ig-like aglutinando el ácido siálico, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon)], anticuerpo monoclonal con cadena única, biespecífico;
IG scFv-scFv con cadena única, anti-CD33 y anti-CD3E (1-511) [scFv-VH-V-kappa anti-CD33 (1-250) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122)-15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (123-137) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [12.3.9] (164-175.193-195.232-240) (138-250)] -6-mer seril-tetraglicil-seril linker (251-256) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (257-505) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD)-IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD)-IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (282-289.307-316.355-370) (257-381) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (382-396) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%) CDR-IMGT [9.3.9] (422-430.448-450.487-495) (397-505)] -hexahistidina (506-511)], no glicosilado, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO)
immunomodulador, antineoplásico

1679391-73-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGESVKV SCKASGYTFT NYGMNVKQA PGQGLEWMGW 50
INTYTGEPY ADKFGQGRVTM TTDSTSTAY MEIRNLGDD TAVVYCARWS 100
WSDGYVYFD YWQGSTSVTV SSGGGGSGGG GSGGGGSDIV MTQSPDSLTV 150
SLGERTTINC KSSQSVLDSS TNKNSLAWYQ QKPGQPPKLL LSWASTRESG 200
IPDRFSGSGS GTDFTLTIDS PQPEDSATYY CQQAHPFIT FGQGTLEIK 250
SGGGGSEVQL VESGGGLVQP GGSGLKSCAA SGFTFNKYAM NWRQAPGKG 300
LEWVARIRSK YNNYATYYAD SVKDRFTISR DSKNTAYLQ MNLKTEDTA 350
VYVCVRHGNF GNSYISYWAY WQGTSLTVTS SGGGGSGGGG SGGGGSQTVV 400
TQEPSTLVSP GGTVTLTCGS STGAVTSGNY PNWVQKPGQ APRGLIGGTK 450
FLAPGTPARF SGLLGGKAA LTLGSGVQPED EAEYYCVLWY SNRWVFGGT 500
KLTVLHHHHH H 511

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-V (C23 C104) 22-96 160-231 278-354 418-486

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyI (pE, 5-oxoprolyl)
VH Q1: 1

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación
Aglycosylated

emerfetamabum #
emerfetamab

immunoglobulin scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* CD33 (sialic acid binding Ig-like lectin 3, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody single chain (scFv)2-scFc, bispecific; IG scFv-scFv-scFc single chain, anti-CD33 and anti-CD3E (1-993) [scFv-VH-V-kappa anti-CD33 (1-250) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-18*01 G49>C (44) (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (123-137) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ5*01 Q120>C (243) (91.7%)) CDR-IMGT [12.3.9] (164-175.193-195.232-240) (138-250)] -6-mer seryl-tetraglycyl-seryl linker (251-256) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (257-505) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%))/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (282-289.307-316.355-370) (257-381) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (382-396) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (422-430.448-450.487-495) (397-505)] -4-mer tetraglycyl linker (506-509) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (510-993) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (hinge 6-15 (510-519), CH2 R83>C (581), N84.4>G (586), V85>C (591) (520-629), CH3 E12 (645), M14 (647) (630-734), CHS (735-736)) (510-736) -30-mer hexakis(tetraglycyl-seryl) linker (737-766) -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (hinge 6-15 (767-776), CH2 R83>C (838), N84.4>G (843), V85>C (848) (777-886), CH3 E12 (902), M14 (904) (887-991), CHS (992-993)) (767-993)]], non-glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells
immunomodulator, antineoplastic

émerfétamab

immunoglobuline scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* CD33 (lectine 3 de type Ig-like liant l'acide sialique, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal à chaîne unique (scFv)2-scFc, bispécifique; IG scFv-scFv-scFc chaîne unique, anti-CD33 et anti-CD3E (1-993) [scFv-VH-V-kappa anti-CD33 (1-250) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 G49>C (44) (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (123-137) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ5*01 Q120>C (243) (91.7%)) CDR-IMGT [12.3.9] (164-175.193-195.232-240) (138-250)] -6-mer séryl-tétraglycyl-séryl linker (251-256) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (257-505) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%))/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (282-289.307-316.355-370) (257-381) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (382-396) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (422-430.448-450.487-495) (397-505)] -4-mer-tétraglycyl linker (506-509) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (510-993) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (charnière 6-15 (510-519), CH2 R83>C (581), N84.4>G (586), V85>C (591) (520-629), CH3 E12 (645), M14 (647) (630-734), CHS (735-736)) (510-736) -30-mer hexakis(tétraglycyl-séryl) linker (737-766) -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (charnière 6-15 (767-776), CH2 R83>C (838), N84.4>G (843), V85>C (848) (777-886), CH3 E12 (902), M14 (904) (887-991), CHS (992-993)) (767-993)]], non-glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO)
immunomodulateur, antinéoplasique

emerfetamab

inmunoglobulina scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* CD33 (lectina 3 de tipo Ig-like aglutinando el ácido siálico, SIGLEC3, SIGLEC-3, gp67, p67)], y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal con cadena única (scFv)2-scFc, biespecífico;
IG scFv-scFv-scFc cadena única, anti-CD33 y anti-CD3E (1-993) [scFv-VH-V-kappa anti-CD33 (1-250) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-18*01 G49>C (44) (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -15-mer-tris(tetraglicil-seril) linker (123-137) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (83.2%) -IGKJ5*01 Q120>C (243) (91.7%)) CDR-IMGT [12.3.9] (164-175.193-195.232-240) (138-250)] -6-mer seril-tetraglicil-seril linker (251-256) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (257-505) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (282-289.307-316.355-370) (257-381) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (382-396) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (422-430.448-450.487-495) (397-505)] -4-mer-tetraglicil linker (506-509) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (510-993) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (bisagra 6-15 (510-519), CH2 R83>C (581), N84.4>G (586), V85>C (591) (520-629), CH3 E12 (645), M14 (647) (630-734), CHS (735-736)) (510-736) -30-mer hexakis(tetraglicil-seril) linker (737-766) -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (bisagra 6-15 (767-776), CH2 R83>C (838), N84.4>G (843), V85>C (848) (777-886), CH3 E12 (902), M14 (904) (887-991), CHS (992-993)) (767-993)], no glicosilado, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO)
inmunomodulador, antineoplásico

2250261-27-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada				
QVQLVQSGAE	VKKPGESVKV	SCKASGYTFT	NYGMNWKQA	PGQCLEWMGW 50
INTYTGTEPTY	ADKFGGRVTM	TTDTSTSTAY	MEIRNLGGDD	TAVYYCARWS 100
WSDGYVYFD	YWGQGTSTVTV	SSGGGGSGGG	GSGGGGSDIV	MTQSPDSLTV 150
SLGERTTINC	KSSQSVLDSS	TNRNSLAWYQ	QKPGPPPKLL	LSWASTRESG 200
IPDRFSGSGS	GTDTLTITDS	PQPEDSATYY	CQQAHPFIT	FGCGTRLEIK 250
SGGGGSEVQL	VESGGGLVQP	GGSLKLSCAA	SGFTFNKYAM	NWVRQAPGKG 300
LEWVARIRSK	YNNYATYYAD	SVKDRFTISR	DDSKNTAYLQ	MNHLKTEDTA 350
VYYCVRHGNF	GNSYISYWAY	WGQGLTVTS	SGGGSGGGG	SGGGSGTVV 400
TQEPSTLVSP	GGTVTLTCGS	STGAVTSGNY	PNWVQKPGQ	APRGLIGGTK 450
FLAPGTPARF	SGSLLGKAA	LTLGSGVPED	EAEEYCVLMY	SNRWVFGGKT 500
KLTVLGGGGD	KTHTCPCPFA	PELLGGPSVF	LFPKPKDITL	MISRTPEVTC 550
VVVDVSHEDP	VEKFNWYVDG	VEVHNATKTP	CEEQYGSTYR	CVSVLTVLHQ 600
DWLNKGEYKC	KVSNKALPAP	IEKTISKAKG	QPREPQVYTL	PPSREEMTKN 650
QVSLTCLVKG	FYPDSIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPVLDSD	GSPFLYSKLT 700
VDKSRWQQGN	VFSCSMHEA	LHNHYTQKSL	SLSPGKGGGG	SGGGSGGGG 750
SGGGSGGGG	SGGGSGDKTH	TCPPCPAPEL	LGGPSVFLFP	PKPKDTLMIS 800
RTPEVTCVVV	DVSHEDPEVK	FNWYVDGVEV	HNAKTKPCEE	QYGSTYRCVS 850
VLTVLHQDWL	NGKEYCKCKV	NKALPAPIEK	TISKAKGQPR	EPQVYTLPPS 900
REEMTKNQVS	LTCLVKGFPY	SDIAVEWESN	GQPENNYKTT	PPVLDSDGSP 950
FLYSKLTVDK	SRWQQGNVFS	CSVMHEALHN	HYTQKSLSL	PGK 993
Post-translational modifications				
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro				
Intra-V (C23-C104)	22-96	160-231	278-354	418-486
Intra-C (C23-C104)	550-610	656-714	807-867	913-971
Intra-CH2 (C83-C85)	581-591	838-848		
Inter-VH-VL (C49-C120)	44-243			
Inter-h11 (h 11 - h 11)	515-772			
Inter-h14 (h 14 - h 14)	518-775			
N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)				
VH Q1:				
I				
No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación				
CH2 N84.4>G:				
586, 843				
Aglycosylated				
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal				
CHS K2:				
993				

enibarcimabum #

enibarcimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ADM (adrenomedullin)], monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (86.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (88.0%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*01 (88.0%) -IGKJ2*01 (91.7%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
 dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-DG44 cell line, glycoform alfa
adrenomedullin modulator

énibarcimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ADM (adrénomédulline)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (86.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (88.0%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*01 (88.0%) -IGKJ2*01 (91.7%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
 dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
modulateur de l'adrénomédulline

enibarcimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ADM (adrenomedulina)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (86.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (88.0%) -IGKJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*01 (88.0%) -IGKJ2*01 (91.7%)) CDR-IMGT [11.3.9] (27-37.55-57.94-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113'-219')];
 dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa
modulador de la adrenomedullina

2305638-98-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYTFS RYIEWVRQA PGQGLEWIGE 50
ILPGSGSTNY NQKFQGRVTI TADTSTSTAY MELSSLRSED TAVVYCTEGY 100
EYDGFDFYNGQ GTTIVTVSSAS TKGPSVFPLA PSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FFEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHCTCPK PAPELLGGPS VLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHS DPEVKFNWYV DGEVHNNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVFNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDEL TKNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPN NYKTTFPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DVVLTSQSLF LPVTLGQPAS ISCRSSQSIV YSNGNTYLEW YLQRPQGSPR 50
LLIYRVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCFQGSHIP 100
YTFGGGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCCL LNNFYPREAK 150
VQWIKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSYSTL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23"-93" 139"-199"
23"-93" 139"-199"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-219" 221"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutaminyl (pE, 5-oxoprolinyl)
H VH QI:
I, I"
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

enomimeranum #
enomimeran

Messenger RNA encoding melanoma-associated antigen 3 (MAGE-A3).
Messenger RNA (mRNA), 5'-capped, encoding codon-optimised melanoma-associated antigen 3 (MAGE-A3, cancer/testis antigen 1.3) expressed as a fusion protein comprising a secretory signal peptide, MAGE-A3, P2P16 tetanus toxoid-derived helper epitopes and a major histocompatibility complex (MHC) class I transmembrane and cytoplasmic domain (MITD), connected by three glycine/serine-rich (GS) linker peptides, flanked by 5' and 3' untranslated regions and a 3' poly(A) tail.
immunomodulator, antineoplastic

énomiméran

ARN messenger codant pour l'antigène 3 associé au mélanome (MAGE-A3).
Un ARN messenger (ARNm), protégé en 5', codant pour l'antigène 3 associé au mélanome (MAGE-A3, antigène 1.3 du cancer testiculaire), avec des codons optimisés, exprimé sous la forme d'une protéine de fusion comprenant un peptide signal de sécrétion, MAGE-A3, les épitopes auxiliaires P2P16 dérivés de l'anatoxine tétanique et un domaine transmembranaire et cytoplasmique (MITD) du complexe majeur d'histocompatibilité (CMH) de classe I, reliés par trois peptides de liaison riches en glycine/sérine (GS), flanqués de régions non traduites en 5' et 3' et d'une queue poly(A) en 3'.
immunomodulateur, antinéoplasique

enomimerán

ARN mensajero que codifica para el antígeno asociado a melanoma 3 (MAGE-A3).

ARN mensajero (ARNm), protegido en 5', que codifica para el antígeno asociado a melanoma 3 (MAGE-A3, antígeno de cáncer/testículo 1.3), con codones optimizados, expresado como una proteína de fusión que consta de un péptido señal de secreción, MAGE-A3, los epítomos auxiliares P2P16 derivados del toxoide tetánico y un dominio citoplásmico y transmembrana del complejo principal de histocompatibilidad (MHC) de clase I, conectados mediante tres péptidos de enlace ricos en glicina/serina (GS), flanqueado por las regiones 5' y 3' no traducidas y una cola poly(A) en 3'.
inmunomodulador, antineoplásico

2348560-99-4

entacingenium turiparvovecum #
entacingenium turiparvovecum

A replication-defective adeno-associated viral vector encoding cone photoreceptor cyclic nucleotide-gated channel $\beta 3$ (CNGB3).

A recombinant non-replicating adeno-associated viral vector serotype 8 (rAAV8), encoding codon-optimised human cone photoreceptor cyclic nucleotide gated channel $\beta 3$ (CNGB3), under the control of the human cone arrestin (hCAR) promoter and an SV40 poly(A) sequence, flanked by AAV2 inverted terminal repeats (ITR).

gene therapy (achromatopsia)

entacingenium turiparvovecum

Un vecteur adénoviral à réplication défectueuse codant pour le canal du photorécepteur conique $\beta 3$ (CNGB3), dépendant des nucléotides cycliques. Un vecteur adénoviral recombinant non réplcatif de sérotype 8 (rAAV8), codant pour le canal du photorécepteur du cône humain $\beta 3$ (CNGB3), dépendant des nucléotides cycliques, avec des codons optimisés, sous le contrôle du promoteur hCAR (arrestine du cône humain) et d'une séquence poly(A) SV40, flanquée de répétitions terminales inversées (ITR) AAV2.

thérapie génique (achromatopsie)

entacingenium turiparvovecum

Un vector de virus adeno-asociado, deficiente de replicación, que codifica para el canal $\beta 3$ regulado por nucleótidos cíclicos (CNGB3) del fotorreceptor de los conos.

Un vector de virus adeno-asociado recombinante serotipo 8 (rAAV8), deficiente de replicación, que codifica para el canal $\beta 3$ regulado por nucleótidos cíclicos (CNGB3) del fotorreceptor de los conos, con codones optimizados, bajo el control del promotor de la arrestina de cono humana (hCAR) y una secuencia poly(A) de SV40, flanqueado por las repeticiones invertidas terminales (ITR) del AAV2.

terapia génica (acromatopsia)

2247971-01-1

eplontersen

eplontersen

all-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis{[3-{6-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl}amino]-3-oxopropoxy}methyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxo-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenilyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenilyl-(3'→5')-2'-deoxy-P-thioadenilyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)adenilyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidine
inhibitor of amyloid fibril deposition

éplontersen

tout-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis{[3-{6-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]hexyl}-amino]-3-oxopropoxy}méthyl)-1-hydroxy-1,10,14,21-tétraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-phosphaoctacosan-1-yl)-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiouridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-P-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioguanilyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-P-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-O-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidine
inhibiteur du dépôt de fibrilles amyloïdes

eplontersén

todo-P-ambo-5'-O-(28-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis{[3-{6-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]hexil}amino]-3-oxopropoxi]metil}-1-hidroxi-1,10,14,21-tetraoxo-2,18-dioxa-9,15,22-triaza-1λ⁵-fosfaoctacosan-1-il)-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiouridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-P-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-P-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metil-P-tiocitidilil-(3'→5')-2'-O-(2-metoxietil)-5-metilcitidina
inhibidor del depósito de fibrillas de amiloides

C₂₉₆H₄₃₇N₇₇O₁₅₆P₂₀S₁₃

1637600-16-8

(3'-5') R1 - U = C - U - U - G - d(G = T = T = A = C = A = T = G = A = A =) A - U - C = C = C

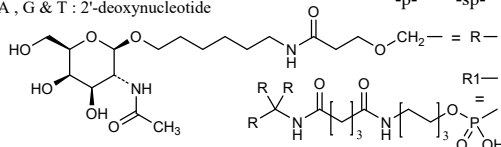
Legend:

C & U : 2'-O-(2-methoxyethyl)-5-methylnucleotide

A & G : 2'-O-(2-methoxyethyl)nucleotide

C & U : 2'-deoxy-5-methylnucleotide

A, G & T : 2'-deoxynucleotide

**eprenetapoptum**

eprenetapopt

rac-(2*R*)-2-(hydroxymethyl)-2-(methoxymethyl)-1-azabicyclo[2.2.2]octan-3-one
antineoplastic

éprénétapopt

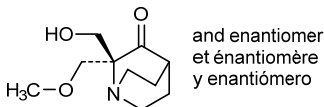
rac-(2*R*)-2-(hydroxyméthyl)-2-(méthoxyméthyl)-1-azabicyclo[2.2.2]octan-3-one
antineoplasique

eprenetapopt

rac-(2*R*)-2-(hidroximetil)-2-(metoximetil)-1-azabicyclo[2.2.2]octan-3-ona
antineoplásico

C₁₀H₁₇NO₃

5291-32-7



and enantiomer
et énantiomère
y enantiómero

etevritamabum #

etevritamab

immunoglobulin scFv-scFv, anti-[*Homo sapiens* EGFR (epidermal growth factor receptor, receptor tyrosine-protein kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB) variant III (EGFRvIII)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody single chain, bispecific;
IG scFv-scFv single chain (1-512) [scFv-VH-V-kappa anti-EGFRvIII(1-251) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 G49>C (44) (93.9%)-(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (125-139) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-24*01 (92.0%)-(IGKJ1*01 Q120>C (244) (90.9%)) CDR-IMGT [11.3.9] (166-176.194-196.233-241) (140-251)] -6-mer seryl-tetraglycyl-seryl linker (252-257) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (258-506) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%)-(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)]/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%)-(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) [8.10.16] (258-382) - 15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (383-397) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%)-(IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (423-431.449-451.488-496) (398-506)] - hexahistidine (507-512)], non-glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells
immunomodulator, antineoplastic

étévritamab

immunoglobuline scFv-scFv, anti-[*Homo sapiens* EGFR (récepteur du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB) variant III (EGFRvIII)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal à chaîne unique, bispécifique; IG scFv-scFv chaîne unique (1-512) [scFv-VH-V-kappa anti-EGFRvIII(1-251) VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 G49>C (44) (93.9%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (125-139) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-24*01 (92.0%) -IGKJ1*01 Q120>C (244) (90.9%)) CDR-IMGT [11.3.9] (166-176.194-196.233-241) (140-251)] -6-mer séryl-tétraglycyl-séryl linker (252-257) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (258-506) VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%)-(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%)-(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) [8.10.16] (258-382) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (383-397) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%) CDR-IMGT [9.3.9] (423-431.449-451.488-496) (398-506)] -hexahistidine (507-512)], non-glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO)
immunomodulateur, antinéoplasique

etevritamab

immunoglobulina scFv-scFv, anti-[*Homo sapiens* EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinase erb-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB) variante III (EGFRvIII)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal de cadena única, biespecífico; IG scFv-scFv cadena única (1-512) [scFv-VH-V-kappa anti-EGFRvIII(1-251) VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 G49>C (44) (93.9%) -IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113) (1-124) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (125-139) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-24*01 (92.0%) -IGKJ1*01 Q120>C (244) (90.9%)) CDR-IMGT [11.3.9] (166-176.194-196.233-241) (140-251)] -6-mer seril-tetraglicil-seril linker (252-257) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (258-506) VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%)-(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%)-(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) [8.10.16] (258-382) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (383-397) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%) CDR-IMGT [9.3.9] (423-431.449-451.488-496) (398-506)] -hexahistidina (507-512)], no glicosilado, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO)
immunomodulador, antineoplásico

2329692-74-0

Sequence / Séquence / Secuencia

QVQLVESGGG	VQSGRSLRL	SCAASGFTFR	NYGMHWVRQA	PGKCLEWAV	50
IWDGSDRYK	ADSVRGFTI	SRDNSKNTLY	LQMNSLRAED	TAVYYCARDG	100
YDILTNPRD	FDYWGQGLV	TVSSGGGGSG	GGSGGGGSD	TVMTQTPLSS	150
HVTLGQPASI	SCRSSQSLVH	SDGNTYLSWL	QQRPGQPPRL	LIYIRSRFES	200
GVPDRFSGSG	AGTDFTLEIS	RVEAEDVGVI	YCMQSTHVPR	TFGCGTKVEI	250
KSGGGGSEVQ	LVESGGGLVQ	PGGSLKLSCA	ASGFTFNKYA	MNWRQAAPGK	300
GLEWVARIRS	KYNNYATYYA	DSVKDRFTIS	RDDSKNTAYL	QMNNLKTEDT	350
AVYYCVRHGN	FGNSYISYWA	YWGQGLTVTV	SSGGGGSGGG	GSGGGGSGTV	400
VTQEPSTLVS	PGGTVTLTCG	SSTGAVTSGN	YPNNVQKPKG	QAPRGLIGGT	450
KFLAPGTPAR	PSGSLLGGA	ALTLGSGVPE	DEAEYYCVLV	YSNRWVFGGG	500
TKLTVLHHHH	HH				512

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain (C23 C104):V 22-96 162-232 279-355 419-487

(C49-C120) V 44-244

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

VH Q1:

1

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningun posición de N-glycosilación

Aglycosylated

fanotaprimum

fanotaprim

5-{4-[3-(2-methoxypyrimidin-5-yl)phenyl]piperazin-1-yl}pyrimidine-2,4-diamine
dihydrofolate reductase (DHFR) inhibitor, antibacterial

fanotaprim

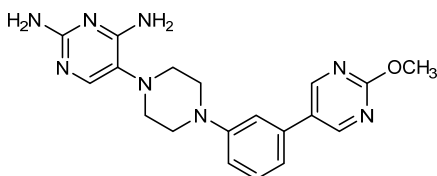
5-{4-[3-(2-méthoxypyrimidin-5-yl)phényl]pipérazin-1-yl}pyrimidine-2,4-diamine
inhibiteur de la dihydrofolate reductase, antibactérien

fanotaprim

5-{4-[3-(2-metoxipirimidin-5-il)fenil]piperazin-1-il}pirimidina-2,4-diamina
inhibidor de la dihidrofolato reductasa, antibacteriano

C₁₉H₂₂N₈O

2120282-75-7

**firazorextonum**

firazorexton

N-{(2*S*,3*S*)-1-(2-hydroxy-2-methylpropanoyl)-2-[(2,3',5'-trifluoro[1,1'-biphenyl]-3-yl)methyl]pyrrolidin-3-yl}methanesulfonamide
orexin receptor agonist

firazorexton

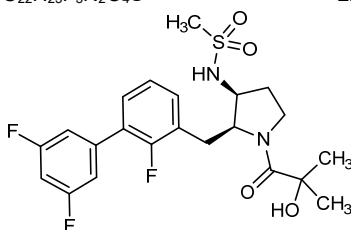
N-{(2*S*,3*S*)-1-(2-hydroxy-2-méthylpropanoyl)-2-[(2,3',5'-trifluoro[1,1'-biphényl]-3-yl)méthyl]pyrrolidin-3-yl}méthanesulfonamide
agoniste du récepteur de l'orexine

firazorextón

N-{(2*S*,3*S*)-1-(2-hidroxi-2-metilpropanoil)-2-[(2,3',5'-trifluoro[1,1'-bifenil]-3-il)metil]pirrolidin-3-il}metanosulfonamida
agonista del receptor de la orexina

C₂₂H₂₅F₃N₂O₄S

2274802-95-6

**flotufolastatum (¹⁸F)**flotufolastat (¹⁸F)

*N*²-(*N*-{(4*S*)-4-carboxy-4-[4,7,10-tris(carboxymethyl)-1,4,7,10-tetraaza-cyclododecan-1-yl]butanoyl}-3-[4-(di-*tert*-butyl(¹⁸F)fluorosilyl)benzamido]-D-alanyl)-*N*⁶-[4-(*N*²-{*N*-[(L-glutamic acid-*N*-yl)carbonyl]-L-γ-glutamyl]-D-ornithin-*N*⁶-yl)-4-oxobutanoyl]-D-lysine
radiolabelled diagnostic agent

flotufolastat (^{18}F)

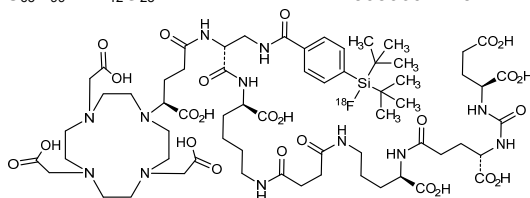
N^2 -(N -{[(4*S*)-4-carboxy-4-[4,7,10-tris(carboxyméthyl)-1,4,7,10-tétraza-cyclododécan-1-yl]butanoyl]-3-[4-(di-*tert*-butyl(^{18}F)fluorosilyl)benzamido]- D -alanyl]- N^6 -[4-(N^2 -{ N -[(acide L -glutamique- N -yl)carbonyl]- L - γ -glutamyl]- D -ornithin- N^6 -yl)-4-oxobutanoyl]- D -lysine
produit radiomarqué à usage diagnostique

flotufolastat (^{18}F)

N^2 -(N -{[(4*S*)-4-carboxy-4-[4,7,10-tris(carboximetil)-1,4,7,10-tetraazaciclo-dodécan-1-il]butanoil]-3-[4-(di-*tert*-butil(^{18}F)fluorosilil)benzamido]- D -alanil]- N^6 -[4-(N^2 -{ N -[(ácido L -glutámico- N -il)carbonil]- L - γ -glutamil]- D -ornitin- N^6 -il)-4-oxobutanoil]- D -lisina
radiofármaco de uso diagnóstico

 $\text{C}_{63}\text{H}_{99}^{18}\text{FN}_{12}\text{O}_{25}\text{Si}$

2305060-41-5

**flubentylsinum**

flubentylsin

[(4*R*,5*S*,6*S*,7*R*,9*R*,11*E*,13*E*,15*R*,16*R*)-15-[[[(6-deoxy-2,3-di- O -methyl- β - D -allopypyranosyl)oxy]methyl]-6-[[[3,6-dideoxy-4- O -{2,6-dideoxy-4- O -[(4-fluorophenyl)methyl]-3- C -methyl- α - L -ribo-hexopyranosyl]-3-(diméthylamino)- β - D -glucopyranosyl]oxy]-16-éthyl-4-hydroxy-5,9,13-triméthyl-2,10-dioxo-1-oxacyclohexadéca-11,13-dié-7-yl]acétaldéhyde:
4^B- O -(4-fluorobenzyl)tylosin
antibiotique

flubentylsine

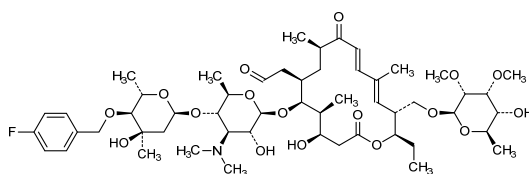
[(4*R*,5*S*,6*S*,7*R*,9*R*,11*E*,13*E*,15*R*,16*R*)-15-[[[(6-désoxy-2,3-di- O -méthyl- β - D -allopypyranosyl)oxy]méthyl]-6-[[[3,6-didésoxy-4- O -{2,6-didésoxy-4- O -[(4-fluorophényl)méthyl]-3- C -méthyl- α - L -ribo-hexopyranosyl]-3-(diméthylamino)- β - D -glucopyranosyl]oxy]-16-éthyl-4-hydroxy-5,9,13-triméthyl-2,10-dioxo-1-oxacyclohexadéca-11,13-dié-7-yl]acétaldéhyde:
4^B- O -(4-fluorobenzyl)tylosine
antibiotique

flubentilosina

[(4*R*,5*S*,6*S*,7*R*,9*R*,11*E*,13*E*,15*R*,16*R*)-15-[[[(6-desoxi-2,3-di- O -metil- β - D -alopiranosil)oxi]metil]-6-[[[3,6-didesoxi-4- O -{2,6-didesoxi-4- O -[(4-fluorofenil)metil]-3- C -metil- α - L -ribo-hexopiranosil]-3-(dimetilamino)- β - D -glucopiranosil]oxi]-16-etil-4-hidroxi-5,9,13-trimetil-2,10-dioxo-1-oxaciclohexadéca-11,13-dien-7-il]acetaldehído:
4^B- O -(4-fluorobencil)tilosina
antibiótico

C₅₃H₈₂FNO₁₇

1809266-03-2

**fordadistrogenum movaparvovecum #**

fordadistrogène movaparvovec

A replication-defective adeno-associated viral vector encoding a codon-optimised mini-dystrophin (DMD). A recombinant replication-defective adeno-associated viral vector serotype 9 (rAAV9), encoding a codon-optimised mini-dystrophin (DMD) gene comprising the N-terminus, hinge regions H1, H3 and H4, spectrin-like repeats R1, R2 and R22-24, and the C-terminal cysteine-rich region, under the control of a human muscle-specific synthetic enhancer/promoter and a synthetic poly(A) sequence, flanked by AAV2 inverted terminal repeats (ITR).

gene therapy (muscular dystrophy)

fordadistrogène movaparvovec

Un vecteur adénoviral à réplication défectueuse et codant pour une mini-dystrophine (DMD) avec des codons optimisés.

Un vecteur adénoviral recombinant de sérotype 9 (rAAV9) à réplication défectueuse, codant pour un gène de mini-dystrophine (DMD) avec des codons optimisés, comprenant l'extrémité N-terminale, les régions charnières H1, H3 et H4, les répétitions de type spectrine R1, R2 et R22-24, et la région C-terminale riche en cystéines, sous le contrôle d'un promoteur/amplificateur synthétique spécifique du muscle humain et d'une séquence synthétique poly(A), flanquée de répétitions terminales inversées (ITR) de l'AAV2.

thérapie génique (dystrophie musculaire)

fordadistrogén movaparvovec

Un vector de virus adeno-asociado, deficiente de replicación, que codifica para una mini-distrofina (DMD) con los codones optimizados.

Un vector de virus adeno-asociado recombinante de serotipo 9 (rAAV9), deficiente de replicación, que codifica para un gen de mini-distrofina (DMD) con los codones optimizados que contiene el extremo N-terminal, las regiones bisagra H1, H3 y H4, las repeticiones de tipo espectrina R1, R2 y R22-24, y la región C-terminal rica en cisteínas, bajo el control de un promotor/amplificador (enhancer) sintético específico de músculo humano y una secuencia poly(A) sintética, flanqueado por las repeticiones terminales invertidas (ITR) del AAV2.

terapia génica (distrofia muscular)

2248111-37-5

gallium (⁶⁸Ga) gozetotidum
gallium (⁶⁸Ga) gozetotide

{N-[(N⁶-{6-[3-(3-[[{2-[[{5-(2-carboxyethyl)-2-hydroxy-κO-phenyl]methyl}(carboxy-κO-methyl)amino-κN]ethyl}(carboxy-κO-methyl)amino-κN]methyl)-4-hydroxy-κO-phenyl]propanamido]hexanoyl]-L-lysine-N²-yl)carbonyl]-L-glutamato(3-)}(⁶⁸Ga)gallium
radiolabelled diagnostic agent

gallium (⁶⁸Ga) gozétotide

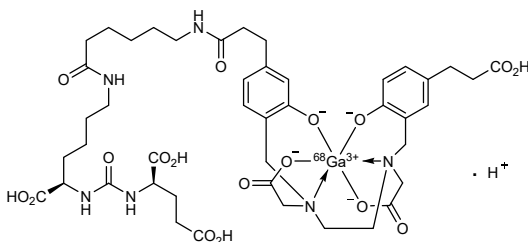
{N-[(N⁶-{6-[3-(3-[[{2-[[{5-(2-carboxyéthyl)-2-hydroxy-κO-phényl]méthyl}(carboxy-κO-méthyl)amino-κN]éthyl}(carboxy-κO-méthyl)amino-κN]méthyl)-4-hydroxy-κO-phényl]propanamido]hexanoyl]-L-lysine-N²-yl)carbonyl]-L-glutamato(3-)}(⁶⁸Ga)gallium
produit radiomarqué à usage diagnostique

galio (⁶⁸Ga) gozetótida

{N-[(N⁶-{6-[3-(3-[[{2-[[{5-(2-carboxietil)-2-hidroxi-κO-fenil]metil}(carboxi-κO-metil)amino-κN]etil}(carboxi-κO-metil)amino-κN]metil)-4-hidroxi-κO-fenil]propanamido]hexanoil]-L-lisine-N²-il)carbonil]-L-glutamato(3-)}(⁶⁸Ga)galio
radiofármaco de uso diagnóstico

C₄₄H₅₉⁶⁸GaN₆O₁₇

1906894-20-9

**garivulimabum #**
garivulimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed death ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-446) [VH humanized (*Homo sapiens* IGHV3-NL1*01 (84.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17.1, G1v4 CH2 A114 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230) -CH2 V1.2>A (234), P114>A (329) (231-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (118-446)], (220-215')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA humanized (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (84.0%) -IGKJ2*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

garivulimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort programmée, PDL1, PD-L1, homologue 1 de B7, B7H1)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde gamma1 humanisée (1-446) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-NL1*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106) (1-117) - *Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v4 CH2 A114 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230) -CH2 V1.2>A (234), P114>A (329) (231-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (118-446)], (220-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (84.0%) -IGKJ2*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98) (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

garivulimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte programada, PDL1, PD-L1, homólogo 1 de B7, B7H1)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada gamma1 humanizada (1-446) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-NL1*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106) (1-117) - *Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v4 CH2 A114 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230) -CH2 V1.2>A (234), P114>A (329) (231-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (118-446)], (220-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (84.0%) -IGKJ2*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.10] (27-32.50-52.89-98) (1'-108') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2342597-81-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLVESGGG	LVQPGGSLRL	SCAVSGFSLT	SYGVHVRQA	PGKGLEWVAV	50
IWAGGSTNYA	DSVKGRFTIS	KDTSKNTVYL	QMNSLRAEDT	AVYYCAKPYG	100
TSAMDYWGQG	TLVTSSAST	KGPSVFPLAP	SSKSTSGGTA	ALGCLVKDYF	150
PEFVTSWNS	GALTSGVHTF	PAVLQSSGLY	SLSSVTVPS	SSLGTQTYIC	200
NVNHKPSNTK	VDKKVEPKSC	DKHTCTPCPC	APPAAGPSVF	LFPPKPKDTL	250
MISRTPEVTC	VVVDVSHEDP	EVKFNWYVDG	VEVHNAKTKP	REEQYNSTYR	300
VVSVLTVLHQ	DWLNGKEYKC	KVSNKALAAP	IEKTIKAKG	QPREPQVYTL	350
PPSRDELTKN	QVSLTCLVKG	FYPSDIAVEW	ESNGQPENNY	KTTTPVLDSD	400
GSFFLYSKLT	VDKSRWQGN	VFSSCYMHEA	LHNHYTQKSL	SLSPGK	446

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS	LSASVGDRVIT	ITCKASQDVG	IVVAWYQQKPK	GKAPKLLIYW	50
ASIRHTGVPS	RFSGSGSGTE	FTLTISLLQP	DDFATYYCQQ	YSNYPLYTFG	100
QGTQVEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT	ASVVCLLNNF	YPREAKVQWK	150
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYISLSSTL	TLSKADYEKH	KVYACEVTHQ	200
GLSSPVTKSF	NRGEC				215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 144-200 260-320 366-424
22"-95" 144"-200" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 135"-195"
23"-88" 135"-195"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-215' 220"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

296, 296'

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupe de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

446, 446'

garveleucelum

garveleucel

Allogeneic T cell-enriched leukocyte preparation, devoid of alloreactive T cells.

The cells are derived from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) collected by apheresis from a haploidentical stem cell donor.

The cells are lymphocyte enriched, and during processing patient and donor cells are co-cultured *ex vivo* in an MLR (mixed lymphocyte reaction) to stimulate activation of host alloreactive T-cells and subsequent depletion of these cells using a proprietary rhodamine-based photodynamic treatment. In this process, monocytes are largely eliminated from the cell mixture. The cells are primarily T cells (average ~90%) consisting of both CD4+ T-helper cells and CD8+ T-cytotoxic cells (mean CD4:CD8 ratio of 2.1), and other leucocytes (average ~10%, with B-cells (~6-7%) and NK cells (~2-3%).

cell therapy (immunomodulator)

garvéleucel

Préparation de leucocytes enrichis en cellules T allogéniques, dépourvus de cellules T allo-réactives.

Les cellules sont dérivées de cellules mononucléaires du sang périphérique (PBMC) prélevées par aphérèse chez un donneur de cellules souches partiellement compatible pour les antigènes HLA.

Les cellules sont enrichies en lymphocytes et, pendant le traitement, les cellules du patient et du donneur sont co-cultivées *ex vivo* selon une RML (réaction lymphocytaire mixte) pour stimuler l'activation des cellules T allo-réactives de l'hôte et l'épuisement ultérieur de ces cellules grâce à un traitement photodynamique exclusif à base de rhodamine. Dans ce processus, les monocytes sont largement éliminés du mélange de cellules.

Les cellules sont principalement des cellules T (en moyenne ~90%) composées à la fois de cellules T auxiliaires CD4+ et de cellules T cytotoxiques CD8+ (rapport moyen CD4:CD8 de 2.1), et d'autres leucocytes (en moyenne ~10%, avec des cellules B (~6-7%) et des cellules NK (~2-3%).

thérapie cellulaire (immunomodulateur)

garveleucel

Preparación de leucocitos enriquecidos en células T alogénicos, desprovistos de células T aloreactivas.

Las células se obtienen a partir de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs) recogidas por aféresis de un donante de células madre haploidentico.

Las células se enriquecen en linfocitos, y durante el procesamiento, las células del paciente y del donante se co-cultivan *ex vivo* en una MLR (reacción mixta de linfocitos) para estimular la activación de células T aloreactivas frente al huésped y la subsiguiente depleción de estas células usando un tratamiento fotodinámico basado en la rodamina. En este proceso, los monocitos en su mayoría se eliminan de la mezcla celular.

Las células son principalmente células T (~90% como media) y consisten en células T colaboradoras CD4+ y células T citotóxicas CD8+ (ratio medio CD4:CD8 de 2.1), y otros leucocitos (media ~10%, con células B (~6-7%) y células NK (~2-3%).

terapia celular (inmunomodulador)

gavocabtagenium autoleucelum #

gavocabtagene autoleucel

Autologous T cells transduced *ex vivo* with a self-inactivating lentiviral vector encoding an anti-mesothelin (MSLN) chimeric antigen receptor

Autologous T cells transduced *ex vivo* with a non-replicating, self-inactivating (SIN) lentiviral vector, encoding an anti-mesothelin (MSLN) single-domain antibody (sdAb) based chimeric antigen receptor with a leader sequence derived from granulocyte-macrophage colony-stimulating factor receptor alpha (GMCSFR-alpha), fused to the CD3 ϵ subunit of the T-cell receptor (TCR) via an A3(G4S)3LE flexible linker, which is incorporated into the endogenous TCR complex upon expression. The transgene is under control of elongation factor-1 alpha (EF-1 α) promoter and woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element. The vector genome also contains a packaging signal, a partial *gag* sequence, a Rev Response Element (RRE), a central polypurine tract (cPPT) and a 3' polypurine tract (3'PPT).

cell-based gene therapy (antineoplastic)

gavocabtagène autoleucel

Cellules T autologues transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral non répliatif codant pour un récepteur chimérique anti-mésothéline (MSLN).

Cellules T autologues transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral non répliatif et auto-inactivable (SIN), codant pour un récepteur antigénique chimérique basé sur les anticorps anti-mésothéline (MSLN) à domaine unique (sdAb). Il comprend une séquence leader dérivée du récepteur alpha du facteur de stimulation des colonies de granulocytes-macrophages (GMCSFR-alpha), fusionné à la sous-unité CD3 ϵ du récepteur des cellules T (TCR) via un polypeptide lieur flexible nommé A3(G4)3LE, qui est incorporé dans le complexe TCR endogène lors de l'expression. Le transgène est sous le contrôle du promoteur du facteur d'élongation 1 alpha (EF-1 α) ainsi que de l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte. Le génome du vecteur contient aussi un signal de conditionnement des gènes, une séquence *gag* partielle, un élément de réponse Rev (RRE), une région centrale avec tractus polypurine (cPPT) et un tractus polypurine 3' (3'PPT).

thérapie génique à base de cellules (antineoplasique)

gavocabtagén autoleucel

Células T autólogas transducidas *ex vivo* con un vector lentiviral auto-inactivante que codifica para un receptor de antígenos quimérico anti-mesotelina (MSLN).

Células T autólogas transducidas *ex vivo* con vector lentiviral auto-inactivante, no replicativo, que codifica para un receptor de antígenos quimérico basado en un anticuerpo de domino único (sdAb) anti-mesotelina (MSLN) con una secuencia líder derivada del receptor alfa del factor estimulador de colonias de granulocitos-macrófagos (GMCSFR-alfa), fusionado a la subunidad CD3 ϵ del receptor de la célula T (TCR) mediante un conector (linker) flexible A3(G4S)3LE, que se incorpora en el complejo TCR endógeno al expresarse. El transgen está bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF-1 α) y elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota. El genoma del vector también contiene una señal empaquetadora, un secuencia *gag* parcial, un elemento de respuesta Rev (RRE), un segmento central de polipurinas (cPPT) y un segmento 3' de polipurinas (3'PPT).

terapia génica basada en células (antineoplásico)

geptanolimabum #

geptanolimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody;
 gamma4 heavy chain (1-440) [VH (*Homo sapiens*IGHV7-4-1*02 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.7] (26-33.51-58.97-103) (1-114)-*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (115-212), hinge 1-12 S10>P (222) (213-224), CH2 (225-334), CH3 (335-439), CHS K>del (440) (115-440)], (28-217')-disulfide with kappa light chain (1'-217') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-5*01 (89.9%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (64.9%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.8] (27-36.54-56.93-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217')];
 dimer (220-220":223-223")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

geptanolimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma4 (1-440) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.7] (26-33.51-58.97-103) (1-114) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (115-212), charnière 1-12 S10>P (222) (213-224), CH2 (225-334), CH3 (335-439), CHS K>del (440) (115-440)], (128-217')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-217') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-5*01 (89.9%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (64.9%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.8] (27-36.54-56.93-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217')];
 dimère (220-220":223-223")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

geptanolimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma4 (1-440) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.7] (26-33.51-58.97-103) (1-114) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v5 h P10 (CH1 (115-212), bisagra 1-12 S10>P (222) (213-224), CH2 (225-334), CH3 (335-439), CHS K>del (440) (115-440)], (128-217')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-217') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV3-5*01 (89.9%) -IGKJ1*01 (90.9%)/*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (64.9%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [10.3.8] (27-36.54-56.93-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (156), V101 (194) (111'-217')];
 dímero (220-220":223-223")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2348469-43-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QIQLVQSGSE LKKPGASVKV SCKASGYTFT NFGMNWVRQA PGQGLKWMGW 50
ISGYTREPTY AADFKGRFVI SLDTSVSTAY LQISSLKAEED TAVYYCARDV 100
FDYWGQGTLLV TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG CLVKDYFPEP 150
VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVVTVFSSSL GTKTYTCNV 200
HKPSNTKVDK RVESKYGPFC PCPEAFELG GPSVFLFPFK PKDTLMISRT 250
PEVTCVVVDV SQEDPEVFQFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQF NSTYRVVSVL 300
TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI SKAKGQPREP QVYTLPPSQE 350
EMTKNQVSLT CLVKGFPYSD IAVEWEESNGQ PENNYKTTTP VLDSGGSFFL 400
YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS VMHEALHNNH TQKSLSLSLG 440

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVLTQSPAS LAVSPGQRAT ITCRASESVD NYGYSFMNWF QQKPGQPPKL 50
LIYRASNLGS GVPARFSGSG SRTDFTLTIN FVEADDTANY YCQQSNADPT 100
FGQGTKLEIK RTVAAPSVFI FPFSDQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYLSLS TLTLSKADYE KHKVYACEVT 200
HQLSSPPTK SFNRGEC 217

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96° 141°-197° 255°-315° 361°-419°
22°-96° 141°-197° 255°-315° 361°-419°
Intra-L (C23-C104) 23°-92° 137°-197°
23°-92° 137°-197°
Inter-H-L (h 10-CL 126) 128°-217° 128°-217°
Inter-H-H (h 8, h 11) 220°-220° 223°-223°

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
H VH Q1:
1, 1°

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2N84.4:
291, 291°

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

gindameranum #
gindameran

Messenger RNA encoding cancer/testis antigen 1 (New York oesophageal squamous cell carcinoma antigen-1). Messenger RNA (mRNA), 5'-capped, encoding codon-optimised New York esophageal squamous cell carcinoma antigen-1 (NY-ESO-1; cancer/testis antigen 1, CTAG1A) expressed as a fusion protein comprising a secretory signal peptide, NY-ESO-1, P2P16 tetanus toxoid-derived helper epitopes and a major histocompatibility complex (MHC) class I transmembrane and cytoplasmic domain (MITD), connected by three glycine/serine-rich (GS) linker peptides, flanked by 5' and 3' untranslated regions and a 3' poly(A) tail.
immunomodulator, antineoplastic

gindaméran

ARN messenger codant pour l'antigène 1 du cancer testiculaire (antigène 1 du carcinome squameux de l'oesophage, dit de New York). ARN messenger (ARNm), protégé en 5', codant pour l'antigène 1 du carcinome squameux de l'oesophage, dit de New York (NY-ESO-1; antigène 1 du cancer testiculaire, CTAG1A), avec des codons optimisés, exprimé sous la forme d'une protéine de fusion comprenant un peptide signal de sécrétion, NY-ESO-1, les épitopes auxiliaires P2P16 dérivés de l'anatoxine tétanique et un domaine transmembranaire et cytoplasmique (MITD) du complexe majeur d'histocompatibilité (CMH) de classe I, reliés par trois peptides de liaison riches en glycine/sérine (GS), flanqués de régions non traduites en 5' et 3' et d'une queue poly(A) en 3'.
immunomodulateur, antinéoplasique

gindamerán

ARN mensajero que codifica para el antígeno 1 de cáncer/testículo (antígeno 1 de carcinoma escamoso del esófago Nueva York).

ARN mensajero (ARNm), protegido en 5', que codifica para el antígeno 1 de carcinoma escamoso del esófago Nueva York (NY-ESO-1; antígeno cáncer/testículo 1, CTAG1A) con codones optimizados, que se expresa como una proteína de fusión que consta de un péptido señal de secreción, NY-ESO-1, los epítomos auxiliares P2P16 derivados del toxoide tetánico y un dominio citoplásmico y transmembrana del complejo principal de histocompatibilidad (MHC) de clase I (MITD), conectados mediante tres péptidos de enlace ricos en glicina/serina (GS), flanqueado por las regiones 5' y 3' no traducidas y una cola poly(A) en 3'.

inmunomodulador, antineoplásico

2348560-89-2

grisnilimabum #

grisnilimab

immunoglobulin G2A-lambda, anti-[CD7 (CD7 antigen (p41), GP40, LEU-9, TP41, Tp40)], *Mus musculus* monoclonal antibody;

gamma2a heavy chain *Mus musculus* (1-453) [VH (*Mus musculus* IGHV9-3-1*01 (98%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Mus musculus* IGHG2A*01 (100%) (CH1 (124-220), hinge 1-16 (221-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (138-214')-disulfide with lambda light chain *Mus musculus* (1'-215') [V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (98%) -IGLJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99) (1'-109') -*Mus musculus* IGLC1*01 (100%) (110'-215')];

dimer (230-230":233-233":235-235")-trisdisulfide, produced in SP2/0-derived mouse myeloma cells, glycoform alfa

immunomodulator

grisnilimab

immunoglobuline G2A-lambda, anti-[CD7 (CD7 antigène (p41), GP40, LEU-9, TP41, Tp40)], anticorps monoclonal *Mus musculus*;

chaîne lourde gamma2a *Mus musculus* (1-453) [VH (*Mus musculus* IGHV9-3-1*01 (98%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Mus musculus* IGHG2A*01 (100%) (CH1 (124-220), charnière 1-16 (221-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (138-214')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Mus musculus* (1'-215') [V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (98%) -IGLJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99) (1'-109') -*Mus musculus* IGLC1*01 (100%) (110'-215')];

dimère (230-230":233-233":235-235")-trisdisulfure, produit par une ligne cellulaire dérivée de myélome murin SP2/0, glycoforme alfa

immunomodulateur

grisnilimab

inmunoglobulina G2A-lambda, anti-[CD7 (CD7 antígeno (p41), GP40, LEU-9, TP41, Tp40)], anticuerpo monoclonal *Mus musculus*; cadena pesada gamma2a *Mus musculus* (1-453) [VH (*Mus musculus* IGHV9-3-1*01 (98%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Mus musculus* IGHG2A*01 (100%) (CH1 (124-220), bisagra 1-16 (221-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (138-214')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Mus musculus* (1'-215') [V-LAMBDA (*Mus musculus* IGLV1*01 (98%) -IGLJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99) (1'-109') -*Mus musculus* IGLC1*01 (100%) (110'-215')]; dímero (230-230":233-233":235-235")-trisdifuro, producido en una línea celular de mieloma murino SP2/0, forma glicosilada alfa
inmunomodulador

2367001-70-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QIQLVQSGPE	LKKPGETVKI	SCKASGYTFT	NYGMNWKQA	PGKGLMWLWG	50
INTYTGSEPT	ADDFKGRFAF	SLETSASTAY	LQINNLKNE	TATYFCARWA	100
YFYGSSPYFF	DYWGQGTTLT	VSSAKTTAPS	VYPLAPVCGD	TTGSSVTLGC	150
LVKGYFPEPV	TLTWNSGSL	SGVHTFFPAVL	QSDLYLTSS	VTVTSSVTWPS	200
QSITCNVAHP	ASSTKVDRKI	EPRGPTIKPC	PPCKCPAPNL	LGGPSVFIFP	250
PKIKDVLMS	LSPIVTCVVV	DVSEDDPDQV	ISWVFNNVEV	HTAQTQTHRE	300
DYNSTLRVVS	ALPIHQDWM	SGKEFKCKVN	NKDLPAPIER	TISKPKGSVR	350
APQVYVLP	EEEMTKQVT	LTCMVTDFMP	EDIYVEWTNN	GKTELNYKNT	400
EPVLDSDGSY	FMYSKLRVEK	KNWVERNSYS	CSVVHEGLHN	HHTTKFSFRT	450
PGK					453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QAVVTQESAL	TTSPGETVT	TCRSSTGAVT	TSNYANVQVE	KPDHLFTGLI	50
GGTNNRAPGV	PARFSGSLIG	DKAALTITGA	QTEDEAIYFC	ALWCSNHLVF	100
GGGKLTVLG	QPKSSPSVTL	FPPSSELET	NKATLVCTIT	DFYPGVVTVD	150
WKVDGTPVTQ	GNETTQPSKQ	SNNKYMSSY	LTLTARAWER	HSSYSCQVTH	200
EGHTEVSKLS	RADCS				215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 150-205 267-327 373-431
 22"-96" 150"-205" 267"-327" 373"-431"
 Intra-L (C23-C104) 22'-90' 137'-196'
 22"-90" 137"-196"

Inter-H-L (CH1 11-CL 126) 138-214' 138"-214"

Inter-H-H (h 12, h 15, h 18) 230-230" 233-233" 235-235"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamy (pE, 5-oxoprolin)

H VH Q1:

I, I"

L VL Q1:

I', I'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary SP2/0-type glycans / glycanes de type SP2/0 bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo SP2/0 biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

453, 453"

grisnilimabum setaritoxum #
 grisnilimab setaritox

immunoglobulin G2A-lambda, anti-[CD7 (CD7 antigen (p41), GP40, LEU-9, TP41, Tp40)], *Mus musculus* monoclonal antibody conjugated to ricin toxin A (RTA);

	gamma2a heavy chain <i>Mus musculus</i> (1-453) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV9-3-1*01 (98%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -<i>Mus musculus</i> IGHG2A*01 (100%) (CH1 (124-220), hinge 1-16 (221-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (138-214')-disulfide with lambda light chain <i>Mus musculus</i> (1'-215') [V-LAMBDA (<i>Mus musculus</i> IGLV1*01 (98%) -IGLJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99) (1'-109') -<i>Mus musculus</i> IGLC1*01 (100%) (110'-215')]; dimer (230-230":233-233":235-235")-trisdisulfide, produced in SP2/0-derived mouse myeloma cells, glycoform alfa, substituted at N⁶ of an average of 1.6 lysyl residues with 4-[(1RS)-1-[[L-methionyl-ricin toxin A-chain (Met-RTA, non-glycosylated, produced in <i>Escherichia coli</i>)-S²⁶⁰-yl]sulfanyl]ethyl]benzoyl groups <i>immunomodulator</i>
grisnilimab sétaritox	immunoglobuline G2A-lambda, anti-[CD7 (CD7 antigène (p41), GP40, LEU-9, TP41, Tp40)], anticorps monoclonal <i>Mus musculus</i> conjugué à la toxine A de la ricine (RTA); chaîne lourde gamma2a <i>Mus musculus</i> (1-453) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV9-3-1*01 (98%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -<i>Mus musculus</i> IGHG2A*01 (100%) (CH1 (124-220), charnière 1-16 (221-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (138-214')-disulfure avec la chaîne légère lambda <i>Mus musculus</i> (1'-215') [V-LAMBDA (<i>Mus musculus</i> IGLV1*01 (98%) -IGLJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99) (1'-109') -<i>Mus musculus</i> IGLC1*01 (100%) (110'-215')]; dimère (230-230":233-233":235-235")-trisdisulfure, produit par une lignée cellulaire dérivée de myélome murin SP2/0, glycoforme alfa, substitué en N⁶ sur un moyenne de 1.6 résidus lysyl par des groupes 4-[(1RS)-1-[[L-méthionyl-chaîne A de la toxine de ricine (Met-RTA, non-glycosylée, produite par <i>Escherichia coli</i>)-S²⁶⁰-yl]sulfanyl]éthyl]benzoyle <i>immunomodulateur</i>
grisnilimab setaritox	inmunoglobulina G2A-lambda, anti-[CD7 (CD7 antígeno (p41), GP40, LEU-9, TP41, Tp40)], anticuerpo monoclonal <i>Mus musculus</i> conjugado con la toxina A de la ricina (RTA); cadena pesada gamma2a <i>Mus musculus</i> (1-453) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV9-3-1*01 (98%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -<i>Mus musculus</i> IGHG2A*01 (100%) (CH1 (124-220), bisagra 1-16 (221-236), CH2 (237-346), CH3 (347-451), CHS (452-453)) (124-453)], (138-214')-disulfuro con la cadena ligera lambda <i>Mus musculus</i> (1'-215') [V-LAMBDA (<i>Mus musculus</i> IGLV1*01 (98%) -IGLJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99) (1'-109') -<i>Mus musculus</i> IGLC1*01 (100%) (110'-215')]; dímero (230-230":233-233":235-235")-trisdisulfuro, producido en una línea celular de mieloma murino SP2/0, forma glicosilada alfa, sustituida en N⁶ de un promedio de 1,6 residuos de lisilo con grupos de 4-[(1RS)-1-[[L-metionil-cadena A de toxina de ricina (Met-RTA, no glicosilada, producida por <i>Escherichia coli</i>)-S²⁶⁰-il]sulfanil]etil]benzoilo <i>immunomodulador</i>

2361013-29-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QIQLVQSGPE	LKKPGETVKI	SCKASGYTFT	NYGMNWKQA	PGKGLMWLWG	50
INTYTGEPTY	ADDFKGRFAF	SLETSASTAY	LQINNKNED	TATYFCARWA	100
YFYGSSPYFF	DYWGQTTLT	VSSAKTTAPS	VYPLAPVCGD	TTGSSVTLGC	150
LVKGYFPEPV	TLTWNSSGLS	SGVHTFPAVL	QSDLYLTSSS	VTVTSSTWPS	200
QSITCNVAHP	ASSTKVDDKI	EPRGPTIKPC	PPCKCPAPNL	LGGPSVFIFP	250
PKIKDVLMSI	LSPIVTCVVV	DVSEDDPDVQ	ISWFVNNVEV	HTAQTQTHRE	300
DYNSTLRVVS	ALPIHQDWM	SGKEFKCKVN	NKDLPAPIER	TISKPKGSVR	350
APQVYVLPPP	EEEMTKQVVT	LTCMVTDFMP	EDIYVEWTNN	GKTELNYKNT	400
EPVLDSGGSY	FMYSKLVRKEK	KNWVERNSYS	CSVVHEGLHN	HHTTKFSFRT	450
PGK					453

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QAVVTQESAL	TTSFGETVTL	TCRSSTGAVT	TSNYANWVQE	KPDHLFTGLI	50
GGTNNRAPGV	PARFSGSLIG	DKAALTITGA	QTEDEAIYFC	ALWCSNHLVF	100
GGGTKLTVLG	QPKSSPSVTL	FPPSSELEET	NKATLVCTIT	DFYPGVVTV	150
WKVDGTPVTQ	GMEITQPSKQ	SNNKYMASSY	LTLTARAWER	HSSYSCQVTH	200
EGHTEVKSLS	RADCS				215

Met-Ricin A chain / Met-chaîne A de la Ricine / Met-cadena A de la Ricina

MIFPKQYPII	NFTTAGATVQ	SYTNFIRAVR	GRLTGTGADV	HDIPVLPNVR	50
GLPINQRFIL	VELSNHAEIS	VTALALDVINA	YVVGYRAGNS	AYFFHPDNQE	100
DAEAITHLFT	DVQNYTFAF	GGNYDRLEQL	AGNLRENIEL	GNGPLLEAIS	150
ALYYSTGGT	QLPTLARSFI	ICIQMISEAA	RFQYIEGEMR	TRIRYNRRSA	200
PDPSVITLEN	SWGRSLTAIQ	ESNQGAFAFP	IQLQRRNGSK	FSVYDVSI	250
PIIALMVYRC	APPPSSQF				268

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	150-205	267-327	373-431
	22"-96"	150"-205"	267"-327"	373"-431"
Intra-L (C23-C104)	22"-90"	137"-196"		
	22"-90"	137"-196"		
Inter-H-L (CH1 11-CL 126)	138-214'	138"-214"		
Inter-H-H (h 12, h 15, h 18)	230-230"	233-233"	235-235"	
	heterogeneous patterns involving 94' and 94" e.g.:			
	96-94'	138-94'	150-94'	94'-137"
	96"-94"	138"-94"	150"-94"	94"-137"

Met-RTA: C172 = Cys-SH, C260 = Cys-S-S-CH(CH₃)-p-C₆H₄-CO-[N₆-Lys(H,L)]

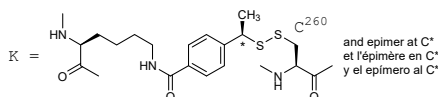
Conjugation sites / Sites de conjugaison / Posiciones de coniugación

major: K87 K228 K72' K113'

K87" K228" K72"" K113""

minor: K43 K215 K323 K332 K398 K421 K132'

K43" K215" K323" K332" K398" K421" K132""



N-terminal glutamyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolinyl)

H VH Q1:

I, I"

L VL Q1:

I', I'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

303, 303"

Fucosylated complex bi-antennary SP2/0-type glycans / glycanes de type SP2/0 bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo SP2/0 biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

453, 453"

hepcidinum hepcidin

hepcidin (human) (hepatic bactericidal protein, hepcidin-25, liver-expressed antimicrobial peptide 1, LEAP-1, hepatic antimicrobial peptide, HAMP, ferroportin regulator protein):

S⁷, S²³, S¹⁰, S¹³, S¹¹, S¹⁹, S¹⁴, S²²-tetracyclo(L-α-aspartyl-L-threonyl-L-histidyl-L-phenylalanyl-L-prolyl-L-isoleucyl-L-cysteinyl-L-isoleucyl-L-phenylalanyl-L-cysteinyl-L-cysteinylglycyl-L-cysteinyl-L-cysteinyl-L-histidyl-L-arginyl-L-seryl-L-lysyl-L-cysteinylglycyl-L-methionyl-L-cysteinyl-L-cysteinyl-L-lysyl-L-threonine)

iron metabolism regulator

hepcidine

hepcidine (humaine) (protéine bactéricide hépatique, hepcidine-25, peptide antimicrobien exprimé par le foie 1, LEAP-1, peptide antimicrobien hépatique, HAMP, protéine régulatrice de la ferroportine):
 $S^7, S^{23}:S^{10}, S^{13}:S^{11}, S^{19}:S^{14}, S^{22}$ -tétracyclo(L- α -aspartyl-L-thréonil-L-histidyl-L-phénylalanil-L-prolyl-L-isoleucyl-L-cystéinyl-L-isoleucyl-L-phénylalanil-L-cystéinyl-L-cystéinylglycyl-L-cystéinyl-L-cystéinyl-L-histidyl-L-arginyl-L-séryl-L-lysyl-L-cystéinylglycyl-L-méthionyl-L-cystéinyl-L-cystéinyl-L-lysyl-L-thréonine)
régulateur du métabolisme du fer

hepcidina

hepcidina (humana) (proteína bactericida hepática, hepcidina-25, péptido antimicrobiano expresado en el hígado 1, LEAP-1, péptido antimicrobiano hepático, HAMP, proteína reguladora de ferroportina):
 $S^7, S^{23}:S^{10}, S^{13}:S^{11}, S^{19}:S^{14}, S^{22}$ -tetraacilo(L- α -aspartil-L-treonil-L-histidil-L-fenilalanil-L-prolil-L-isoleucil-L-cisteinil-L-isoleucil-L-fenilalanil-L-cisteinil-L-cisteinilglicil-L-cisteinil-L-cisteinil-L-histidil-L-arginil-L-seril-L-lisil-L-cisteinilglicil-L-metionil-L-cisteinil-L-cisteinil-L-lisil-L-treonina)
regulador del metabolismo del hierro

C₁₁₃H₁₇₀N₃₄O₃₁S₉

1356390-47-0

Sequence / Séquence / Secuencia

DTHFPICIFC CGCHRSKCG MCKKT

25

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
 7-23, 10-13, 11-19, 14-22

ibezapolstatum

ibezapolstat

2-[[[(3,4-dichlorophenyl)methyl]amino]-7-[2-(morpholin-4-yl)ethyl]-1,7-dihydro-6H-purin-6-one
bacterial DNA polymerase III inhibitor

ibézapolstat

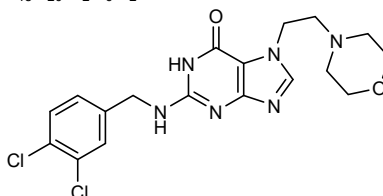
2-[[[(3,4-dichlorophényl)méthyl]amino]-7-[2-(morpholin-4-yl)éthyl]-1,7-dihydro-6H-purin-6-one
inhibiteur de l'ADN polymérase III bactérienne

ibezapolstat

2-[[[(3,4-diclorofenil)metil]amino]-7-[2-(morfolin-4-il)etil]-1,7-dihidro-6H-purin-6-ona
inhibidor de la ADN polimerasa III bacteriana

C₁₈H₂₀Cl₂N₆O₂

1275582-97-2



icapamespibum

icapamespib

9-[2-[(2,2-dimethylpropyl)amino]ethyl]-8-[(6-iodo-2H-1,3-benzodioxol-5-yl)sulfanyl]-9H-purin-6-amine
heat shock protein 90 (HSP90) inhibitor

icapamespib

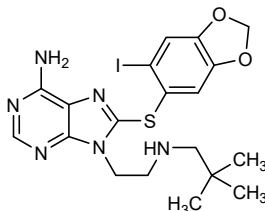
9-[2-[(2,2-diméthylpropyl)amino]éthyl]-8-[(6-iodo-2*H*-1,3-benzodioxol-5-yl)sulfanyl]-9*H*-purin-6-amine
inhibiteur de la protéine de choc thermique 90 (HSP90)

icapamespib

9-[2-[(2,2-diméthylpropyl)amino]éthyl]-8-[(6-iodo-2*H*-1,3-benzodioxol-5-yl)sulfanyl]-9*H*-purin-6-amine
inhibidor de la proteína de choque térmico 90 (HSP90)

C₁₉H₂₃IN₆O₂S

1000999-96-1



idactamabum #

idactamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC1A5 (solute carrier family 1 member 5, neutral amino acid transporter, RDRC, M7V1, AAAT, ASCT2)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-34*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.7.15] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 3'4>ins^cysteiny (244) (235-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452))(122-452)], (224-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*03 (94.7%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO) cell line derived from CHO-K1, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

idactamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC1A5 (famille du porteur soluté 1 membre 5, transporteur d'acide aminé neutre, RDRC, M7V1, AAAT, ASCT2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
 chaîne lourde gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-34*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [8.7.15] (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 3'4>ins^cysteiny (244) (235-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452))(122-452)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*03 (94.7%) -IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

idactamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC1A5 (familia del portador de soluto 1 miembro 5, transportador de ácido amino neutral, RDRC, M7V1, AAAT, ASCT2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma1 *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (96.9%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) [8.7.15] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 3⁴>ins^cisteinil (244) (235-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (122-452)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (94.7%) - IGKJ1*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2245205-37-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
QVQLQQWGAG	LLKPSETLSL	TCAVYGGSF	GYWSWIRQP
IHHSGGANYN	PSLKSRVTIS	VDTSKNQFSL	KLSSVTAADT
KNWHYDYFDY	WGQGLTVTS	SASTKGPSVF	PLAPSSKSTS
KDYFFPEPVT	SWNSGALTSG	VHTFPAVLQS	SGLYSLSSV
TYICNVNHKP	SNTKVDKRV	PKSCDKTHTC	PPCPAPELLG
KPKDTLMISR	TPEVTCVVVD	VSHEDPEVKF	NWYVDGVEVH
YNSTYRVVSV	LTVLHQDWLN	GKEYKCKVSN	KALPAPIEKT
PQVYTLPPSR	EEMTKNQVSL	TCLVKGFPYS	DIAVEWESNG
PVLDSDGSFF	LYSKLTVDKS	RWQQGNVFSC	SVMHEALHNH
GK			
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera			
DIQMTQSPST	LSASVGDRTV	ITCRASQSR	SWLAWYQQKP
ASILKIGVPS	RFGSGSGSTE	FTLTISSLQP	DDFATYYCQQ
GTKVEIKRTV	AAPSVFIFPP	SDEQLKSGTA	SVVCLLNIFY
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYLSSTLT	LSKADYEKHK
LSSPVTKSFN	RGEC		
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-H (C23-C104)	22"-95"	148"-204"	266"-326"
Intra-L (C23-C104)	23"-88"	134"-194"	
Inter-H-L (h 5-CL 126)	224"-214"	224"-214"	
Inter-H-H (h 11, h 14)	230"-230"	233"-233"	
Cysteiny inserted for conjugation capped by a cysteinyl			
H CH2 C3 ⁴):			
244, 244"			
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación			
H CH2 N84.4:			
302, 302"			
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.			
C-terminal lysine clipping:			
H CHS K2:			
452, 452"			

ilacirnonum
ilacirnon

4-chloro-*N*-[5-methyl-2-(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidine-4-carbonyl)pyridin-3-yl]-3-(trifluoromethyl)benzene-1-sulfonamide
chemokine receptor 2 (CCR2) antagonist

ilacirnon

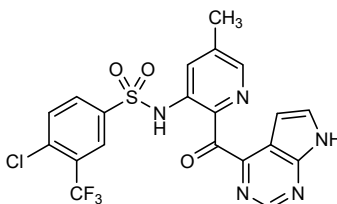
4-chloro-*N*-[5-méthyl-2-(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidine-4-carbonyl)pyridin-3-yl]-3-(trifluorométhyl)benzène-1-sulfonamide
antagoniste du récepteur 2 de la chimiokine (CCR2)

ilacirnon

4-cloro-*N*-[5-metil-2-(7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidina-4-carbonil)piridin-3-il]-3-(trifluorometil)benceno-1-sulfonamida
antagonista del receptor de quimiocina 2 (CCR2)

C₂₀H₁₃ClF₃N₅O₃S

1100318-47-5

**insulinum icodecum**

insulin icodec

human insulin A-chain (1-21) variant (Y>E¹⁴), human insulin B-chain (1-29) variant (Y>H¹⁶, F>H²⁵) conjugated at K^{29B} at its N⁶ to (22*S*)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oyl; N^{6.29B}-[(22*S*)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oyl]-[Tyr14^A>Glu, Tyr16^B>His, Phe25^B>His]-des-Thr30^B-human insulin
hypoglycaemic

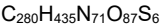
insuline icodec

chaîne A de l'insuline humaine (1-21) variant (Y>E¹⁴), chaîne B de l'insuline humaine (1-29) variant (Y>H¹⁶, F>H²⁵), conjuguée en K^{29B} par son N⁶ à (22*S*)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tétraoxa-9,18,23-triazadotétracontan-1-oyle; N^{6.29B}-[(22*S*)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tétraoxa-9,18,23-triazadotétracontan-1-oyl]-[Tyr14^A>Glu, Tyr16^B>His, Phé25^B>His]-des-Thr30^B-insuline humaine
hypoglycémiant

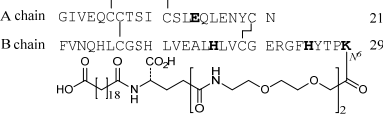
insulina icodec

insulina humana cadena-A (1-21) variante (Y>E¹⁴), insulina humana cadena-B (1-29) variante (Y>H¹⁶, F>H²⁵) conjugada con K^{29B} con su N⁶ al (22*S*)-22,42-dicarboxi-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oilo; N^{6.29B}-[(22*S*)-22,42-dicarboxi-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oil]-[Tir14^A>Glu, Tir16^B>His, Fen25^B>His]-des-Tre30^B-insulina humana
hipoglucemiante

1188379-43-2



Sequences / Séquences / Secuencias



Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain 6^A-11^A

Inter-chain 7^A-7^B, 20^A-19^B

Modifications / Modifications / Modificaciones

Lys^{29B} conjugated at N⁶

inupadenantum
inupadenant

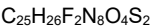
(+)-5-amino-3-{2-[4-(2,4-difluoro-5-{2-[(S)-methanesulfinyl]ethoxy}phenyl)piperazin-1-yl]ethyl}-8-(furan-2-yl)[1,3]thiazolo[5,4-e][1,2,4]triazolo[1,5-c]pyrimidin-2(3*H*)-one
adenosine receptor antagonist, antineoplastic

inupadénant

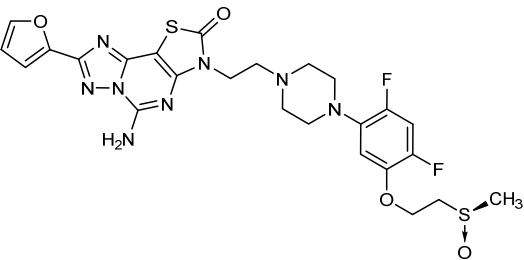
(+)-5-amino-3-{2-[4-(2,4-difluoro-5-{2-[(S)-méthanesulfinyl]éthoxy}phényl)pipérazin-1-yl]éthyl}-8-(furan-2-yl)[1,3]thiazolo[5,4-e][1,2,4]triazolo[1,5-c]pyrimidin-2(3*H*)-one
antagoniste des récepteurs de l'adénosine, antinéoplasique

inupadenant

(+)-5-amino-3-{2-[4-(2,4-difluoro-5-{2-[(S)-metanosulfinil]etoxi}fenil)piperazin-1-il]etil}-8-(furan-2-il)[1,3]thiazolo[5,4-e][1,2,4]triazolo[1,5-c]pirimidin-2(3*H*)-ona
antagonista de los receptores de la adenosina, antineoplásico



2246607-08-7



investrocelum
investrocel

Allogeneic human multipotent adult progenitor cells (MAPC) derived from bone marrow and isolated by density gradient centrifugation. The cells are expanded *ex vivo* on fibronectin-coated surfaces under low-oxygen conditions and in the presence of growth media for the creation of a master cell bank (passage 4), a working cell bank (passage 6) and active substance (passage 9). The cells are adherent, secrete

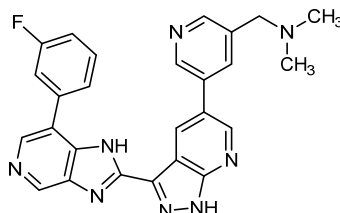
	proangiogenic factors (including VEGF, IL-8 and CXCL5) and of mesenchymal progenitor lineage (<i>in vitro</i> differentiation to endothelial, hepatic and neuronal lineages). The cells express CD49c and CD90 ($\geq 95\%$ of the cells), and lack expression of CD45 and HLA II ($<5\%$). Additional markers include $>90\%$ CD13, CD44, CD73, CD105 and $<5\%$ CD34. The cells have also been shown to induce T cell suppression. <i>cell therapy (immunomodulator)</i>
invimestrocel	Cellules humaines adultes progénitrices multipotentes qui sont allogéniques (MAPC), dérivées de la moelle osseuse et isolées par centrifugation à gradient de densité. Les cellules sont amplifiées <i>ex vivo</i> sur des surfaces recouvertes de fibronectine dans des conditions de faible teneur en oxygène et en présence de milieux de croissance pour la création d'une banque de cellules primaires (passage 4) et d'une banque de cellules de travail (passage 6) et d'une substance active produit fini (passage 9). Les cellules sont adhérentes, sécrètent des facteurs pro-angiogéniques (notamment le VEGF, l'IL-8 et la CXCL5) et sont de la lignée progénitrice mésenchymateuse (différenciation <i>in vitro</i> en lignées endothéliales, hépatiques et neuronales). Les cellules expriment CD49c et CD90 ($\geq 95\%$ des cellules), et sont négatives pour CD45 et HLA II ($<5\%$). Les marqueurs supplémentaires comprennent $>90\%$ de CD13, CD44, CD73, CD105 et $<5\%$ de CD34. Il a également été démontré que les cellules induisent la suppression des lymphocytes T. <i>thérapie cellulaire (immunomodulateur)</i>
invimestrocel	Células progenitoras adultas multipotentes humanas alogénicas (MAPC) derivadas de médula ósea y aisladas mediante centrifugación en gradiente de densidad. Las células se expanden <i>ex vivo</i> en superficies cubiertas de fibronectina en condiciones de oxígeno bajo y en presencia de medio de crecimiento para la creación de un banco de células maestro (pase 4) y un banco de células de trabajo (pase 6) y el principio activo (pase 9). Las células son adherentes, secretan factores proangiogénicos (incluyendo VEGF, IL-8 y CXCL5) y son de la línea progenitora mesenquimal (diferenciación <i>in vitro</i> a las líneas endotelial, hepática y neuronal). Las células expresan CD49c ($\geq 95\%$ de las células), y carecen de expresión de CD45 y HLA II ($<5\%$). Otros marcadores adicionales incluyen $>90\%$ de CD13, CD44, CD73, CD105 y $<5\%$ de CD34. Se ha demostrado también que las células inducen supresión de linfocitos T. <i>terapia celular (immunomodulador)</i>
ipivivintum ipivivint	1-(5-{3-[7-(3-fluorophenyl)-1H-imidazo[4,5-c]pyridin-2-yl]-1H-pyrazolo[3,4-b]pyridin-5-yl}pyridin-3-yl)-N,N-dimethylmethanamine <i>Wnt pathway inhibitor</i>

ipivivint 1-(5-{3-[7-(3-fluorophényl)-1*H*-imidazo[4,5-*c*]pyridin-2-yl]-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyridin-5-yl}pyridin-3-yl)-*N,N*-diméthylméthanamine
inhibiteur de la voie Wnt

ipivivint 1-(5-{3-[7-(3-fluorofenil)-1*H*-imidazo[4,5-*c*]piridin-2-il]-1*H*-pirazolo[3,4-*b*]piridin-5-il}piridin-3-il)-*N,N*-dimetilmetanamina
inhibidor de la vía Wnt

C₂₆H₂₁FN₈

1481617-15-5

**izuralimabum #**

izuralimab

immunoglobulin half-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-*[Homo sapiens* ICOS (inducible T-cell costimulatory, activation-inducible lymphocyte immunomediatory molecule, AILIM, CD278)] and anti-*[Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody, bispecific;

gamma1 heavy chain anti-ICOS (1-454) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-2*02 (99%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114) (1-125) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 N114>D (216) R120>K (222) (126-223), hinge 1-15 (224-238), CH2 E1.4,L1.3>P (241), L1.2>V (242), G1.1>A (243), S29>K (274), Q84.2>E (302) (239-347), CH3 E12 (363), M14 (365), L24>D (375), K26>S (377), N44>D (391), Q97>E (425), N100>D (428), M107>L (435), N114>S (441) (348-452), CHS (453-454)) (126-454)], (228-214')-disulfide with kappa light chain anti-ICOS (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'')]; IG scFv-h-CH2-CH3 single chain, anti-PDCD1 (1''-480'') [scFv-V-kappa-VH anti-PDCD1 (1''-249'')][V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (80.0%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1''-107'') -20-mer tetrakis(glycyl-lysyl-prolyl-glycyl-seryl) linker (108''-127'') -VH (*Mus musculus*IGHV6-6*02 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (86.7%)/*Homo sapiens*IGHV3-15*07 (81.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.10.13] (153-160.178-187.226-238) (128''-249'')] -*Homo sapiens*IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (250''-480'') [hinge 1-15 C5>S (254) (250-264) -CH2 E1.4,L1.3>P (267), L1.2>V (268), G1.1>A (269), S29>K (300) (265-373),CH3 E12 (389), E13>Q (390), M14 (391), S20>K (397), M107>L (461), N114>S (467) (374-478), CHS (479-480)]]; dimer (234-260'':237-263'')-bisdisulfide, produced in Chinese Hamster Ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa

immunomodulator, antineoplastic

izuralimab immunoglobuline demi-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* ICOS (costimulateur inducible du lymphocyte T, molécule immunomédiateur lymphocytaire inducible par activation, AILIM, CD278)] et anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal, bispécifique;

chaîne lourde gamma1 anti-ICOS (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (99%) -IGHD) -IGHJ3*02 (100%)] CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 N114>D (216) R120>K (222) (126-223), charnière 1-15 (224-238), CH2 E1.4.L1.3>P (241), L1.2>V (242), G1.1>A (243), S29>K (274), Q84.2>E (302) (239-347), CH3 E12 (363), M14 (365), L24>D (375), K26>S (377), N44>D (391), Q97>E (425), N100>D (428), M107>L (435), N114>S (441) (348-452), CHS (453-454)) (126-454)], (228-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-ICOS (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)] CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

IG scFv-h-CH2-CH3 chaîne unique, anti-PDCD1 (1"-480") [scFv V-kappa-VH anti-PDCD1 (1"-249") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (80.0%) -IGKJ4*01 (100%)] CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1"-107") -20-mer tétrakis(glycyl-lysyl-prolyl-glycyl-séryl) linker (126"-145") -VH (*Mus musculus* IGHV6-6*02 (87.0%) -IGHD) -IGHJ1*03 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (81.8%) -IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)] CDR-IMGT [8.10.13] (153-160.178-187.226-238) (128"-249")] -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (250"-480") [charnière 1-15 C5>S (254) (250-264) -CH2 E1.4.L1.3>P (267), L1.2>V (268), G1.1>A (269), S29>K (300) (265-373), CH3 E12 (389), E13>Q (390), M14 (391), S20>K (397), M107>L (461), N114>S (467) (374-478), CHS (479-480)]]; dimère (234-260":237-263")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

izuralimab inmunoglobulina demi-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* ICOS (coestimulador inducible del linfocito T, molécula inmunomediadora linfocitaria inducible por activación, AILIM, CD278)] y anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal, biespecífico;

cadena pesada gamma1 anti-ICOS (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (99%) -IGHD) -IGHJ3*02 (100%)] CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 N114>D (216) R120>K (222) (126-223), bisagra 1-15 (224-238), CH2 E1.4.L1.3>P (241), L1.2>V (242), G1.1>A (243), S29>K (274), Q84.2>E (302) (239-347), CH3 E12 (363), M14 (365), L24>D (375), K26>S (377), N44>D (391), Q97>E (425), N100>D (428), M107>L (435), N114>S (441) (348-452), CHS (453-454)) (126-454)], (228-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-ICOS (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ1*01 (100%)] CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

IG scFv-h-CH2-CH3 cadena única, anti-PDCD1 (1"-480") [scFv V-kappa-VH anti-PDCD1 (1"-249") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (80.0%) -IGKJ4*01 (100%)] CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1"-107") -20-mer tetrakis(glicil-lisil-proil-glicil-seril) linker (126"-145") -VH (*Mus musculus* IGHV6-6*02 (87.0%) -IGHD) -IGHJ1*03 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (81.8%) -IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)] CDR-IMGT [8.10.13] (153-160.178-187.226-238) (128"-249")] -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (250"-480") [bisagra 1-15 C5>S (254) (250-264) -CH2 E1.4.L1.3>P (267), L1.2>V (268), G1.1>A (269), S29>K (300) (265-373), CH3 E12 (389), E13>Q (390), M14 (391), S20>K (397), M107>L (461), N114>S (467) (374-478), CHS (479-480)]]; dímero (234-260":237-263")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa inmunomodulador, antineoplásico

2329669-80-7

1. Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-ICOS)	
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCASGYTFT GYMHVVRQA PGQGLEWMGW	50
INPHSGGTNY AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSRRLSDD TAVYVCARTY	100
YYDSGGYHD AFDIWGQQT VVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL	150
GCLVKDYFPE PVTVSNWSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS	200
LGTQTYICNV NHKPSDTKVD KKVEPKSCDK THTCPCPAP PVAGPSVFLF	250
PFKEKDTLMI SRTPEVTCVV VDVKHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE	300
EEYNSTYRVV SVLTVLHQWD LNKGEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP	350
REFQVITLFP SREEMTKNQV SLTCDVSGFY PSDIAVEWES DGQPENNYKT	400
TFPVLDSGGS FFLYSKLTVD KSRWEQGDVF SCSVLHEALH SHYTQKSLSL	450
SPGK	454
2. Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-ICOS)	
DIQMTQSPFS VSASVGDRTV ITCRASQGIS RLLAWYQQKP GKAPKLLIYV	50
ASSLQSGVPS RFGSGSGSDT FTLTISSLQP EDFATYYCQQ ANSFPWTFGQ	100
GTRKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV	150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG	200
LSSPVTKSFN RGEK	214
3. Chain / Chaîne / Cadena IG scFv-h-CH2-CH3 (anti-PDCD1)	
EIVLTQSPAT LSASPGERVV LTCRASQSVG NDVAWYQQKP GQAPRLLINY	50
ASHRYTGVPD RFTGSGYGTE FTLTISSVQS EDFGVYYCQQ DFSSPRTFGG	100
GTRKVEIKGKP GSGKPGSGKP GSGKPGSEVQ LVESGGGLVK PGSSRLRLSCV	150
ASGFTFSNYW MNWVRQAPGK GLEWVAEIRL YSNNYATHYA ESVKGRFTIS	200
RDDSKSTLYL QMNNLKTEDT GVYYCTRYYG NYGGYFDVWG RGTLVTVSSE	250
PKSSDKTHTC PPCAPPVAG PSVFLPPPKP KDTLMISRTV EVTCVVVDVK	300
HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN STYRVVSVLT VLHQDWLNGK	350
EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSREQ MTKNQVKLTC	400
LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTFPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW	450
QQGNVFSCSV LHEALHSHYT QKSLSLSPGK	480
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 268-328 374-432	
Intra-L (C23-C104) 23'-88" 134'-194'	
Intra-chain 3 23"-88" 149"-225" 294"-354" 400"-458"	
Inter-H-L (h 5-CL 126) 228-214'	
Inter-H-chain 3 (h 11, h 14) 234-260" 237-263"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H CH2 N84.4:	
304, 330"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.	

laduvigliusibum
laduvigliusib

6-[(2-[[4-(2,4-dichlorophenyl)-5-(4-methyl-1*H*-imidazol-2-yl)pyrimidin-2-yl]amino]ethyl)amino]pyridine-3-carbonitrile
glycogen synthase kinase inhibitor

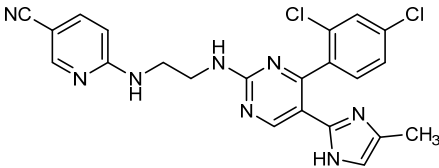
laduvigliusib

6-[(2-[[4-(2,4-dichlorophényl)-5-(4-méthyl-1*H*-imidazol-2-yl)pyrimidin-2-yl]amino]éthyl)amino]pyridine-3-carbonitrile
inhibiteur de la kinase glycogène synthase

laduvigliusib

6-[(2-[[4-(2,4-diclorofenil)-5-(4-metil-1*H*-imidazol-2-il)pirimidin-2-il]amino]etil)amino]piridina-3-carbonitrilo
inhibidor de la kinasa glícógeno sintasa

C₂₂H₁₈Cl₂N₈ 252917-06-9



lazucirnonum

lazucirnon

(4^{2R})-1⁴-chloro-*N,N*,1³,7⁶-tetraméthyl-4⁵,5-dioxo-6-aza-7(2)-pyridina-3(1,4)-pipéridina-4(1,2)-pyrrolidina-1(1)-benzenaheptaphane-7⁴-carboxamide
chemokine receptor 3 (CCR3) antagonist

lazucirnon

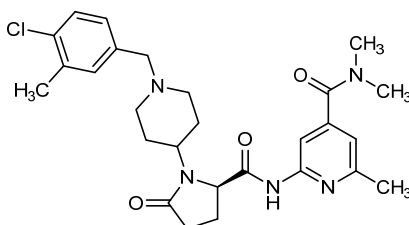
(4^{2R})-1⁴-chloro-*N,N*,1³,7⁶-tétraméthyl-4⁵,5-dioxo-6-aza-7(2)-pyridina-3(1,4)-pipéridina-4(1,2)-pyrrolidina-1(1)-benzénaheptaphane-7⁴-carboxamide
antagoniste du récepteur 3 de la chimiokine (CCR3)

lazucirnon

(4^{2R})-1⁴-cloro-*N,N*,1³,7⁶-tetrametil-4⁵,5-dioxo-6-aza-7(2)-piridina-3(1,4)-pipéridina-4(1,2)-pirrolidina-1(1)-bencenaheptafano-7⁴-carboxamida
antagonista del receptor de quimiocina 3 (CCR3)

C₂₇H₃₄ClN₅O₃

1251528-23-0

**lerodalcibepum #**

lerodalcibep

engineered binding protein (1-96) anti-(human proprotein convertase subtilisin/kexin type 9), derived from human tenth fibronectin type III domain, fused via peptidyl linker (⁹⁷GSGSGS¹⁰²) to human serum albumin (103-687), variant (C³⁴>A¹³⁶), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells;

human fibronectin tenth type III domain variant anti-[human PCSK9 (pro-protein convertase subtilisin/kexin type 9, neural apoptosis-regulated convertase 1, NARC-1, proprotein convertase 9, PC9)] (1-96) fused via a (GS)₃ peptide linker (97-102) with [Cys³⁴>Ala (136)]-human serum albumin (HSA) (103-687), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, non-glycosylated
antihyperlipidaemic

lérodalcibep

protéine de liaison mise au point (1-96) anti-(proprotéine convertase subtilisine/kexine type 9), dérivée du dixième domaine de la fibronectine humaine de type III, fusionnée via un peptide de liaison (⁹⁷GSGSGS¹⁰²) à l'albumine sérique humaine (103-687), variant (C³⁴>A¹³⁶), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO); peptide variant du dixième domaine de la fibronectine humaine de type III anti-[PCSK9 humain (proprotéine convertase subtilisine/kexine type 9, convertase 1 régulée par l'apoptose neuronale, NARC-1, proprotéine convertase 9, PC9)] (1-96) fusionné via un peptide (GS)₃ (97-102) à la [Cys³⁴>Ala (136)]-albumine sérique humaine (ASH) (103-687), produit dans des cellules ovariennes de hamsters chinois (CHO), non-glycosylé
antihyperlipidémiant

lerodalcibep

proteína de unión diseñada (1-96) anti-(proteína convertasa humana subtilisina/kexina tipo 9), derivada del décimo dominio de la fibronectina humana del tipo III, fusionada a través de un conector peptidil (⁹⁷GSGSGS¹⁰²) a la albúmina sérica humana (103-687), variante (C³⁴→A¹³⁶), producido en células ováricas de hámster Chino (CHO); variante del décimo dominio de la fibronectina humana del tipo III anti-[PCSK9 humano (proteína convertasa subtilisina/kexina tipo 9, convertasa 1 regulada por la apoptosis neuronal, NARC-1, proproteína convertasa 9, PC9)] fusionada mediante un péptido (GS)₃ (97-102) a la [Cis³⁴→Ala (136)]-albúmina sérica humana (ASH) (103-687), producido en células ováricas de hámster Chino (CHO), no glicosilado
antihiperlipémico

2250073-78-8

Sequence / Séquence / Secuencia		
VSDVPRDLEV	VAATPTSLLI	SWDAPAEQYG
YYRITYGETG	GNSPVQEFV	50
PVSKGTATIS	GLKPGVDYTI	TVYAVEFDFF
GAGYVHRPIS	INRYTE	GSGS
100		
GSDAHKSEVA	HRFKDLGEEN	FKALVLIAFA
QYLQQA	PFED	HVKLVNEVTE
150		
FAKTCVADES	AENCDKSLHT	LFGDKLCTVA
TLRETYGEMA	DCCAKQEPER	200
NECFLQHKDD	NPNLPRLVRP	EVDVMCTAFH
DNEETFLKKY	LYEIAARRHPY	250
FYAPELLFFA	KRYKAAFTEC	CQAADKAACL
LPKLDELDRDE	GKASSAKQRL	300
KCASLQKFGE	RAFKAWAVAR	LSQRFPKAEF
AEVSKLVTDL	TKVHTECHHG	350
DLLECADDRA	DLAKYICENQ	DSISSKLKEC
CEKPLEKSH	CIAEVENDEM	400
PADLPSLAAD	FVESKDVCNK	YAEAKDVFLG
MFLYEYARRH	PDYSVVLILLR	450
LAKTYETTL	KCCAAADPHE	CYAKVFDEFK
PLVEEPQNL	KQNCLEFEQL	500
GEYKFQNALL	VRVTKVPQV	STPTLVEVSR
NLGVGSKCC	KHPEAKRMPC	550
AEDYLSVVLN	QLCVLHEKTP	VSDRVTKCCT
ESLVNRRPCF	SALEVDETYV	600
PKEFNAETFT	FHADICTLSE	KERQIKKQTA
LVELVKHKPK	ATKEQLKAVM	650
DDFAAFVEKC	CKADDKETCF	AEEGKKLVAA
SQAALGL		687

Mutation / Mutation / Mutación
C¹³⁶→A

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
155-164, 177-192, 193-203, 226-270, 271-279, 302-347, 348-355, 367-380, 381-391, 418-462, 463-471, 494-539, 540-550, 563-578, 579-589, 616-660, 661-669

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
none / aucune / ninguna

letaplimabum #
letaplimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (integrin associated protein, IAP, MER6, OA3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-441) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-59*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104) (1-115)-*Homo sapiens*IGHG4*01, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (116-213), hinge 1-12 S10>P (223) (214-225), CH2 F1.3>A (229), L1.2>A (230) (226-335), CH3 (336-440), CHS K>del (441) (116-441)], (129-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (221-221":224-224")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

létaplimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (protéine associée à l'intégrine, IAP, MER6, OA3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens*(1-441) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (100%) -IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (116-213), charnière 1-12 S10>P (223) (214-225), CH2 F1.3>A (229), L1.2>A (230) (226-335), CH3 (336-440), CHS K>del (441) (116-441)], (129-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens*(1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (221-221":224-224")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa *immunomodulateur, antinéoplasique*

letaplímab

immunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD47 (proteína asociada a la integrina, IAP, MER6, OA3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma4 *Homo sapiens*(1-441) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (100%) -IGHD) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG4*01, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (116-213), bisagra 1-12 S10>P (223) (214-225), CH2 F1.3>A (229), L1.2>A (230) (226-335), CH3 (336-440), CHS K>del (441) (116-441)], (129-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens*(1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (221-221":224-224")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2283356-07-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
 QVQLQESGPG LVKPSSETLSL TCTVSGGSIS SYVSWIRQP PGKLEWIGY 50
 IYYSGSTNYN PSLKSRVTIS VDTSKNQFSL KLSVTAADT AVYYCARGKT 100
 GSAAWGGTTL VTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL GCLVKDYFPE 150
 PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVTVTPSSS LGTKTYTCNV 200
 DHKPSNTKVD KRVESKYGPP CPPCPAPEAA GGPSVFLFPP KPKDTLMISR 250
 TPEVTCVVVD VSQEDPEVQF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ FNTYRVVSV 300
 LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KGLPSSIEKT ISKAKGQPRE PQVYTLPPSQ 350
 EEMTKNQVSL TCLVKGFPYS DIAVEWESNG QPENNYKTFP PVLDSGGSFF 400
 LYSRLTVDKS RWQEGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSL G 441

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
 DIQMTQSPSS VSASVGRVIT ITCRASQGIS RFLAWYQQKP GKAPKLLIYA 50
 ASSLSQGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQ EDFATYYCQQ TVSFPIITFG 100
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGE C 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 142-198 256-316 362-420
 22"-95" 142"-198" 256"-316" 362"-420"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 129-214' 129"-214"

Inter-H-H (h 8, h 11) 221-221" 224-224"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

L VH Q1:
 I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

292, 292"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires

complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

lirametostatum

lirametostat

N-[(4-methoxy-6-methyl-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl)methyl]-2-methyl-1-[(1*R*)-1-[1-(2,2,2-trifluoroethyl)piperidin-4-yl]ethyl]-1*H*-indole-3-carboxamide
antineoplastic

liramétostat

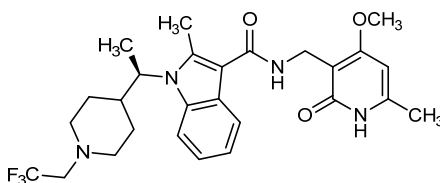
N-[(4-méthoxy-6-méthyl-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl)méthyl]-2-méthyl-1-[(1*R*)-1-[1-(2,2,2-trifluoroéthyl)pipéridin-4-yl]éthyl]-1*H*-indole-3-carboxamide
antinéoplasique

lirametostat

2-metil-*N*-[(6-metil-4-metoxi-2-oxo-1,2-dihidropiridin-3-il)metil]-1-[(1*R*)-1-[1-(2,2,2-trifluoroetil)piperidin-4-il]etil]-1*H*-indol-3-carboxamida
antineoplásico

C₂₇H₃₃F₃N₄O₃

1621862-70-1

**ludateronum**

ludaterone

6-chloro-15β,17-dihydroxy-2-oxapregna-4,6-diene-3,20-dione
antiandrogen

ludatérone

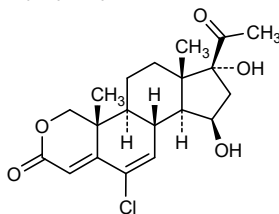
6-chloro-15β,17-dihydroxy-2-oxaprégna-4,6-diène-3,20-dione
antiandrogène

ludaterona

6-cloro-15β,17-dihidroxi-2-oxapregna-4,6-dieno-3,20-diona
antiandrógeno

C₂₀H₂₅ClO₅

124548-08-9

**lutetium (¹⁷⁷Lu) vipivotidum tetraxetanum**lutetium (¹⁷⁷Lu) vipivotide tetraxetan

{*N*-[(*N*⁶-{3-(naphthalen-2-yl)-*N*-[*trans*-4-((2-[4,7,10-tris(carboxy-κ³O⁴,O⁷,O¹⁰-methyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl-κ⁴N¹,N⁴,N⁷,N¹⁰]acetamido-κO)methyl)cyclohexane-1-carbonyl]-L-alanyl]-L-lysine-*N*²-yl)carbonyl]-L-glutamato(3-)](¹⁷⁷Lu)lutetium
antineoplastic

Proposed INN: List 123

WHO Drug Information, Vol. 34, No. 2, 2020

lutécium (^{177}Lu) vipivotide tétraxetan

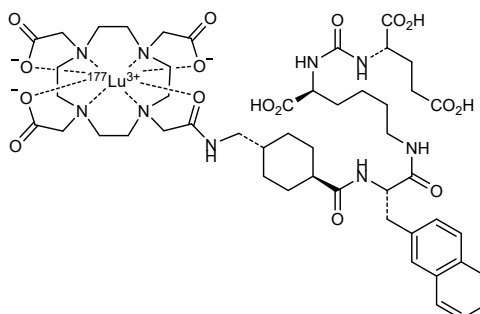
{N-[(N⁶-{3-(naphtalén-2-yl)-N-[trans-4-({2-[4,7,10-tris(carboxy-κ³O⁴, O⁷, O¹⁰-méthyl)-1,4,7,10-tétrazacyclododécane-1-yl-κ⁴N¹, N⁴, N⁷, N¹⁰]acétamido-κO}méthyl)cyclohexane-1-carbonyl]-L-alanyl]-L-lysine-N²-yl)carbonyl]-L-glutamato(3-)](^{177}Lu)lutécium
antineoplasique

lutecio (^{177}Lu) vipivotida tetraxetán

{N-[(N⁶-{3-(naftalen-2-il)-N-[trans-4-({2-[4,7,10-tris(carboxi-κ³O⁴, O⁷, O¹⁰-metil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-1-il-κ⁴N¹, N⁴, N⁷, N¹⁰]acetamido-κO}metil)ciclohexano-1-carbonil]-L-alanil]-L-lisin-N²-il)carbonil]-L-glutamato(3-)](^{177}Lu)lutecio
antineoplásico

$\text{C}_{49}\text{H}_{68}^{177}\text{LuN}_9\text{O}_{16}$

1703749-62-5



melrilimabum #

melrilimab

immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RL1 (interleukin 1 receptor like 1, DER4, FIT-1, growth stimulation expressed 2 gene, ST2, IL33R)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma2 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01(92.9%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Homo sapiens*IGHG2*02v G2m23>G2m..., G2v3 CH2 A1.2, A1, S2, A30, L92, S115, S116 (CH1 T92 (195) (124-221), hinge 1-12 (222-233), CH2 V1.2>A (237), G1>A (239), P2>S (240), H30>A (270), M45.1>V (284), V92>L (311), A115>S (332), P116>S (333) (234-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (124-449)], (137-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3D-11*02 (95.6%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (225-225":226-226":229-229":232-232")-tetrakisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cell line lacking the glutamine synthetase (GS) gene, glycoform alfa
immunomodulator

melrilimab

immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RL1 (récepteur like 1 de l'interleukine 1, DER4, FIT1, gène 2 exprimé lors de la stimulation de la croissance, ST2, IL33R)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma2 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (91.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG2*02v G2m23>G2m..., G2v3 CH2 A1.2, A1, S2, A30, L92, S115, S116 (CH1 T92 (195) (124-221), charnière 1-12 (222-233), CH2 V1.2>A (237), G1>A (239), P2>S (240), H30>A (270), M45.1>V (284), V92>L (311), A115>S (332), P116>S (333) (234-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (124-449)], (137-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (95.6%) - IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (225-225":226-226":229-229":232-232")-tétrakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase, glycoforme alfa
immunomodulateur

melrilimab

inmunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL1RL1 (receptor like 1 de la interleukina 1, DER4, FIT1, gen 2 expresado durante la estimulación del crecimiento, ST2, IL33R)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma2 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (91.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG2*02v G2m23>G2m..., G2v3 CH2 A1.2, A1, S2, A30, L92, S115, S116 (CH1 T92 (195) (124-221), bisagra 1-12 (222-233), CH2 V1.2>A (237), G1>A (239), P2>S (240), H30>A (270), M45.1>V (284), V92>L (311), A115>S (332), P116>S (333) (234-342), CH3 (343-447), CHS (448-449)) (124-449)], (137-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (95.6%) - IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (225-225":226-226":229-229":232-232")-tetraakisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámsters chinos (CHO) línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS), forma glicosilada alfa
immunomodulador

2222865-46-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS IYDMIWVRQA PGKGLEWVSS 50
IRGEGGGTYY ADSVKGRFTI SRDNRKNTLY LQMNSLRAD TAVYYCARDP 100
WSTGSGFFVL DWQGGTLYI VSSASTKGPS VFPLAPCSRS TSESTALGC 150
LVKDYPPPEPV TVSMNSGALT SGVHTFAVL DSSGLYSLGS VVTVTSSNFG 200
TQTYTCNVDH KPSNTKYDKT VERKCCVECP PCPAPPAAS SVFLFPPEPK 250
DTLMISRTEP VTCVVVDVSA EDPEVFQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQFNS 300
TFRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTIK TKGPQPREPQV 350
YTLPPSREEM TRNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPML 400
DSDGSGFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSYD DDLAWYQKQP GQAPRLLIYD 50
ASNRAITGIPA RFGSGSGSDT FLITLISSELP EDFAVYYCQQ YITAPLTFGQ 100
GTKVETKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNEY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTQDSKD STYLSLSLT LSKADYEKKH VIACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22°-96° 150°-206° 263°-323° 369°-427°
22°-96° 150°-206° 263°-323° 369°-427°
Intra-L (C23-C104) 23°-88° 134°-194°
23°-88° 134°-194°
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)* 137°-214° 137°-214°
Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h 11)* 225°-225° 226°-226° 229°-229° 232°-232°

*In addition to the isoform A, isoform A/B characterized by an inter-H-H (h 4 - CH1 10) 225°-137° and an inter-H-L (h 4 - CL 126) 225°-214°, instead of the inter-H-H (h 4 - h 4) 225°-225° and of one of the two inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137°-214°;
isoform B characterized by an inter-H-H (h 5 - CH1 10) 226°-137° and an inter-H-L (h 5 - CL 126) 226°-214°, instead of the inter-H-H (h 5 - h 5) 226°-226° and of the inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137°-214°.
* En plus de l'isoforme A, isoforme A/B caractérisée par un inter-H-H (h 4 - CH1 10) 225°-137° et un inter-H-L (h 4 - CL 126) 225°-214°, au lieu de l'inter-H-H (h 4 - h 4) 225°-225° et de l'un des deux inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137°-214°;
isoforme B caractérisée par un inter-H-H (h 5 - CH1 10) 226°-137° et un inter-H-L (h 5 - CL 126) 226°-214°, au lieu de l'inter-H-H (h 5 - h 5) 226°-226° et de l'inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137°-214°.
* Además de la isoforma A, isoforma A/B caracterizado por un inter-H-H (h 4 - CH1 10) 225°-137° y un inter-H-L (h 4 - CL 126) 225°-214°, en lugar del inter-H-H (h 4 - h 4) 225°-225° y uno de los dos inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137°-214°;
isoforma B caracterizado por un inter-H-H (h 5 - CH1 10) 226°-137° y un inter-H-L (h 5 - CL 126) 226°-214°, en lugar del inter-H-H (h 5 - h 5) 226°-226° y del inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137°-214°.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4;
299, 299°
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2;
449, 449°

milvexianum
milvexian

(5*R*,9*S*)-9-{4-[5-chloro-2-(4-chloro-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl)phenyl]-6-oxypyrimidin-1(6*H*)-yl}-2²-(difluoromethyl)-5-methyl-2²*H*-3-aza-1(4,2)-pyridina-2(3,4)-pyrazolacyclononaphan-4-one
blood coagulation factor XIa inhibitor

milvexian

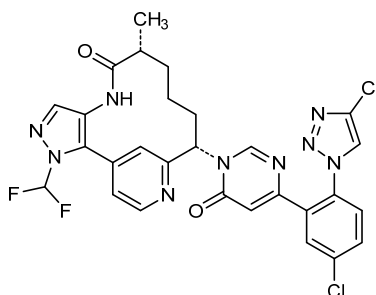
(5*R*,9*S*)-9-{4-[5-chloro-2-(4-chloro-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl)phényl]-6-oxypyrimidin-1(6*H*)-yl}-2²-(difluorométhyl)-5-méthyl-2²*H*-3-aza-1(4,2)-pyridina-2(3,4)-pyrazolacyclononaphan-4-one
inhibiteur du facteur XIa de coagulation sanguine

milvexián

(5*R*,9*S*)-9-{4-[5-cloro-2-(4-cloro-1*H*-1,2,3-triazol-1-il)fenil]-6-oxopirimidin-1(6*H*)-il}-2²-(difluorometil)-5-metil-2²*H*-3-aza-1(4,2)-piridina-2(3,4)-pirazolaciclónonafan-4-ona
inhibidor del factor XIa de coagulación sanguínea

$C_{28}H_{23}Cl_2F_2N_9O_2$

1802425-99-5



mipasetamabum #
mipasetamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (AXL receptor tyrosine kinase, tyrosine-protein kinase receptor UFO)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH humanized (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (92.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R>K 120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS K>del (451)) (123-451)], (225-215')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA humanized (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (84.4%) -IGKJ4*01 (90.9%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *immunomodulator, antineoplastic*

mipasétamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (récepteur tyrosine kinase AXL, récepteur tyrosine-protéine kinase UFO)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (92.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R>K 120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS K>del (451)) (123-451)], (225-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (84.4%) -IGKJ4*01 (90.9%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa *immunomodulateur, antinéoplasique*

mipasetamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (receptor tirosina quinasa AXL, receptor tirosina-proteína quinasa UFO)], anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [VH humanizado (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (92.9%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R>K 120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS K>del (451)) (123-451)], (225-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (84.4%) -IGKJ4*01 (90.9%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];
 dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2361055-48-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGFTFS SYGMSWVRQA PGKGLEWVAT 50
ISSGGSYTYI PDSYKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARHP 100
IYYTDDTMD YWGQGTITVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GREYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCVLGFPYPS DIAVEWESNG QPENNYKTPP 400
PVLDSGDSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNNH YTQKSLSLSP 450
G 451

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCSASSSVS SGNFHWYQK PGLAPRLLIY 50
RTSNLASGIP ARFSGSGSGT DFTLTISSE PEDFAVYVQ QWSGYPWTFG 100
GGTKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYISLSSTL TLSKADYEKH KVAACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135"-195"

23"-89" 135"-195"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 225'-215' 225"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamy (pE, 5-oxoprollyl)

H VH Q1:

1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4 [glycoengineered GalNAcN3 (N-azidoacetyl-D-galactosamine)]:

302, 302"-bis[N-{O-2-(acetyl amino)-6-azido-2,6-dideoxy- β-D-galactopyranosyl-(1->4)-

O-[6-deoxy-α-L-galactopyranosyl-(1->6)]-2-(acetyl amino)-2-deoxy- β-D-glucopyranosyl]-

L-asparagine]

mipasetamabum uzoptirinum #
 mipasetamab uzoptirine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (AXL receptor tyrosine kinase, tyrosine-protein kinase receptor UFO)], humanized monoclonal antibody conjugated to the pyrrolbenzodiazepine (PBD) dimer, SG3199;

- gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH humanized (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) - *Homo sapiens* IGHG1*03 nG1m1 (CH1 R120>K (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS K>del (451)) (123-451)], (225-215')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (84.4%) -IGKJ4*01 (90.9%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; conjugated on the two glycoengineered N84.4, via a spacer and a cleavable valine-alanine linker, to the cytotoxic pyrrolobenzodiazepine (PBD) dimer, SG3199
antineoplastic
- mipasétamab uzoptirine immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (récepteur tyrosine kinase AXL, récepteur tyrosine-protéine kinase UFO)], anticorps monoclonal humanisé conjugué au dimère de pyrrolobenzodiazépine (PDB), SG3199; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 nG1m1 (CH1 R120>K (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS K>del (451)) (123-451)], (225-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (84.4%) -IGKJ4*01 (90.9%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; conjugué sur les deux N84.4 glycomodifiés, via un espaceur et un linker clivable valine-alanine, au dimère pyrrolobenzodiazépine (PBD) cytotoxique, SG3199
antineoplasique
- mipasetamab uzoptirina inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* AXL (receptor tirosina kinasa AXL, receptor tirosina-proteína kinasa UFO)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con el dímero de pirrolobenzodiazepina (PDB), SG3199; cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*03 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%)) CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 nG1m1 (CH1 R120>K (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS K>del (451)) (123-451)], (225-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (84.4%) -IGKJ4*01 (90.9%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa; conjugado sobre los dos N84.4 glicomodificados, mediante un espaciador y un conector escindible valina-alanina, al dímero pirrolobenzodiazepina (PBD) citotóxico, SG3199
antineoplásico

2304799-73-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVESGGG VVQPGRLRL SCAASGFTFS SYGMSWVRQA PGKGLEWVAT 50
 ISSGGSTYY PDSVKGRTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARHP 100
 IYYTYDDTMD YWQGTITVTY SSASTKGPSV FLAPSSKST SGTAAALGCL 150
 VKDYFPEPVT VSWNSGALT S GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTFPSSSLGT 200
 QTYICNVNKH PSNTKVDDKV EPKSCDKTHT CPCCPAPELL GGPSVFLEFP 250
 KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
 YNSTRYVSV LTVLHQDWLNL GKEYCKKVS N KALPAPIETK ISKAKGQPRE 350
 PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTPP 400
 PVLDSGGSPF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450
 G 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCASSSVS SGNFHWVQK PGLAPRLIY 50
 RTSNLASGIP ARFSGSGSGT DFTLTISSE PEDFAVYCY QWSGYPTFG 100
 GGTKLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
 VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSLSTL TSKADYEKH KVVACEVTHQ 200
 GLSSPVTKSF NRGECC 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
 22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 23"-89" 135"-195"
 23"-89" 135"-195"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 225"-215" 225"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14) 231"-231" 234"-234"

N-terminal glutamyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

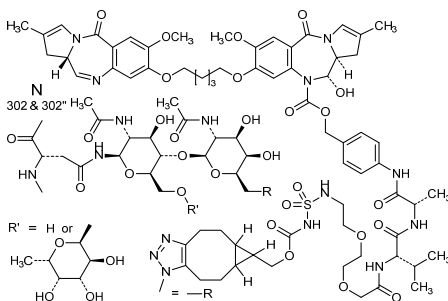
H V H Q I:

I, I"

Chemically modified N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation chimiquement modifiés / Posiciones de N-glicosilación modificadas químicamente

H CH2 N84.4:

302, 302"

**modoflanerum**

modoflaner

6-fluoro-*N*-(2-fluoro-3-[[4-(heptafluoropropan-2-yl)-2-iodo-6-(trifluoromethyl)phenyl]carbamoyl]phenyl)pyridine-3-carboxamide
antiparasitic (veterinary use)

modoflaner

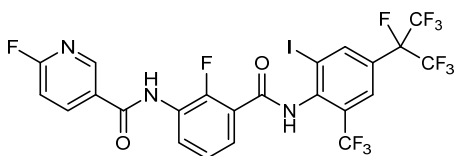
6-fluoro-*N*-(2-fluoro-3-[[4-(heptafluoropropan-2-yl)-2-iodo-6-(trifluorométhyl)phényl]carbamoyl]phényl)pyridine-3-carboxamide
antiparasitaire (usage vétérinaire)

modoflaner

6-fluoro-*N*-(2-fluoro-3-[[4-(heptafluoropropan-2-il)-2-iodo-6-(trifluorometil)fenil]carbamoil]fenil)pidina-3-carboxamida
antiparasitario (uso veterinario)

$C_{23}H_{10}F_{12}IN_3O_2$

1331922-53-2

**mosliciguatum**

mosliciguat

(9⁵S)-8-[2-(4-carboxyphenyl)ethyl]-2³-chloro-1⁴-(trifluorométhyl)-9^{5,6,7,8}-tétrahydro-4-oxa-8-aza-9(5)-quinoléina-1(1),2(1,4),5(1,2)-tribenzénanonaphane-9²-carboxylic acid
guanylate cyclase activator

mosliciguat

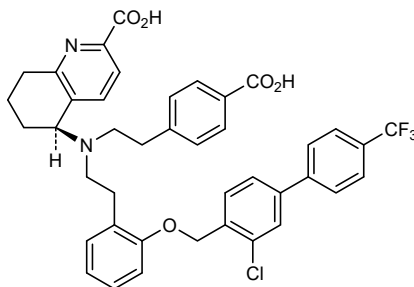
acide (9⁵S)-8-[2-(4-carboxyphényl)éthyl]-2³-chloro-1⁴-(trifluorométhyl)-9^{5,6,7,8}-tétrahydro-4-oxa-8-aza-9(5)-quinoléina-1(1),2(1,4),5(1,2)-tribenzénanonaphane-9²-carboxylique
activateur de la guanylate cyclase

mosliciguat

ácido (9⁵S)-8-[2-(4-carboxifenil)etil]-2³-cloro-1⁴-(trifluorometil)-9^{5,6,7,8}-tetrahidro-4-oxa-8-aza-9(5)-quinoleína-1(1),2(1,4),5(1,2)-tribencenanonafano-9²-carboxílico
activador de la guanilato ciclasa

 $C_{41}H_{36}ClF_3N_2O_5$

2231749-54-3

**naporafenibum**

naporafenib

N-[3-[2-(2-hydroxyethoxy)-6-(morpholin-4-yl)pyridin-4-yl]-4-methylphenyl]-2-(trifluorométhyl)pyridine-4-carboxamide
antineoplastic

naporafénib

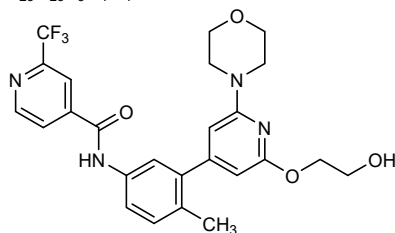
N-[3-[2-(2-hydroxyéthoxy)-6-(morpholin-4-yl)pyridin-4-yl]-4-méthylphényl]-2-(trifluorométhyl)pyridine-4-carboxamide
antinéoplasique

naporafenib

N-[3-[2-(2-hidroxietoxi)-6-(morfolin-4-il)piridin-4-il]-4-metilfenil]-2-(trifluorometil)piridina-4-carboxamida
antineoplásico

C₂₅H₂₅F₃N₄O₄

1800398-38-2

**nedosiranum**

nedosiran

*all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thioadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanlylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyladenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy] pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl]guanylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl]adenylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl]adenylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}ethoxy)ethoxy]methyl]adenylyl-(3'→5')-2'-O-methylguanylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-methyluridylyl-(3'→5')-2'-O-methylcytidine duplex with *all-P-ambo-2'-O-methyl-P-thioguanlylyl-(5'→3')-2'-O-methyl-P-thioguanlylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methylguanylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-O-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanlylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-methyl hydrogen 2'-O-methyl-5'-oxa-O-5'-carba-α-L-lyxo-5'-uridylyl*ate
*glycolate oxidase synthesis inhibitor**

nédosiran

tout-P-ambo-2'-O-méthyl-P-thioadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-désoxy-2'-fluoroguanlylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}

éthoxy]éthoxy]méthyl]guanylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]méthyl]adénylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]méthyl]adénylyl-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}éthoxy)éthoxy]méthyl]adénylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidyl-(3'→5')-2'-O-méthyluridyl-(3'→5')-2'-O-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-O-méthylcytidine duplex avec acide *all-P-ambo*-2'-O-méthyl-*P*-thioguanilyl-(5'→3')-2'-O-méthyl-*P*-thioguanilyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-O-méthylcytidyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-O-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-O-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-O-méthyluridyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanilyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidyl-(5'→3')-hydrogène-2'-O-méthyl-5'-oxa-O-5'-carba-α-L-lyxo-5'-uridylylate de méthyle
inhibiteur de la synthèse de la glycolate oxydase

nedosirán

todo-P-ambo-2'-O-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoro-citidilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiladenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxy]pentanamido}etoxi)etoxi]metil]guanilil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxy]pentanamido}etoxi)etoxi]metil]adenilil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxy]pentanamido}etoxi)etoxi]metil]adenilil-(3'→5')-2'-O-[[2-(2-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxy]pentanamido}etoxi)etoxi]metil]adenilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidilil-(3'→5')-2'-O-metiluridilil-(3'→5')-2'-O-metilguanilil-(3'→5')-2'-O-metilcitidina duplex con *todo-P-ambo*-2'-O-metil-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-O-metil-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-O-metiluridilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-O-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-O-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-O-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiocitidilil-(5'→3')-hidrógeno-2'-O-metil-5'-oxa-O-5'-carba-α-L-lixo-5'-uridilato de metilo
inhibidor de la síntesis de la glicolato oxidasa

$$\text{C}_{662}\text{H}_{865}\text{F}_{19}\text{N}_{231}\text{O}_{413}\text{P}_{57}\text{S}_6$$

péptido 75-133 de la interleukina 2 humana (IL-2) mutante [Cis¹²⁵⁽⁵¹⁾>Ser] (1-59), fusionado a través de un péptido G₂ (60-61) al péptido 4-74 de la interleukina 2 humana (IL-2) (62-132) y a través de un péptido GSG₃S (133-138) al péptido 1-165 de la cadena α del receptor de interleukina 2 humano (subunidad alfa de IL2R, IL2Rα, IL2RA) (139-303), producido en células ováricas de hámster Chino (CHO), glicosilada alfa *derivado de la interleukina*

2315268-27-8

Sequence / Séquence / Secuencia		
SKNFHLRPRD	LISNINIVIL	ELKGSETTFM
CEVADETATI	VEFLNRWITF	50
S QSIISTLT G	G SSSTKKT Q L	Q LEHLLLD L Q
MILNGINNYK	NPKLTRMLTF	100
KFYMPKKATE	LKHLQCLEEE	LKPLEEVNL
AQSGGGGSEL	CDDPPPEIPH	150
ATFKAMAYKE	GTMLNCECKR	GFRRIKSGSL
YMLCTGNSSH	SSWDNQCCQT	200
SSATRNTTKQ	VTPQPEEQKE	RKTTEMQSPM
QPVDQASLPG	HCREPPPPWEN	250
EATERIYHFV	VGQMVYYQCV	QGYSALHGRG
AESVCKMTHG	KTRWTQPQLI	300
CTG		303
Mutation / Mutation / Mutación		
C ⁵¹ > S		
Post-translational modifications		
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro		
31-116, 141-285, 184-242, 269-301, 166-197 or 166-199, 168-199 or 168-197		
Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación		
N187, N206, T212		

obecabtagenum autoleucelum #
obecabtagene autoleucel

Autologous CD4+ and CD8+ T cells transduced *ex vivo* with a self-inactivating lentiviral vector encoding an anti-CD19 chimeric antigen receptor. Autologous CD4+ and CD8+ T cells, enriched from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) obtained by apheresis transduced *ex vivo* with a non-replicating, self-inactivating (SIN) lentiviral vector, encoding a chimeric antigen receptor (CAR) consisting of an anti-CD19 specific scFv, a CD8α stalk, transmembrane domain and anchor, a 41BB endodomain and a CD3 zeta endodomain, under the control of a human PGK1 promoter and a modified Woodchuck post transcriptional response element. The vector genome also contains a 5' terminal CMV enhancer/promoter, a Ψ packaging signal, a Rev response element (RRE) and a central polypurine tract (cPPT). *cell-based gene therapy (antineoplastic)*

obécabtagène autoleucel

Cellules T CD4+ et CD8+ autologues transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral auto-inactivable codant pour un récepteur chimérique contre l'antigène CD19. Cellules T CD4+ et CD8+ autologues, enrichies de cellules mononuclées de sang périphérique (PBMC) et obtenues par aphérèse, transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral non réplicatif et auto-inactivable (SIN), codant pour un récepteur chimérique d'antigène (CAR) consistant en un scFv spécifique de CD19, un fragment extracellulaire, un domaine transmembranaire et la partie d'ancrage de CD8α, un

endo-domaine de 41BB et un endo-domaine de CD3 zêta, sous le contrôle d'un promoteur PGK1 humain et d'un élément de réponse post-transcriptionnel Woodchuck modifié. Le génome du vecteur contient également un promoteur/amplificateur CMV placé en position terminale 5', un signal d'empaquetage Ψ , un élément de réponse Rev (RRE) et un segment central de polypurine (cPPT).

thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

obecabtagén autoleucel

Células T CD4+ y CD8+ autólogas transducidas *ex vivo* con un vector lentiviral auto-inactivante que codifica para un receptor de antígenos quimérico anti-CD19.

Células T CD4+ y CD8+ autólogas, enriquecidas a partir de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs) obtenidas por aféresis, transducidas *ex vivo* con un vector lentiviral no replicativo, auto-inactivante (SIN), que codifica para un receptor de antígenos quimérico (CAR) que consta de scFv específico anti-CD19, un tallo CD8 α , un dominio transmembranal y de anclaje, un endodominio 41BB y un endodominio CD3 zeta, bajo el control de un promotor PGK1 humano y un elemento de respuesta post transcripcional de marmota modificado. El genoma del vector también contiene un potenciador (enhancer)/promotor de CMV en 5', una señal de empaquetamiento Ψ , un elemento de respuesta Rev (RRE) y un tramo central de poli-purinas (cPPT).

terapia génica basada en células (antineoplásico)

obrindatamabum #

obrindatamab

immunoglobulin G1 scFv-h-CH2-CH3(scFv)_h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon)], monoclonal antibody, bispecific; IG scFv-h-CH2-CH3 single chain, anti-CD276 and anti-CD3E (1-504) [scFv-V-kappa-VH anti-CD276 and anti-CD3E (1-240) [V-KAPPA anti-CD276 (*Homo sapiens* IGKV1D-13*01 (85.1%) -IGHJ2*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1-107) -8-mer triglycyl-seryl-tetraglycyl linker (108-115) -VH anti-CD3E (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.9%) -(IGHD) -GHJ3*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.10.16] (141-148.166-175.214-229) (116-240)] -linker-E-coil (241-277) [6-mer diglycyl-cysteiny-triglycyl linker (241-246) -28-mer tetrakis(glutamyl-valyl-dialanyl-leucyl-glutamyl-lysyl) E-coil motif (247-274) -3-mer triglycyl linker (275-277)] -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v32 CH3 W22 (knob) (278-504) [hinge 6-15 (278-287), CH2 L1.3>A (291), L1.2>A (292) (288-397), CH3 E12 (413), M14 (415), T22>W (423) (398-502), CHS (503-504)]; (243-243')-disulfide with the IG scFv single chain, anti-CD3E and anti-CD276 (1'-274') [scFv V-lambda-VH anti-CD3E and anti-CD276 (1'-240') [V-LAMBDA anti-CD3 (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (77.9%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99) (1'-109') -9-mer tetraglycyl-seryl-tetraglycyl linker (110'-118') -VH anti-CD276 (*Homo sapiens* IGHV3-48*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [8.8.15] (144-151.169-176.215-229) (119'-240')] -6-mer diglycyl-cysteiny-triglycyl linker (241'-246') -28-mer tetrakis(lysyl-valyl-dialanyl-leucyl-lysyl-glutamyl) K-coil motif (247'-274')];

	(283-6":286-9")-bisdisulfide with the IG h-CH2-CH3 chain, IGHG1*03 nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, IGHG1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole) (1"-227") [hinge 6-15 (1"-10"), CH2 L1.3>A (14), L1.2>A (15) (11"-120"), CH3 E12 (136), M14 (138), T22>S (146), L24>A (148), Y86>V (187), H115>R (215) (121"-225"), CHS (226"-227")], produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa <i>antineoplastique</i>
obrindatamab	immunoglobuline G1 scFv-h-CH2-CH3(_scFv)_h-CH2-CH3, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)] et anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 epsilon)], anticorps monoclonal, bispécifique; IG scFv-h-CH2-CH3 chaîne unique, anti-CD276 and anti-CD3E (1-504) [scFv-V-kappa-VH anti-CD276 and anti-CD3E (1-240) [V-KAPPA anti-CD276 (<i>Homo sapiens</i> IGKV1D-13*01 (85.1%) -IGHJ2*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1-107) -8-mer triglycyl-séryl-tétraglycyl linker (108-115) -VH anti-CD3E (<i>Mus musculus</i> IGHV10-1*02 (89.9%) -(IGHD) -GHJ3*01 (93.3%)/ <i>Homo sapiens</i> IGHV3-72*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.10.16] (141-148.166-175.214-229) (116-240)] -linker-E-coil (241-277) [-6-mer diglycyl-cystéinyl-triglycyl linker (241-246) -28-mer tétrakis(glutamyl-valyl-dialanyl-leucyl-glutamyl-lysyl) E-coil motif (247-274) -3-mer triglycyl linker (275-277)] - <i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 h-CH2-CH3 nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v32 CH3 W22 (knob) (278-504) [charnière 6-15 (278-287), CH2 L1.3>A (291), L1.2>A (292) (288-397), CH3 E12 (413), M14 (415), T22>W (423) (398-502), CHS (503-504)]; (243-243')-disulfure avec la chaîne unique IG scFv, anti-CD3E and anti-CD276 (1'-274') [scFv V-lambda-VH anti-CD3E and anti-CD276 (1'-240') [V-LAMBDA anti-CD3 (<i>Mus musculus</i> IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/ <i>Homo sapiens</i> IGLV7-46*01 (77.9%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99) (1'-109') -9-mer tétraglycyl-séryl-tétraglycyl linker (110'-118') -VH anti-CD276 (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-48*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)) CDR-IMGT [8.8.15] (144-151.169-176.215-229) (119'-240') -6-mer diglycyl-cystéinyl-triglycyl linker (241'-246') -28-mer tétrakis(lysyl-valyl-dialanyl-leucyl-lysyl-glutamyl) K-coil motif (247'-274')]; (283-6":286-9")-bisdisulfure avec la chaîne IG h-CH2-CH3, IGHG1*03 nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, IGHG1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole) (1"-227") [charnière 6-15 (1"-10"), CH2 L1.3>A (14), L1.2>A (15) (11"-120"), CH3 E12 (136), M14 (138), T22>S (146), L24>A (148), Y86>V (187), H115>R (215) (121"-225"), CHS (226"-227")], produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa <i>antineoplasique</i>
obrindatamab	inmunoglobulina G1 scFv-h-CH2-CH3(_scFv)_h-CH2-CH3, anti-[<i>Homo sapiens</i> CD276 (B7H3, B7-H3, B7RP-2)] y anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 épsilon)], anticuerpo monoclonal, biespecífico;

IG scFv-h-CH2-CH3 cadena única, anti-CD276 y anti-CD3E (1-504) [scFv-V-kappa-VH anti-CD276 y anti-CD3E (1-240) [V-KAPPA anti-CD276 (*Homo sapiens* IGKV1D-13*01 (85.1%) -IGHJ2*02 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1-107) -8-mer triglicil-seril-tetraglicil linker (108-115) -VH anti-CD3E (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.9%) -IGHD) -GHJ3*01 (93.3%)]/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (87.0%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.10.16] (141-148.166-175.214-229) (116-240)] -linker-E-coil (241-277) [-6-mer diglicil-cisteinil-triglicil linker (241-246) -28-mer tetrakis(glutamyl-valil-dialanil-leucil-glutamyl-lisil) E-coli motif (247-274) -3-mer triglicil linker (275-277)] -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3 nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, G1v32 CH3 W22 (knob) (278-504) [bisagra 6-15 (278-287), CH2 L1.3>A (291), L1.2>A (292) (288-397), CH3 E12 (413), M14 (415), T22>W (423) (398-502), CHS (503-504)]; (243-243')-disulfuro con la cadena única IG scFv, anti-CD3E y anti-CD276 (1'-274') [scFv V-lambda-VH anti-CD3E y anti-CD276 (1'-240') [V-LAMBDA anti-CD3 (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)]/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (77.9%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (26-34.52-54.91-99) (1'-109') -9-mer tetraglicil-seril-tetraglicil linker (110'-118') -VH anti-CD276 (*Homo sapiens* IGHV3-48*02 (91.8%) -IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%)] CDR-IMGT [8.8.15] (144-151.169-176.215-229) (119'-240') -6-mer diglicil-cisteinil-triglicil linker (241'-246') -28-mer tetrakis(lisil-valil-dialanil-leucil-lisil-glutamyl) K-coli motif (247'-274')]; (283-6":286-9")-bisdisulfuro con la cadena IG h-CH2-CH3, IGHG1*03 nG1m1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2, IGHG1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole) (1"-227") [bisagra 6-15 (1"-10"), CH2 L1.3>A (14), L1.2>A (15) (11"-120"), CH3 E12 (136), M14 (138), T22>S (146), L24>A (148), Y86>V (187), H115>R (215) (121"-225"), CHS (226"-227")], producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa antineoplásico

2069959-72-2

1. Chain / Chaîne / Cadena: IG scFv h-CH2-CH3 (V-kappa anti-CD276, VH anti-CD3E)

DIQLTQSPSPF	LSASVGDRTV	ITCKASQNV	TNVAVYQQKP	GKAPKALIYS	50
ASYRYSVSPS	RFGSGSGSGT	FTLTISLQP	EDFATYYCQQ	YNNYPFTFGQ	100
GTKLEIKGGG	SGGGGVEVLV	ESGGGLVQPG	GSLRLSCAAS	GFTFSTYAMN	150
WVRQAPGKGL	EWVGIRISKY	NNYATYYADS	VKDRFTISR	DSKNSLYLQM	200
NSLKTEDTAV	YYCVRHNGFG	NSYVSWFAYW	GQGTTLTVSS	GGCGGGEVAA	250
LEKEVAALKE	EVAALKEKVA	ALEKGGGDKT	HTCPPCPAPE	AAGGGSVFLF	300
PPKPKDTLMI	SRTPEVTCVV	VDVSHEDPEV	KFNWYVDGVE	VHNAKTKPRE	350
EQYNSTYRVV	SVLTVLHQDW	LNGKEYKCKV	SNKALPAPIE	KTIISKAKGP	400
REPQVYTLPP	SREEMTKNQV	SLWCLYKGFY	PSDIAVEWES	NGQPENNYKT	450
TPPVLDSDGS	FFLYSKLTVD	KSRWQQGNV	SCSVMEALH	NHYTKSLSL	500
SPGK					504

2. Chain / Chaîne / Cadena: IG scFv (V-lambda anti-CD3E, VH anti-CD276)

QAVVTQEPSEL	TVSPGGTTLT	TCRSSTGAVT	TSNYANWVQQ	KPGQAPRGLI	50
GGTNKRAPWT	PARFSGSLLG	GKAALTTTGA	QAEDEADYYC	ALWYSNLWVF	100
GGGTKLTVLG	GGGSGGGGVE	QLVESGGGLV	QPQGSRLRSC	AASGFTTSSF	150
GMHWVRQAPG	KGLEWVAYIS	SDSSAIYYAD	TVKGRFTISR	DNAKNSLYLQ	200
MNSLRDEDTA	VYYCGRGREN	IYYGSRDLW	GQGTTVTVSS	GGCGGGKVAA	250
LKEKVAALKE	KVAALKEKVA	ALKE			274

3. Chain / Chaîne / Cadena: IG h-CH2-CH3

DKTHTCPPCP	APEAAGGSPV	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT	CVVVDVSHED	50
FEVKFNWYD	GVEVHNAKTK	PREEQYNSTY	RVVSVLTVLH	QDWLNGKEYK	100
KVSNKALPA	PIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSREEMTK	NQVSLSCAVK	150
GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTTTPVLDS	DGSFFLVSKL	TVDKSRWQQG	200
NVFSVCSVMHE	ALHNRYTQKS	LSLSPGK			227

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-chain 1 (C23-C104) 23-88 137-213 318-378 424-482

Intra-chain 2 (C23-C104) 22'-90' 140'-214'

Intra-chain 3 (C23-C104) 41"-101" 147"-205"

Inter-chains 1 - 2 243-243'

Inter-chains 1 - 3 (h 11 -h 11) 283-6"

(h 14 -h 14) 286-9"

N-terminal glutamine cyclization to pyroglutamate (pE, 5-oxoproline)

V-lambda Q1:

I'

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

CH2 N84.4:

354, 77"

C-terminal lysine clipping / Coupeure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

CHS K2:

504, 227"

ociperlimabum #

ociperlimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (T-cell immunoreceptor with Ig domain and ITIM, V-set Ig member 9, VSIG9, V-set and transmembrane member 3, VSTM3)], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01 nG1m1, G1m17 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

ociperlimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunorécepteur des lymphocytes T avec domaine Ig et ITIM, membre 9 de l'Ig V-set, VSIG9, membre 3 de l'Ig V-set et région transmembrane, VSTM3)], anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01 nG1m1, G1m17 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

ociperlimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TIGIT (immunoreceptor de los linfocitos T con dominio Ig y ITIM, miembro 9 de la Ig V-set, VSIG9, miembro 3 de la Ig V-set y región transmembrana, VSTM3)], anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens*IGHG1*01 nG1m1, G1m17 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-15*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2342597-93-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```

EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYYMYVQRQA PGKGLEWVAY 50
ITKGGGSTYY PDSVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNSLRAD TAVYYCARQT 100
NYDFTMDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFAVLQSSG LYSLSSTVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGPF SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTEPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSQSVH HEALHNYHTQ KSLSLSPGK 449

```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```

EIVMTQSPAT LSVSPGERAT LSCASQDVG TSWAWYQQKFP GQAPRLLIYW 50
ASARHTGIPA RFGSGSGSTE FTLTISLQES EDFAVYYCQY YSSYPLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWVKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427

22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-214" 222"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2N84.4:

299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping:

H CHS K2:

449, 449"

omodénbamabum #
omodénbamab

immunoglobulin G3-kappa, anti-[*Staphylococcus aureus* SpA (Staphylococcal protein A)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma3 heavy chain *Homo sapiens* (1-502) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114) (1-125) -*Homo sapiens*IGHG3*01, G3m5* (G3m5,10,11,13,14,26,27) (CH1 (126-223), hinge 1-42 (224-285), CH2 (286-395), CH3 S44 (439), M84 (452), Q98 (474), I101 (477), R115 (490), F116 (491) (396-500), CHS (501-502)) (126-502)], (139-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (90.5%) -IGKJ5*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'')]; dimer (236-236":239-239":245-245":251-251":254-254":260-260":266-266":269-269":275-275":281-281":284-284'')-undecakisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1SV cells, glycoform alfa
antibacterial

omodénbamab

immunoglobuline G3-kappa, anti-[*Staphylococcus aureus* SpA (protéine A de Staphylocoque)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma3 *Homo sapiens* (1-502) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-23*04 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114) (1-125) -*Homo sapiens*IGHG3*01, G3m5* (G3m5,10,11,13,14,26,27) (CH1 (126-223), charnière 1-42 (224-285), CH2 (286-395), CH3 S44 (439), M84 (452), Q98 (474), I101 (477), R115 (490), F116 (491) (396-500), CHS (501-502)) (126-502)], (139-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (90.5%) -IGKJ5*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214'')];

dimère (236-236":239-239":245-245":251-251":254-254":260-260":266-266":269-269":275-275":281-281":284-284")-undecakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO)-K1SV, glycoforme alfa *antibactérien*

omodénbamab

immunoglobulina G3-kappa, anti-[*Staphylococcus aureus* SpA (proteína A de *Estafilococo*)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma3 *Homo sapiens* (1-502) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.18] (26-33.51-58.97-114) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG3*01, G3m5* (G3m5, 10, 11, 13, 14, 26, 27) (CH1 (126-223), bisagra 1-42 (224-285), CH2 (286-395), CH3 S44 (439), M84 (452), Q98 (474), I101 (477), R115 (490), F116 (491) (396-500), CHS (501-502)) (126-502)], (139-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (90.5%) -IGKJ5*01 (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dímero (236-236":239-239":245-245":251-251":254-254":260-260":266-266":269-269":275-275":281-281":284-284")-undecakisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO)-K1SV, forma glicosilada alfa *antibacteriano*

2241724-48-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada				
EVQLVESGGG	LVQPFGGSLRL	SCAASGFTFS	TYGMSWVRQA	PGKLEWVSS 50
ITGSGRSTFY	ADSVKGRFTI	SRDNTNTLS	LQMNSLRAED	TAVYCARSP 100
ADIVTGYYPF	WFDLWGQGTL	VTVSSASTKG	PSVFPLAPCS	RSTSGGTAAL 150
GCLVKDYFPE	PVTVSWNSGA	LTSGVHTFPA	VLQSSGLYSL	SSVTVFPSSS 200
LGQTYITCNV	NHKPSNTKVD	KRVELKTPLG	DTHTCPRCPC	EPKSCDTPPP 250
CPRCPPEPKSC	DTPPPCPRCP	EPKSCDTPPP	CPRCPAPELL	GGPSVFLFPP 300
KPKDITLMISR	TPEVTCVVVD	VSHEDPEVQF	KWYVDGVEVH	NAKTKPREEQ 350
YNSTFRVVS	LTVLHQDWLN	GKEYKCKVSN	KALPAPIEKT	ISKTKGQPRE 400
PQVYTLPPSR	EEMTRNQVSL	TCLVKGFPYS	DIAVEWESSG	QPENNYNTTP 450
PMLDSGDSFF	LYSKLTVDKS	RWQQGNIFSC	SVMHEALHNR	FTQKSLSLSP 500
GK				502
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera				
DIQMTQSPSS	LSASIGDRVIT	ITCRASQSN	TYLNWYQQKP	GKAPRLLIAG 50
ASLQSGVPS	RFGSGSGSTD	FTLTISLQP	EDFATYYCQ	ANSFPLTFQG 100
GTRLEIKRVT	AAPSVFIFFP	SDEQLKSGTA	SVCCLNNFY	PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ	ESVTEQDSKD	STYLSSTLT	LSKADYEKKH	VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN	RGEC			214
Post-translational modifications				
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro				
Intra-H (C23-C104) 22-96 152-208 316-376 422-480				
22"-96" 152"-208" 316"-376" 422"-480"				
Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134'-194'				
23"-88"" 134""-194""				
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 139-214' 139"-214"				
Inter-H-H (h1 13, h1 16, 236-236" 239-239"				
h2 5, h2 11, h2 14 245-245" 251-251" 254-254"				
h3 5, h3 11, h3 14, 260-260" 266-266" 269-269"				
h4 5, h4 11, h4 14) 275-275" 281-281" 284-284"				
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación				
H CH2 N84.4: 352, 352"				
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.				
O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación				
h2 S7 h3 S7 h4 S7 247, 247" 262, 262" 277, 277"				
Sialylated glycans regularly present / glycanes sialylés régulièrement présents / glicanos sialilados regularmente presentes				
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal				
H CHS K2: 502, 502"				

onametostatum

onametostat

(1*S*,2*R*,3*S*,5*R*)-3-[2-(2-amino-3-bromoquinolin-7-yl)ethyl]-5-(4-amino-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-7-yl)cyclopentane-1,2-diol
antineoplastic

onamétostat

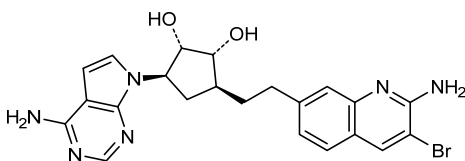
(1*S*,2*R*,3*S*,5*R*)-3-[2-(2-amino-3-bromoquinoléin-7-yl)éthyl]-5-(4-amino-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-7-yl)cyclopentane-1,2-diol
antinéoplasique

onametostat

(1*S*,2*R*,3*S*,5*R*)-3-[2-(2-amino-3-bromoquinolein-7-il)etil]-5-(4-amino-7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-7-il)ciclopentano-1,2-diol
antineoplásico

C₂₂H₂₃BrN₆O₂

2086772-26-9

**ontasameranum #**

ontasameran

Messenger RNA encoding transmembrane phosphatase with tensin homology (TPTE). Messenger RNA (mRNA), 5'-capped, encoding codon-optimised transmembrane phosphatase with tensin homology (TPTE; cancer/testis antigen 44) expressed as a fusion protein comprising a secretory signal peptide, TPTE, P2P16 tetanus toxoid-derived helper epitopes and a major histocompatibility complex (MHC) class I transmembrane and cytoplasmic domain (MITD), connected by three glycine/serine-rich (GS) linker peptides, flanked by 5' and 3' untranslated regions and a 3' poly(A) tail.
immunomodulator, antineoplastic

ontasaméran

ARN messenger codant pour la phosphatase transmembranaire homologue à la tensine (TPTE). Un ARN messager (ARNm), protégé en 5', codant pour la phosphatase transmembranaire homologue à la tensine (TPTE ; antigène 44 du cancer testiculaire), avec des codons optimisés, exprimé sous la forme d'une protéine de fusion comprenant un peptide signal de sécrétion, TPTE, les épitopes auxiliaires P2P16 dérivés de l'anatoxine tétanique et un domaine transmembranaire et cytoplasmique (MITD) du complexe majeur d'histocompatibilité (CMH) de classe I, reliés par trois peptides de liaison riches en glycine/sérine (GS), flanqués de régions non traduites en 5' et 3' et d'une queue poly(A) en 3'.
immunomodulateur, antinéoplasique

ontasamerán

ARN mensajero que codifica para la fosfatasa transmembranal con homología con la tensina (TPTE). ARN mensajero (ARNm), protegido en 5', que codifica para la fosfatasa transmembranal con homología con la tensina (TPTE; antígeno de cáncer/testículo 44), con codones optimizados, expresada como una proteína de fusión que consta de un péptido señal de secreción, TPTE, los epítomos auxiliares P2P16 derivados del toxoide tetánico y un dominio citoplásmico y transmembrana del complejo principal de histocompatibilidad (MHC) de clase I, conectados mediante tres péptidos de enlace ricos en glicina/serina (GS), flanqueado por las regiones 5' y 3' no traducidas y una cola poly(A) en 3'.

inmunomodulador, antineoplásico

2348561-00-0

oplunofuspum #

oplunofusp

Actinomyces viscosus L-methionyl sialidase (exo- α -sialidase) catalytic domain fragment (239-631, 2-394 in the current sequence), fused to human amphiregulin heparin binding domain fragment (25-45, 395-415 in the current sequence) anti-(binding to human heparin and cell surface glycosaminoglycans), produced in *Escherichia coli*;
L-methionyl (1)-sialidase (exo- α -sialidase, EC:3.2.1.18) (*Actinomyces viscosus*) (239-631)-peptide (containing the sialidase domain) (2-394), fused to human amphiregulin (25-45)-peptide (binding to human heparin and glycosaminoglycans) (395-415), produced in *Escherichia coli*.
antiviral

oplunofusp

L-méthionyl, fragment du domaine catalytique (239-631, 2-394 dans la séquence actuelle) de la sialidase d'*Actinomyces viscosus* (exo- α -sialidase), fusionné à un fragment du domaine liant l'héparine de l'amphiréguline humaine (25-45, 395-415 dans la séquence actuelle) anti-(liant aux glycosaminoglycanes de surface cellulaire et à l'héparine, humains), produit dans *Escherichia coli*;
L-méthionyl (1)-peptide 239-631 de sialidase (exo- α -sialidase, EC:3.2.1.18) (*Actinomyces viscosus*) (contenant le domaine sialidase) (2-394), fusionné au peptide 25-45 de l'amphiréguline humaine (se liant aux glycosaminoglycanes et à l'héparine) (395-415), produit dans *Escherichia coli*.
antiviral

oplunofusp

L-metionil sialidasa(exo- α -sialidasa) *Actinomyces viscosus* fragmento con dominio catalítico (239-631, 2-394 en la secuencia actual), fusionado al fragmento del dominio de unión a la heparina de la anfiregulina humana (25-45, 395-415 en la secuencia actual) anti-(unión a la heparina y a los glicosaminoglicanos de superficie celular, humanos), producido in *Escherichia coli*;

L-metionil (1)-péptido 239-631 de sialidasa (exo- α -sialidasa, EC:3.2.1.18) (*Actinomyces viscosus*) (que contiene el dominio de sialidasa) (2-394), fusionado al péptido 25-45 de anfiregulina humana (se une a glicosaminoglicanos y heparina) (395-415), producido en *Escherichia coli* antiviral

946032-08-2

Sequence / Séquence / Secuencia

MGDHPQATPA	PAPDASTELP	ASMSQAQHLA	ANTATDNYRI	PAITTPANGD	50
LLISYDERPK	DNGNGGSDAP	NPNHIVQRRS	TGGKTSWAP	TYIHQGTETG	100
KKVGYSDPSY	VVDHQTGTIF	NFHVKSVDQG	WGGSRGCTDP	ENRGIIQAEV	150
STSTDNGWTW	THRTITADIT	KDKPWTARFA	ASGQGIQIQH	GPHAGRLVQQ	200
YTIRTAGGAV	QAVSVYSDDH	GKTWQAGTPI	GTGMDEKVV	ELSDGSLMLN	250
SRASDGGGFR	KVAHSTGGGQ	TWSEPVSDKN	LPDSVDNAQI	IRAFPNAAPD	300
DPRAKVLLLS	HSPNRPWSR	DRGTISMSCD	DGASWTTSKV	FHEPFVGYTT	350
IAVQSDGSIG	LLSEDAHNGA	DYGGIWRNFR	TMNWLGEQCG	QKPAKKKKKG	400
<u>GKNGKNNRNR</u>	<u>KKKNP</u>				415

Post-translational modifications

Disulfide bridge location / Position du pont disulfure / Posición del puente disulfuro
329-389

Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación
none / aucune / ninguna

pacanalotamabum #
pacanalotamab

immunoglobulin scFv-scFv, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (TNF receptor superfamily member 17, tumor necrosis factor receptor superfamily, member 17, B cell maturation antigen, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon)], monoclonal antibody single chain, bispecific;
IG scFv-scFv single chain, anti-TNFRSF17 and anti-CD3E (1-504) [scFv-VH-V-kappa anti-TNFRSF17 (1-243) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (85.7%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%))] CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (122-136) -V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (91.6%) -IGKJ1*01 (100%))] CDR-IMGT [6.3.9] (163-168.186-188.225-233) (137-243)] -6-mer seryl-tetraglycyl-seryl linker (244-249) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (250-498) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) - (IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)]/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) - (IGHD) -IGHJ5*01 (100%))] CDR-IMGT [8.10.16] (275-282.300-309.348-363) (250-374) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (375-389) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)] CDR-IMGT [9.3.9 (415-423.441-443.480-488) (390-498)] -hexahistidine (499-504)], non-glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells
immunomodulator, antineoplastic

pacanalotamab

immunoglobuline scFv-scFv, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du TNF, membre 17 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, antigène de maturation de cellule B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon)], anticorps monoclonal à chaîne unique, bispécifique;

pacanalotamab

IG scFv-scFv chaîne unique, anti-TNFRSF17 et anti-CD3E (1-504) [scFv-VH-V-kappa anti-TNFRSF17 (1-243) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121)-15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (122-136) -V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (91.6%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (163-168.186-188.225-233) (137-243)] -6-mer séryl-tétraglycyl-séryl linker (244-249) -scFv-V-lambda anti-CD3E (250-498) [VH (*Mus musculus*IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens*IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (275-282.300-309.348-363) (250-374) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (375-389) -V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%) CDR-IMGT [9.3.9] (415-423.441-443.480-488) (390-498)] -hexahistidine (499-504)], non-glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO)
immunomodulateur, antinéoplasique

inmunoglobulina scFv-scFv, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del TNF, miembro 17 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, antígeno de maduración de célula B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon)], anticuerpo monoclonal con cadena única, biespecífico;
IG scFv-scFv cadena única, anti-TNFRSF17 y anti-CD3E (1-504) [scFv-VH-V-kappa anti-TNFRSF17 (1-243) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (85.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121)-15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (122-136) -V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-33*01 (91.6%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (163-168.186-188.225-233) (137-243)] -6-mer seril-tetraglicil-seril linker (244-249) -scFv-V-lambda anti-CD3E (250-498) [VH (*Mus musculus*IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens*IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (275-282.300-309.348-363) (250-374) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (375-389) -V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%) CDR-IMGT [9.3.9] (415-423.441-443.480-488) (390-498)] -hexahistidina (499-504)], no glicosilado, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO)
inmunomodulador, antineoplásico

2251756-52-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SKASGYTFT NHIIHWVRQA PGQGLEWMGY 50
INPYPGYHAY NEKFGQGRATM TSDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCARDG 100
YYRDTDLVDY WGQGTLTIVTS SGGGSGGGGG SGGGSGDIQM TQSPSSLAS 150
VGDRTVITCQ ASQDISNYLN WYQKPKGKAP KLLIYYTSRL HTGVPSRFSG 200
SGSGTDFTFIT ISSLEPEDIA TYCQQQNTL PWTFGQTKV EIKSGGGGSE 250
VQLVESGGGL VQPGGSLKLS CAASGFTFNK YAMNWRQAP KGLEWVARI 300
RSKYNMYATY YADSVKDRFT ISRDSDKNTA YLMNNLKTE DTAVYYCVRH 350
GNFGNSYISY WAYWGQGLTV TVSSGGGSGG GGGSGGGGSG TVVTQEPSTL 400
VSPGGTIVLT CGSSTGAVTS GNYPNWVQQK PGQAPRLIG GTKFLAPGTP 450
ARFSGSLGG KAALTLGSVQ PEDEAEYYCV LWYSNRWVFG GGTKLTVLHH 500
HHHH 504

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-V (C23C104) 22-96 159-224 271-347 411-479

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxopropyl)

VH Q1: I

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación
Aglycosylated

pariglasgenum breccaparvovecum #
pariglasgene breccaparvovec

A non-replicating adeno-associated viral vector encoding codon-optimized human glucose-6-phosphatase (G6PC).
A recombinant non-replicating adeno-associated viral vector serotype 8 (rAAV8), encoding codon-optimized human glucose-6-phosphatase (G6PC) under the control of the native human G6PC promoter/enhancer and an SV40 polyadenylation sequence, containing a chimeric intron in the 5' UTR between the promoter/enhancer and the transgene, flanked by AAV2 inverted terminal repeats (ITR).
gene therapy (glycogen storage disease type 1)

pariglasgène bréccaparvovec

Un vecteur adéno-viral non-réplicatif codant pour la glucose-6-phosphatase (G6PC) humaine avec des codons optimisés.
Un vecteur recombinant adéno-viral non-réplicatif de sérotype 8 (rAAV8), codant pour la glucose-6-phosphatase (G6PC) humaine avec des codons optimisés, sous le contrôle du promoteur/activateur de la G6PC humaine native et d'une séquence de polyadénylation du SV40, contenant un intron chimérique dans l'UTR 5' entre le promoteur/activateur et le transgène, flanqué de répétitions terminales inversées (ITR) AAV2.
thérapie génique (maladie de stockage du glycogène type 1)

pariglasgén breccaparvovec

Un vector viral adeno-asociado, no replicativo, que codifica para la glucosa-6-fosfatasa (G6PC) humana, con codones optimizados.
Un vector viral adeno-asociado recombinante de serotipo 8 (rAAV8) no replicativo, que codifica para la glucosa-6-fosfatasa (G6PC) humana, con codones optimizados, bajo el control del promotor/potenciador (enhancer) nativo de la G6PC humana y una secuencia de poliadenilación del SV40, conteniendo un intron quimérico en la región 5' UTR entre el promotor/potenciador y el transgén, flanqueado por repeticiones invertidas terminales (ITR) del AAV2.
terapia génica (enfermedad de almacenamiento de glucógeno tipo 1)

2259927-72-3

pavunalimabum #
pavunalimab

immunoglobulin half-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* LAG3 (lymphocyte activating 3, lymphocyte-activation 3, CD223)] and anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte-associated protein 4, CD152)], monoclonal antibody, bispecific;

	gamma1 heavy chain anti-LAG3 (1-450) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV6-6*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (93.8%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-72*01(81.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (86.0%)) CDR-IMGT [8.10.12] (26-33.51-60.99-110) (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 N114>D (212) R120>K (218) (122-219), hinge 1-15 (221-234), CH2 E1.4.L1.3>P (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239), S29>K (270), Q84.2>E (298) (235-343), CH3 E12 (359), M14 (361), L24>D (375), K26>S (377), N44>D (387), Q97>E (421), N100>D (424), M107>L (431), N114>S (437) (344-448), CHS (449-450)) (122-450)], (224-218')-disulfide with kappa light chain anti-LAG3 (1'-218') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV3-4*01 (82.8%) -(IGHD) -IGKJ4*01 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; IG scFv-h-CH2-CH3 single chain, anti-CTLA4 (1"-477") [scFv VH-V-kappa anti-CTLA4 1"-246"] [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-21*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1"-118") -20-mer tetrakis(glycyl-lysyl-prolyl-glycyl-seryl) linker (119"-138") -V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (97.9%) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (165-171.189-191.228-236) (139"-246")] -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (247"-477") [hinge 1-15 C5>S (251) (247-261) -CH2 E1.4.L1.3>P (264), L1.2>V (265), G1.1>A (266), S29>K (297) (262-370), CH3 E12 (386), E13>Q (387), M14 (388), S20>K (394), M107>L (458), N114>S (464) (371-475), CHS (476-477)]]]; dimer (230-257":233-260")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
pavunlimab	immunoglobuline demi-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[<i>Homo sapiens</i> LAG3 (activateur 3 des lymphocytes, lymphocyte-activation 3, CD223)] et anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CD152)], anticorps monoclonal, bispécifique; chaîne lourde gamma1 anti-LAG3 (1-450) [VH (<i>Mus musculus</i> IGHV6-6*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (93.8%)/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-72*01(81.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (86.0%)) CDR-IMGT [8.10.12] (26-33.51-60.99-110) (1-121) -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 N114>D (212) R120>K (218) (122-219), charnière 1-15 (221-234), CH2 E1.4.L1.3>P (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239), S29>K (270), Q84.2>E (298) (235-343), CH3 E12 (359), M14 (361), L24>D (375), K26>S (377), N44>D (387), Q97>E (421), N100>D (424), M107>L (431), N114>S (437) (344-448), CHS (449-450)) (122-450)], (224-218')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-LAG3 (1'-218') [V-KAPPA (<i>Mus musculus</i> IGKV3-4*01 (82.8%) -(IGHD) -IGKJ4*01 (100%)/<i>Homo sapiens</i> IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -<i>Homo sapiens</i> IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; IG scFv-h-CH2-CH3 chaîne unique, anti-CTLA4 (1"-477") [scFv VH-V-kappa anti-CTLA4 (1"-246") [VH (<i>Homo sapiens</i> IGHV3-21*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1"-118") -20-mer tétrakis(glycyl-lysyl-prolyl-glycyl-seryl) linker (119"-138") -V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i> IGKV3-20*01 (97.9%) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (165-171.189-191.228-236) (139"-246")] -<i>Homo sapiens</i> IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (247"-477") [charnière 1-15 C5>S (251) (247-261) -CH2 E1.4.L1.3>P (264), L1.2>V (265), G1.1>A (266), S29>K (297) (262-370), CH3 E12 (386), E13>Q (387), M14 (388), S20>K (394), M107>L (458), N114>S (464) (371-475), CHS (476-477)]]]; dimère (230-257":233-260")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
pavunlimab	immunoglobulina demi-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[<i>Homo sapiens</i> LAG3 (activador 3 de los linfocitos, linfocito-activación 3, CD223)] y anti-[<i>Homo sapiens</i> CTLA4 (proteína 4 asociada a los linfocitos T citotóxicos, CD152)], anticuerpo monoclonal, biespecífico;

cadena pesada gamma1 anti-LAG3 (1-450) [VH (*Mus musculus*IGHV6-6*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (93.8%)/*Homo sapiens*IGHV3-72*01(81.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (86.0%)) CDR-IMGT [8.10.12] (26-33.51-60.99-110) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 N114>D (212) R120>K (218) (122-219), bisagra 1-15 (221-234), CH2 E1.4,L1.3>P (237), L1.2>V (238), G1.1>A (239), S29>K (270), Q84.2>E (298) (235-343), CH3 E12 (359), M14 (361), L24>D (375), K26>S (377), N44>D (387), Q97>E (421), N100>D (424), M107>L (431), N114>S (437) (344-448), CHS (449-450)) (122-450)], (224-218')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-LAG3 (1'-218') [V-KAPPA (*Mus musculus*IGKV3-4*01 (82.8%) -(IGHD) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101) (1'-111') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (157), V101 (195) (112'-218')]; IG scFv-h-CH2-CH3 cadena única, anti-CTLA4 (1"-477") [scFv VH-V-kappa anti-CTLA4 (1"-246") [VH (*Homo sapiens*IGHV3-21*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1"-118") -20-mer tetrakis(glicil-lisil-prolil-glicil-seril) linker (119"-138") -V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (97.9%) -IGHJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (165-171.189-191.228-236) (139"-246")]] -*Homo sapiens*IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (247"-477") [bisagra 1-15 C5>S (251) (247-261) -CH2 E1.4,L1.3>P (264), L1.2>V (265), G1.1>A (266), S29>K (297) (262-370),CH3 E12 (386), E13>Q (387), M14 (388), S20>K (394), M107>L (458), N114>S (464) (371-475), CHS (476-477)]]; dímero (230-257":233-260")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa *immunomodulador, antineoplásico*

2329669-78-3

1. Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-LAG3)

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGETFD DAWMSWVRQA PGKGLEWVAE 50
ISTKANNHAT YYAEVKGGRF TISRDDSKSS VYLQMSLRA EDTAVYYCYTR 100
LATWDMYDFD WQGGTGVTVS SASTKGPSPV PLAPSSKSTS GGTAAALGLVL 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SDTKVDKKVE PKSCDTHKTC PPCPAPPVAG PSVFLFPPPK 250
KDTLMISRTPEVTCTVVDVK HEDPEVKFTNW YVDGVEVHNA KTKPREEYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIETKIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPSRREE MTKNQVSLTC DVSGFYPSDI AVEWESDQGP ENNYKTTPEV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW EQGDVFSCSV LHEALSHYT QKSLSLSPGK 450
```

2. Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-LAG3)

```
DIVLTQSPFS LSASVGRDVT ITCRASQSDV YDGDSYMNWY QQKPGKPPKL 50
LIYAAESELG GIPARFSGSG SGTDFLTLSI SLQPEDFATY YCQQSNEDPF 100
TFGSGTKLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLT STLTLSKADY EKHVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC 218
```

3. Chain / Chaîne / Cadena: IG scFv-h-CH2-CH3 (anti-CTLA4)

```
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYTMHWVRQA PGKGLEWVSF 50
ISYDGNKYKY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNLSRAED TAVYYCARGG 100
HLGPFDLWQG GTMVTVSSGK PGSGKPGSGK PGSGKPGSEI VLTQSPATLS 150
LSPGERATLS CRASQVSGSS YLAWYQQKPG QAPRLLIYGA SSRATGIPDR 200
FSGSGSGTDF TLTISRLEPE DFAVYQQQYQ GSSPWTFGQG TKVEIKEPKS 250
SDKTHTCPCPC PAPPVAGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVDVKHED 300
PEVKFNWYVD GVEVHNARKT PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK 350
CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT LPSPREQMTK NQVKLTCLVK 400
GFYFSDIAVE WESNGQPENN YKTTTPPVLD DGSFFLYSKL TVDKSRWQGG 450
NVFSGSVLHE ALHSHYTQKS LSLSPGK 477
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 148-204 264-324 370-428
 Intra-L (C23-C104) 23-92 138-198
 Intra-chain 3 22'-96" 161"-227" 291"-351" 397"-455"
 Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-218'
 Inter-H-chain 3 (h 11, h 14) 230-257" 233-260"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:
300, 327"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupe de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:
450, 477"

pavurutamabum #
pavurutamab

immunoglobulin scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (TNF receptor superfamily member 17, tumor necrosis factor receptor superfamily, member 17, B cell maturation antigen, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody single chain (scFv)2-scFc, bispecific;

IG single chain scFv-scFv-scFc, anti-TNFRSF17 and anti-CD3E (1-986) [scFv-VH-V-kappa anti-TNFRSF17 (1-243) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 G49>C (44) (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%))] CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (122-136)-V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (91.6%) -IGKJ1*01 Q120>C (236) (91.7%))] CDR-IMGT [6.3.9] (163-168.186-188.225-233) (137-243)] -6 mer seryl-tetraglycyl-seryl linker (244-249) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (250-498) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%))] CDR-IMGT [8.10.16] (275-282.300-309.348-363) (250-374) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (375-389) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%))] CDR-IMGT [9.3.9] (415-423.441-443.480-488) (390-498)] -4-mer tetraglycyl linker (499-502) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (503-986) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (hinge 6-15 (503-512), CH2 R83>C (574), N84.4>G (579), V85>C (584) (513-622), CH3 E12 (638), M14 (640) (623-727), CHS (728-729)) (503-729) -30-mer hexakis(tetraglycyl-seryl) linker (730-759) -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (hinge 6-15 (760-769), CH2 R83>C (831), N84.4>G (836), V85>C (841) (770-879), CH3 E12 (895), M14 (897) (880-984), CHS (985-986)) (760-986)], non-glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells

immunomodulator, antineoplastic

pavurutamab

immunoglobuline scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du TNF, membre 17 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale, antigène de maturation de cellule B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal à chaîne unique (scFv)2-scFc, bispécifique;

IG à chaîne unique scFv-scFv-scFc, anti-TNFRSF17 et anti-CD3E (1-986) [scFv-VH-V-kappa anti-TNFRSF17 (1-243) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 G49>C (44) (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%))] CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (122-136)-V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (91.6%) -IGKJ1*01 Q120>C (236) (91.7%))] CDR-IMGT [6.3.9] (163-168.186-188.225-233) (137-243)] -6-mer séryl-tétraglycyl-séryl linker (244-249) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (250-498) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%))] CDR-IMGT [8.10.16] (275-282.300-309.348-363) (250-374) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (375-389) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%))] CDR-IMGT [9.3.9] (415-423.441-443.480-488) (390-498)] -4-mer tétraglycyl linker (499-502) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (503-986) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (503-729) (charnière 6-15 (503-512), CH2 R83>C (574), N84.4>G (579), V85>C (584) (513-622), CH3 E12 (638), M14 (640) (623-727), CHS (728-729)) -30-mer hexakis(tétraglycyl-séryl) linker (730-759) -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (charnière 6-15 (760-769), CH2 R83>C (831), N84.4>G (836), V85>C (841) (770-879), CH3 E12 (895), M14 (897) (880-984), CHS (985-986)) (760-986)], non-glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO)

immunomodulateur, antinéoplasique

pavurutamab

inmunoglobulina scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del TNF, miembro 17 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral, antígeno de maduración de célula B, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal con cadena única (scFv)2-scFc, biespecífico;

IG con cadena única scFv-scFv-scFc, anti-TNFRSF17 y anti-CD3E (1-986) [scFv-VH-V-kappa anti-TNFRSF17 (1-243) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 G49>C (44) (84.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (122-136)-V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (91.6%) -IGKJ1*01 Q120>C (236) (91.7%)) CDR-IMGT [6.3.9] (163-168.186-188.225-233) (137-243)] -6-mer seril-tetraglicil-seril linker (244-249) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (250-498) [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)]/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (275-282.300-309.348-363) (250-374) -15-mer tris(tetraglicil-seril) linker (375-389) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (415-423.441-443.480-488) (390-498)] -4-mer tetraglicil linker (499-502) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (503-986) [*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (503-729) (bisagra 6-15 (503-512), CH2 R83>C (574), N84.4>G (579), V85>C (584) (513-622), CH3 E12 (638), M14 (640) (623-727), CHS (728-729)) -30-mer hexakis(tetraglicil-seril) linker (730-759) -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (bisagra 6-15 (760-769), CH2 R83>C (831), N84.4>G (836), V85>C (841) (770-879), CH3 E12 (895), M14 (897) (880-984), CHS (985-986)) (760-986)], no glicosilado, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO)

inmunomodulador, antineoplásico

2250292-39-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT NHHIHWVROA PGQCLEWMGY	50
INPYPGYHAY NEKFQGRATM TSDTSTSTVY MELSSLRSED TAVVYCARDG	100
YYRDTVDLDY WQGGTLVTVS SGGGSGGGGG SGGGSGDIQM TQSPSSLAS	150
VGDRVTITCQ ASQDISNYLN WYQKPKGKAP KLLIYTSRL HTGVPSTRFSG	200
SGSGDTFTFT ISSLEPEDIA TYCQGGNTL PWTFGCGTKV EKGSGGGSGE	250
VQLVSGGGGL VQPGGSLKLS CAASGFTFNK YAMNVRQAP GKGLEWVARI	300
RSKYNVATY YADSVKDRFT ISRDDSKNTA YLQMNLLKTE DTAVVYCVRH	350
GNFGNSIISY WAYWQGTLV TVSSGGGGSG GGGSGGGGSG TVVTQEPSTL	400
VSPGGTTLTL CGSSTLGAITS GNYPNWVQK PGQAPRGLIG GTKFLAPGTP	450
ARFSGSLLGG KAALTLGTVQ PEDEAEYCV LWYSNRWVFG GGTCLTVLGG	500
GGDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLPPPKPK DTLMSRTPTE VTCVVVDVSH	550
EDPEVKFNWY VDGVEVHNK TKPCEEQYGS TYRCVSVLTV LHQDWLNGKE	600
YKCKVSNKAL PAPEKTIISK AKGQPREPV YTLPPSREEM TKNQVSLTCL	650
VKGFPYSDIA VEWESNGQPE NNYKTTTPVL DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ	700
QGNVFCSCVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGKG GGGSGGGGSG GGGSGGGGSG	750
GGSGGGGSGD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF LFPPKPKDTL MISRTPEVTC	800
VVVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNATKP CEEQYGSYTR CVSVLTVLHQ	850
DWLNGKEYKC KVSINKALPAP IEKTIISKAG QPREPVYTL PPSREEMTKN	900
QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNQGPENNY KTTSPVLDSG GSFFLYSKLT	950
VDKSRWQQGN VFSCVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK	986

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-V (C23-C104)	22-96	159-224	271-347	411-479
Intra-C (C23-C104)	543-603	649-707	800-860	906-964
Intra-CH2 (C83-C85)	574-584	831-841		
Inter VH-VL (C49-C120)	44-236			
Inter h11 (h 11-h 11)	508-765			
Inter h14 (h 14-h 14)	511-768			

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

VH Q1: 1

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación

H CH2 N84.4>G:

579, 836

Aglycosylated

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

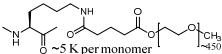
CHS K2:

986

pegtibatinasum # pegtibatinase	human cystathionine β-synthase fragment (2-413, M ¹ cleaved) mutant (C ¹⁵ >S), homodimer, produced in <i>Escherichia coli</i> , pegylated at N ⁶ of lysine residues with an average of five 5-[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-oxy]-5-oxopentanoyl groups per protein monomer; des-Met ¹ -[Cys ¹⁵ >Ser] human cystathionine β-synthase (CBS, beta-thionase, serine sulfhydrase, EC:4.2.1.22) (2-413)-peptide, non-covalent dimer, produced in <i>Escherichia coli</i> , substituted with approximately five 5-[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-oxy]-5-oxopentanoyl groups (20 kDa each) per protein monomer at N ⁶ of lysine residues <i>enzyme replacement therapy</i>
pegtibatinase	fragment de la cystathionine β-synthase humaine (2-413, M ¹ supprimée) mutant (C ¹⁵ >S), homodimère, produit dans <i>Escherichia coli</i> , pégylé en N ⁶ des résidus lysine avec une moyenne de cinq groupes 5-[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-oxy]-5-oxopentanoyle par monomère de protéine; peptide 2-413 de des-Mét ¹ -[Cys ¹⁵ >Sér] cystathionine β-synthase humaine (CBS, bêta-thionase, sérine sulfhydrase, EC: 4.2.1.22), dimère non covalent, produit dans <i>Escherichia coli</i> , substitué par environ cinq groupes 5-[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-oxy]-5-oxopentanoyle (~20 kDa chacun) par monomère de protéine au N ⁶ des résidus de lysine <i>traitement enzymatique substitutif</i>
pegtibatinasa	fragmento de la cistationina β-sintasa humana (2-413, M ¹ escindido) mutante (C ¹⁵ >S), homodímero, producido en <i>Escherichia coli</i> , pegilada en N ⁶ residuos de lisina con una medida de cinco grupos 5-[α-metilpoli(oxietileno)-ω-oxi]-5-oxopentanoilo por monómero de proteína; péptido 2-413 de des-Met ¹ -[Cis ¹⁵ >Ser] cistationina β-sintasa humana (CBS, beta-tionasa, serina sulfhidrasa, EC: 4.2.1.22), dímero no cova-lente, producido en <i>Escherichia coli</i> , sustituido con aproximadamente cinco grupos 5-[α-metilpoli(oxietilen)-ω-oxi]-5-oxopentanoilo (~20 kDa cada uno) por proteína monomérica en N ⁶ de residuos de lisina <i>tratamiento enzimático de sustitución</i>

2304692-47-3

Sequence / Séquence / Secuencia	
-PSETPQAEV GPTCSPHRSG PHSAGSLEK GSPEDKEAKE PLWIRPDAPS	50
RCTWQLGRPA SESPHHTAP AKSPKILPDI LKKIGDTPMV RINKIGKKFG	100
LKCELLAKKE FPNAGGSVKD RISLRMIEDA ERDGTLPKGD TTIPTSGNT	150
GIGLLAAAV RGYRCIIVMP ERMSSEKVDV LRALGAEIVR TPTNARFDSF	200
ESHVGVAWRL KNEIPNSHIL DQYRNASNPL AHYDTADEI LQQCDGKLOM	250
LVASVGTGGT ITGIARLKEK KCPGCRIGV DPEGSILAEF EELNQTEQTT	300
YEVEGIGYDF IPTVLDRTVV DKWFKSNDEE AFTFARMLIA QEGLLCGSSA	350
GSTVAVAVKA AQELQEGQRC VVILPDSVRN YMTKFLSDRW MLQKGFLEKE	400
DLTEKKFWWW HLR	415
Mutation / Mutation / Mutación	
C ¹⁵ >S	
Post-translational modifications	
Removal of Met ¹ / Suppression de Met ¹ / Eliminación de Met ¹	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posición del puentes disulfuro	
272-275, 272'-275' (and further variable potential bridges)	
Glycosylation sites / Sites de glycosylation / Posiciones de glicosilación	
none / aucune / ninguna	
Cofactor binding sites / Sites de liaison des cofacteurs / Sitios de unión de cofactores	
N ⁶ -pyridoxylidene 5'-phosphate / 5'-phosphate de N ⁶ -pyridoxylidène / 5'-fosfato de N ⁶ -piridoxilideno	
K119, K119'	
heme B (protoheme IX) / hème b (protohème IX) / hemo B (protohemo IX)	
Cys52-S -Fe(II)- N ⁴ -His65, Cys52'-S -Fe(II)- N ⁴ -His65'	
Chemical modification / Modification chimique / Modificación química	



pegulicianinum
pegulicianine

N-[6-(1-{2-[3,6-bis(2,3-dihydro-1*H*-indol-1-yl)xanthylium-9-yl]benzene-1-sulfonyl}piperidine-4-carboxamido)hexanoyl]glycylglycyl-L-arginyl-*N*⁶-(6-{2-[(1*E*,3*E*,5*Z*)-5-(1-ethyl-3,3-dimethyl-5-sulfonato-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidene)penta-1,3-dien-1-yl]-3,3-dimethyl-5-sulfonato-3*H*-indol-1-ium-1-yl}hexanoyl)-L-lysyl-[2-(2-aminoethoxy)ethoxy]acetyl-*S*-[(3*RS*)-1-{6-[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-amino]-6-oxohexyl}-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]-L-cysteinamide
diagnostic imaging agent

pégulicianine

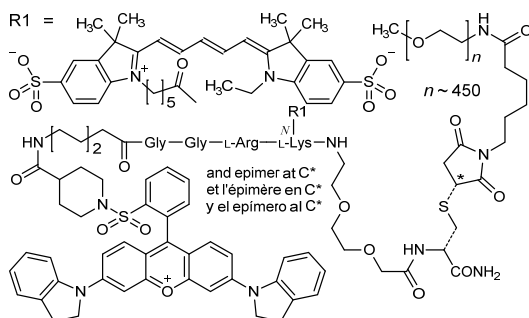
N-[6-(1-{2-[3,6-bis(2,3-dihydro-1*H*-indol-1-yl)xanthylium-9-yl]benzène-1-sulfonyl}pipéridine-4-carboxamido)hexanoyl]glycylglycyl-L-arginyl-*N*⁶-(6-{2-[(1*E*,3*E*,5*Z*)-5-(1-éthyl-3,3-diméthyl-5-sulfonato-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidène)penta-1,3-diène-1-yl]-3,3-diméthyl-5-sulfonato-3*H*-indol-1-ium-1-yl}hexanoyl)-L-lysyl-[2-(2-aminoéthoxy)éthoxy]acétyl-*S*-[(3*RS*)-1-{6-[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-amino]-6-oxohexyl}-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl]-L-cystéinamide
agent de diagnostique

pegulicianina

N-[6-(1-{2-[3,6-bis(2,3-dihidro-1*H*-indol-1-il)xantilio-9-il]benceno-1-sulfonyl}piperidina-4-carboxamido)hexanoil]glicilglicil-L-arginil-*N*⁶-(6-{2-[(1*E*,3*E*,5*Z*)-5-(1-etil-3,3-dimetil-5-sulfonato-1,3-dihidro-2*H*-indol-2-ilideno)penta-1,3-dien-1-il]-3,3-dimetil-5-sulfonato-3*H*-indol-1-io-1-il}hexanoil)-L-lisil-[2-(2-aminoetoxi)etoxi]acetil-*S*-[(3*RS*)-1-{6-[α-metilpoli(oxietileno)-ω-amino]-6-oxohexil}-2,5-dioxopirrolidin-3-il]-L-cisteinamida
agente de diagnóstico

C₁₁₆H₁₄₇N₁₉O₂₃S₄(C₂H₄O)_n

2230217-17-9

**pelabresibum**
pelabresib

2-[(4*S*)-6-(4-chlorophenyl)-1-methyl-4*H*-[1,2]oxazolo[5,4-*d*][2]benzazepin-4-yl]acetamide
antineoplastic

pélabrésib

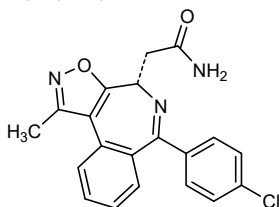
2-[(4*S*)-6-(4-chlorophényl)-1-méthyl-4*H*-[1,2]oxazolo[5,4-*d*][2]benzazépin-4-yl]acétamide
antineoplasique

pelabresib

2-[(4*S*)-6-(4-clorofenil)-1-metil-4*H*-[1,2]oxazolo[5,4-*d*][2]benzazepin-4-il]acetamida
antineoplásico

C₂₀H₁₆ClN₃O₂

1380087-89-7

**pemrametostatum**

pemrametostat

6-[(1-acetylpiiperidin-4-yl)amino]-*N*-[(2*S*)-3-(3,4-dihydroisoquinolin-2(1*H*)-yl)-2-hydroxypropyl]pyrimidine-4-carboxamide
antineoplastic

pemramétostat

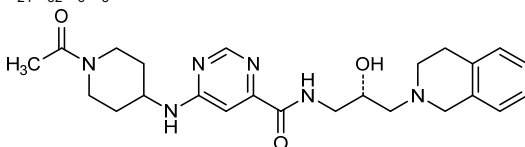
6-[(1-acétylpiépéridin-4-yl)amino]-*N*-[(2*S*)-3-(3,4-dihydroisoquinoléin-2(1*H*)-yl)-2-hydroxypropyl]pyrimidine-4-carboxamide
antineoplasique

pemrametostat

6-[(1-acetilpiiperidin-4-il)amino]-*N*-[(2*S*)-3-(3,4-dihidroisoquinolein-2(1*H*)-il)-2-hidroxipropil]pirimidina-4-carboxamida
antineoplásico

C₂₄H₃₂N₆O₃

1616392-22-3

**penpulimabum #**

penpulimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (88.7%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) - *Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236), G1>A (238) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214')] [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80%) -IGKJ2*01 (81.8%) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

penpulimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal; chaîne lourde gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (88.7%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236), G1>A (238) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80%) - IGKJ2*01 (81.8%) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

penpulimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (88.7%) - (IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1, G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 L1.3>A (235), L1.2>A (236), G1>A (238) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80%) - IGKJ2*01 (81.8%) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa inmunomodulador, antineoplásico

2350298-92-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFAFS SYDMSWRVQA PGKGLDWMVAT 050
ISGGGRYYTY PDSVKGRFTI SRDNSKNNLY LQMNLSRAED TALYYCANRY 100
GEAWFAYWQQ GTLVTSSAS TKGPSVFFLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTWSWN SGALTSVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVF SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCFPC PAPEAAGAPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGEVHNNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIETISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTTPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK 448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS MSASVGDRTV FTRCASQDIN TYLSWFQKPK GKSPKTLIYR 050
ANRLVSGVPS RFGSGSGGQD YTLTISSLQP EDMATYYCLQ YDEFFLTFGA 100
GTKLELKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSTLT LSKADYKEKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426

22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214' 221"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2:

448, 448"

pidnarulexum

pidnarulex

2-(4-methyl-1,4-diazepan-1-yl)-*N*-[(5-methylpyrazin-2-yl)methyl]-5-oxo-5*H*-[1,3]benzothiazolo[3,2-*a*][1,8]naphthyridine-6-carboxamide
antineoplastic

pidnarulex

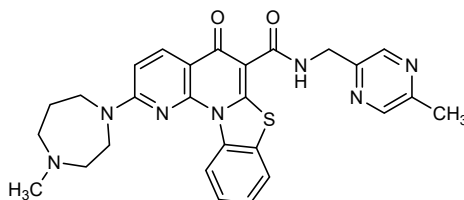
2-(4-méthyl-1,4-diazépan-1-yl)-*N*-[(5-méthylpyrazin-2-yl)méthyl]-5-oxo-5*H*-[1,3]benzothiazolo[3,2-*a*][1,8]naphthyridine-6-carboxamide
antinéoplasique

pidnarulex

2-(4-metil-1,4-diazepan-1-il)-*N*-[(5-metilpirazin-2-il)metil]-5-oxo-5*H*-[1,3]benzotiazolo[3,2-*a*][1,8]naftiridina-6-carboxamida
antineoplásico

C₂₇H₂₇N₇O₂S

1138549-36-6

**pimivalimabum #**

pimivalimab

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (96.9%) -(IGHD)-IGHJ5*02 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118)-*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfide with kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

pimivalimab

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-46*01 (96.9%) -(IGHD)-IGHJ5*02 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118)-*Homo sapiens*IGHG4*01 (CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-5*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

pimivalimab

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

2293951-22-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
VQVLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFP SYMHWVRQA PGQGLEWNGI 50
INPEGGSTAY AQKFQGRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCARGG 100
TYDYTYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPEPVTYWN SGALTSQVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVF SSSLGKTKYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPPCPPCFAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300
VSVLTMLHQD WLNKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTLF 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCVMHEAL HNHYTQKSLS LSLGK 445

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIQMTQSPST LSASVGDRVT ITCRASQSI SWLAWYQQKF GKAPKLLIYE 50
ASSLESQVPS RFGSGSGSTE FTLTISSLQP DDFATYYCQF YNSFPPTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY BREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSLT LSKADYEKKH VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22'-96 145'-201 259'-319 365'-423
22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23"-88" 134"-194"
Inter-H-L (h 10-CL 126) 132'-214' 132"-214"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224'-224" 227'-227"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
H VH Q1:
I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping:
H CHS K2:
445, 445"

pirepematum
pirepemat

(3S)-3-(2,3-difluorophenyl)-3-methoxypyrrolidine
nootrope

pirépemat

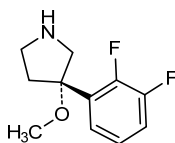
(3S)-3-(2,3-difluorophényl)-3-méthoxypyrrolidine
nootrope

pirepemat

(3S)-3-(2,3-difluorofenil)-3-metoxipirrolidina
nootrope

$C_{11}H_{13}F_2NO$

1227638-29-0



pomulmeranum #
pomulmeran

Messenger RNA encoding cystic fibrosis transmembrane conductance regulator (CFTR).

Messenger RNA (mRNA), 5' capped, encoding codon-optimised human cystic fibrosis transmembrane conductance regulator (CFTR; channel conductance-controlling ATPase, cAMP-dependent chloride channel, ATP-binding cassette sub-family C member 7, ABCC7), flanked by 5' and 3' untranslated regions and a 3' poly(A) tail (200-1000 A).

immunomodulator

pomulméran

ARN messenger codant pour le régulateur de conductance transmembranaire de la mucoviscidose (CFTR).

ARN messenger (ARNm), protégé en 5', codant pour le régulateur de conductance transmembranaire de la mucoviscidose humaine avec des codons optimisés (CFTR ; canal ATPase contrôlant la conductance, canal chlorure dépendant de l'AMPc, sous-famille C membre 7, ABCC7), flanqué de régions 5' et 3' non traduites et d'une queue 3' poly(A) (200-1000 A).

immunomodulateur

pomulmerán

RNA mensajero que codifica para el regulador de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR).

RNA mensajero (RNAm), protegido en 5', que codifica para el regulador de la conductancia transmembrana de la fibrosis quística (CFTR; canal ATPasa controlador de la conductancia, canal de cloro dependiente de AMPc, subfamilia C miembro 7 del casete de unión a ATP, ABCC7) con los codones optimizados, flanqueado por regiones 5' y 3' no traducidas y una cola poly(A) (200-1000 A) en 3'.

immunomodulador

2304576-72-3

posoleucelum
posoleucel

Allogeneic human leukocyte antigen (HLA)-matched virus-specific T cells reactive to cytomegalovirus (CMV), EBV, BK virus, adenovirus and human herpesvirus-6 (HHV-6). The cells are derived from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) from donors seropositive for one or more of these viruses with considerable batch variability of specific anti-virus reactivity.

The cells are expanded and co-cultured with 15-mer peptides overlapping by 11 amino acids spanning antigenic proteins from polyomaviruses BK and JC (VP1 and large T), from adenovirus (hexon and penton), from cytomegalovirus (IE1 and pp65), from Epstein-Barr virus (LMP2, EBNA1, BZLF1), and from human herpesvirus-6 (U90, U11 and U14).

The cells predominantly express CD3 (generally >95%) with a mixture of CD4+ (average 60%) and CD8+ (average 34%) subsets, including both central (CD45RA-/62L+/CCR7+) and effector (CD45RA-/62L-/CCR7-) memory markers.

cell therapy (antiviral)

posoleucel

Cellules T allogéniques, compatibles pour les antigènes leucocytaires humains (HLA) et spécifiques pour le cytomégalovirus (CMV), l'EBV, le virus BK, l'adénovirus et le virus herpès humain 6 (HHV-6). Les cellules sont dérivées de cellules mononucléaires du sang périphérique (PBMC) provenant de donneurs séropositifs pour un ou plusieurs de ces virus, avec une variabilité considérable des lots en termes de réactivité spécifique contre les virus.

Les cellules sont amplifiées et cultivées avec des peptides de 15 résidus se chevauchant par 11 acides aminés couvrant les protéines antigéniques des polyomavirus BK et JC (VP1 et grand T), de l'adénovirus (hexon et penton), du cytomégalovirus (IE1 et pp65), du virus d'Epstein-Barr (LMP2, EBNA1, BZLF1), et du virus herpès humain 6 (U90, U11 et U14).

Les cellules expriment principalement CD3 (généralement >95%) avec un mélange de sous-populations de CD4+ (60% en moyenne) et de CD8+ (34% en moyenne), comprenant des marqueurs des mémoires centrale (CD45RA-/62L+/CCR7+) et effectrice (CD45RA-/62L-/CCR7-).

thérapie cellulaire (antiviral)

posoleucel

Células T alogénicas específicas de virus con compatibilidad para el antígeno leucocitario humano (HLA) reactivas frente a citomegalovirus (CMV), EBV, virus BK, adenovirus y herpesvirus humano 6 (HHV-6). Las células se obtienen a partir de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs) de donantes seropositivos para uno o más de estos virus con una variabilidad considerable entre lotes en la reactividad anti-viral específica.

Las células se expanden y co-cultivan con péptidos de 15 residuos que solapan en 11 amino ácidos cubriendo proteínas antigénicas de poliomavirus BK y JC (VP1 y T grande), de adenovirus (hexón y pentón), de citomegalovirus (IE1 y pp65), de virus de Epstein-Barr (LMP2, EBNA1, BZLF1), y de herpesvirus humano 6 (U90, U11 and U14).

Las células expresan predominantemente CD3 (generalmente >95%) con una mezcla de subtipos CD4+ (60% como media) y CD8+ (34% como media), incluyendo marcadores de memoria central (CD45RA-/62L+/CCR7+) y efectora (CD45RA-/62L-/CCR7-).

terapia celular (antiviral)

radgocitabinum

radgocitabine

4-amino-1-(2-cyano-2-deoxy- β -D-arabinofuranosyl)pyrimidin-2(1*H*)-one;
2'-cyano-2'-deoxy-D-*arabino*-cytidine
antineoplastic

radgocitabine

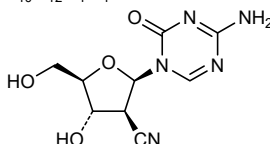
4-amino-1-(2-cyano-2-désoxy- β -D-arabinofuranosyl)pyrimidin-2(1*H*)-one;
2'-cyano-2'-désoxy-D-*arabino*-cytidine
antineoplasique

radgocitabina

4-amino-1-(2-ciano-2-desoxi-β-D-arabinofuranosil)pyrimidin-2(1*H*)-ona;
2'-ciano-2'-desoxi-D-*arabino*-citidina
antineoplásico

C₁₀H₁₂N₄O₄

135598-68-4



rebonuputemcelum

rebonuputemcel

Allogenic human adult nucleus pulposus cells.
The cells are derived from the central region of intervertebral discs and isolated from the tissue using mechanical and enzymatic (collagenase) procedures. Isolated cells are expanded in culture involving adherent and non-adherent conditions until clusters of cells, 100-200 μm in diameter, are generated. Cells comprising the cell substance are dissociated out of these clusters and stored frozen.

Cells (on average >95%) express the surface markers CD73, CD90, CD44 and HLA-ABC, and release proteoglycan, collagen and anti-inflammatory cytokines. Cells (on average <3%) lack expression of CD24 (classically associated with native nucleus pulposus cells), CD34, CD45, CD271, Stro-1 or HLA-DR/DP/DQ.
cell therapy (tissue regeneration)

rébonuputemcel

Cellules allogènes du noyau pulpeux humain adulte.
Les cellules sont dérivées de la région centrale des disques intervertébraux et isolées du tissu à l'aide de procédures mécaniques et enzymatiques (collagénase). Les cellules isolées sont multipliées en culture dans des conditions adhérentes et non adhérentes jusqu'à ce que des groupes de cellules, de 100 à 200 μm de diamètre, soient générés. Les cellules composant la substance cellulaire sont dissociées de ces amas et conservées congelées.

Les cellules (en moyenne > 95%) expriment les marqueurs de surface CD73, CD90, CD44 et HLA-ABC, et libèrent du protéoglycane, du collagène et des cytokines anti-inflammatoires. Les cellules (en moyenne <3%) manquent d'expression de CD24 (classiquement associé aux cellules pulpeuses du noyau natif), CD34, CD45, CD271, Stro-1 ou HLA-DR/DP/DQ.
thérapie cellulaire (régénération tissulaire)

rebonuputemcel

Células alogénicas del núcleo pulposo adulto humano.
Las células son derivadas de la región central de los discos intervertebrales y se aíslan del tejido usando procedimientos mecánicos y enzimáticos (colagenasa). Las células aisladas se expanden en cultivo en condiciones adherentes y no adherentes hasta que se generan grumos de células de 100-200 mm de diámetro. Las células que componen el principio activo se disocian de estos grumos y se almacenan congeladas.

>95% de las células expresan los marcadores de superficie CD73, CD90, CD44 y HLA-ABC, y liberan proteoglicano, colágeno y citoquinas anti-inflamatorias. <3% de las células expresan CD24 (asociado clásicamente con células del núcleo pulposo nativo), CD34, CD45, CD271, Stro-1 o HLA-DR/DP/DQ.
terapia celular (regeneración tisular)

recaticimabum #

recaticimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotein convertase subtilisin/kexin type 9, neural apoptosis-regulated convertase 1, NARC1, NARC-1, proproteine convertase 9, PC9)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) - *Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 M15.1>Y (256), S16>T (258), T18>E (260) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-219')-disulfide with kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV8-21*01 (85%) -IGKJ4*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (76.8%) -IGKJ2*02 (100%)) CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113-219')];
dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO) cell line (CHOK1SV GS-KO), glycoform alfa
antihypercholesterolemic

récatimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proprotéine convertase subtilisine/kexine type 9, convertase 1 régulée par l'apoptose neuronale, NARC1, NARC-1, proprotéine convertase 9, PC9)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) - *Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 M15.1>Y (256), S16>T (258), T18>E (260) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-219')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV8-21*01 (85%) -IGKJ4*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (76.8%) -IGKJ2*02 (100%)) CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113-219')];
dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHOK1SV GS-KO, glycoforme alfa
antihypercholestérolémique

recaticimab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* PCSK9 (proteína convertasa subtilisina/kexina tipo 9, convertasa 1 regulada por la apoptosis neuronal, NARC1, NARC-1, proteína convertasa 9, PC9)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada gamma1 (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) - *Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1, G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 M15.1>Y (256), S16>T (258), T18>E (260) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-219)-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV8-21*01 (85%) -IGKJ4*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (76.8%) -IGKJ2*02 (100%)) CDR-IMGT [12.3.8] (27-38.56-58.95-102) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (158), V101 (196) (113-219)]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHOK1SV GS-KO, forma glicosilada alfa antihipercolesterolémico

2361290-85-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYWMHWVRQA PGQGLEWMGY 50
INPSSGFTKY HQNFKDRVTM TRDTSISTAY MELSLRLSDD TAVYYCARQY 100
DYDEWYFDV WGQGTITVTS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFFPAVLQS SGLYSLSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHPK SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPFK 250
PKDTLYITRE PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYCKVSNK ALPAPIEIKT SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAEWEISNGQ PENNYKTTFP 400
VLDSGGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFCSS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K 451

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVMSQSPSS LSASVGDRTV ITCKSSQSLN NSRTRKNFLA WYQKPGKSP 50
KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLPEDFA TYYCKQSFNL 100
FTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSITYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC 219

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23"-94" 139"-199"
23"-94" 139"-199"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-219" 224"-219"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutaminyl (pE, 5-oxoprolyl)
H VH Q1:
I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
451, 451"

relmacabtagenium autoleucelum #
relmacabtagene autoleucel

Autologous CD4+ and CD8+ enriched T cells transduced ex vivo with a self-inactivating lentivirus vector encoding an anti-CD19 chimeric antigen receptor.

Autologous CD4+ and CD8+ T cells, enriched from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) transduced with a non-replicative self-inactivating (SIN) lentiviral vector encoding a chimeric antigen receptor (CAR) consisting of the human CD19-specific scFv, an IgG4 hinge region, CD28 transmembrane domain, CD137 (4-1BB) co-stimulatory domain and CD3 zeta signalling domain, under the control of a hybrid Elongation Factor 1 alpha (EF1 α) and Human T cell Leukemia Virus type 1 (HTLV-1) regulatory element promoter and woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE). The vector genome also encodes a truncated human epidermal growth factor receptor (EGFRt) that is co-expressed with the CAR and cleaved from it by the T2A self-cleaving peptide. The vector genome also contains a splice donor, a fragment of *gag*, a Rev response element (RRE), a mutated central polypurine tract (cPPT), and a splice acceptor.

cell-based gene therapy (antineoplastic)

relmacabtagène autoleucel

Cellules T autologues enrichies en CD4+ et CD8+ transduites *ex vivo* avec un vecteur lentiviral auto-inactivant codant pour un récepteur chimérique dirigé contre l'antigène CD19. Cellules T CD4+ et CD8+ autologues, enrichies de cellules mononucléaires du sang périphérique (PBM), transduites avec un vecteur lentiviral auto-inactivable et non réplicatif (SIN) codant pour un récepteur chimérique (CAR) constitué du scFv spécifique de l'antigène CD19 humain, d'une région charnière IgG4, d'un domaine transmembranaire CD28, du domaine co-stimulateur de CD137 (4-1BB) et du domaine de signalisation CD3 zêta, sous le contrôle d'un hybride du facteur d'allongement 1 alpha (EF1 α) et du promoteur de l'élément régulateur du virus de la leucémie humaine à cellules T de type 1 (HTLV-1), ainsi que de l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE). Le génome du vecteur code également pour un récepteur tronqué du facteur de croissance épidermique humain (EGFRt) qui est co-exprimé avec le CAR et en est relâché par le peptide T2A auto-coupant. Le génome du vecteur contient également un donneur d'épissage, un fragment de *gag*, un élément de réponse Rev (RRE), un segment central polypurine muté (cPPT) et un accepteur d'épissage.

thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

relmacabtagén autoleucel

Células T autólogas enriquecidas en CD4+ y CD8+ transducidas *ex vivo* con un lentivirus auto-inactivante que codifica un receptor de antígenos quiméricos anti-CD19. Las células T autólogas CD4+ y CD8+, enriquecidas a partir de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs), transducidas con un vector lentiviral no replicativo y auto-inactivante (SIN) que codifica para un receptor de antígenos quimérico (CAR) consistente en un scFv específico de CD19 humano, una región bisagra IgG4, un dominio transmembrana CD28, un dominio co-estimulador CD137 (4-1BB) y un domino de señalización CD3 zeta, bajo el control de un promotor híbrido del factor de elongación 1 alfa (EF1 α) y el elemento regulador del virus de la leucemia de células T de tipo 1 humano (HTLV-1), y elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). El genoma del vector también codifica para un receptor del factor de crecimiento epidérmico humano truncado (EGFRt) que se

coexpresa con el CAR y luego se escinde de él por el péptido de auto escisión T2A. El genoma del vector también contiene un sitio donante de procesamiento (splicing), un fragmento de *gag*, un elemento de respuesta Rev (RRE), un segmento central de polipurinas (cPPT) y un sitio aceptor de procesamiento (splicing).
terapia génica basada en células (antineoplásico)

resiniferatoxinum

resiniferatoxin

[(2*S*,3*aR*,3*bS*,6*aR*,9*aR*,9*bR*,10*R*,11*aR*)-2-benzyl-6*a*-hydroxy-8,10-dimethyl-7-oxo-11*a*-(prop-1-en-2-yl)-3*a*,3*b*,6,6*a*,9*a*,10,11,11*a*-octahydro-2*H*,7*H*-2,9*b*-epoxyazuleno[5,4-*e*][1,3]benzodioxol-5-yl)methyl (4-hydroxy-3-methoxyphenyl)acetate
transient receptor potential vanilloid 1 (TRPV1) antagonist

résinifératoxine

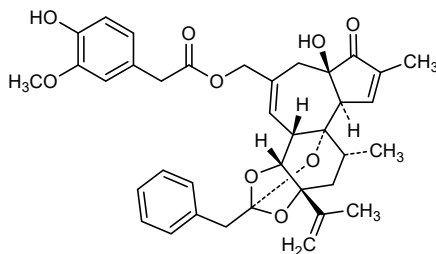
(4-hydroxy-3-méthoxyphényl)acétate de [(2*S*,3*aR*,3*bS*,6*aR*,9*aR*,9*bR*,10*R*,11*aR*)-2-benzyl-6*a*-hydroxy-8,10-diméthyl-7-oxo-11*a*-(prop-1-én-2-yl)-3*a*,3*b*,6,6*a*,9*a*,10,11,11*a*-octahydro-2*H*,7*H*-2,9*b*-époxyazuléno[5,4-*e*][1,3]benzodioxol-5-yl)méthyle
antagoniste des récepteurs membranaires vanilloïdes sous-type 1

resiniferatoxina

(4-hidroxi-3-metoxifenil)acetato de [(2*S*,3*aR*,3*bS*,6*aR*,9*aR*,9*bR*,10*R*,11*aR*)-2-bencil-6*a*-hidroxi-8,10-dimetil-7-oxo-11*a*-(prop-1-en-2-il)-3*a*,3*b*,6,6*a*,9*a*,10,11,11*a*-octahidro-2*H*,7*H*-2,9*b*-epoxiazuleno[5,4-*e*][1,3]benzodioxol-5-il]metilo
antagonista de los receptores membranarios vaniloides subtipo 1

C₃₇H₄₀O₉

57444-62-9

**revakinagenum taroretcelum #**

revakinagene taroretcel

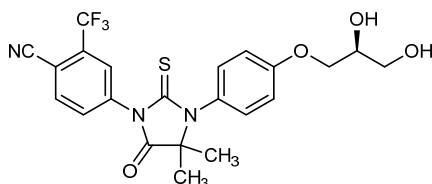
Allogeneic human adult retinal pigment epithelial (RPE) cell line stably transfected with a plasmid encoding human ciliary neurotrophic factor (CNTF).

An allogeneic human adult retinal pigment epithelial (RPE) cell line stably transfected with a plasmid encoding human ciliary neurotrophic factor (CNTF) fused in frame to the murine immunoglobulin mu-factor VDJ4C1 signal peptide, under the control of a mouse metallothionein promoter and a human growth hormone polyadenylation signal. The plasmid also contains three eukaryotic expression cassettes for the selectable markers neomycin resistance, mouse DHFR (dihydrofolate reductase) and HSV-TK (thymidine kinase), plus the bacterial components of the pUC18 backbone, including the ampicillin

	resistance gene (AmpR), origin of replication (ORI) and LacZ gene (alpha fragment of β-galactosidase). <i>cell-based gene therapy (macular telangiectasia type II)</i>
révakinagène taroretcel	Lignée cellulaire épithéliale allogénique du pigment rétinien humain adulte (EPR) transfectée de façon stable avec un plasmide codant pour le facteur neurotrophique ciliaire humain (CNTF). Une lignée cellulaire épithéliale allogénique du pigment rétinien humain adulte (RPE) transfectée de manière stable avec un plasmide codant pour le facteur neurotrophique ciliaire humain (CNTF) fusionné dans le cadre de lecture du peptide signal VDJ4C1 du facteur mu d'immunoglobuline murine, sous le contrôle d'un promoteur de la métallothionéine de souris et d'un signal de polyadénylation de l'hormone de croissance humaine. Le plasmide contient également des cassettes d'expression eucaryotes pour trois marqueurs de sélection, à savoir la résistance à la néomycine, la DHFR (réductase du dihydrofolate) et la HSV-TK (kinase de la thymidine) de souris, ainsi que les composants bactériens du plasmide pUC18, dont le gène de résistance à l'ampicilline (AmpR), l'origine de réplication (ORI) et le gène du LacZ (fragment alpha de la β-galactosidase). <i>thérapie génique à base de cellules (télangiectasie maculaire de type II)</i>
revakinagén taroretcel	Línea celular epitelial alogénica de pigmento retiniano adulto (RPE) humano transfectada de forma estable con un plásmido que codifica para el factor neurotrófico ciliar (CNTF) humano. Una línea celular epitelial alogénica de pigmento retiniano adulto (RPE) humano transfectada de forma estable con un plásmido que codifica para el factor neurotrófico ciliar (CNTF) humano fusionado en marco de lectura al péptido señal VDJ4AC1 del factor mu de la inmunoglobulina murina, bajo el control de un promotor de la metalotionina de ratón y una señal de poliadenilación de la hormona de crecimiento humana. El plásmido contiene también tres casetes de expresión eucariotas para los marcadores de selección de resistencia a neomicina, DHFR (dihidrofolato reductasa) de ratón y HSV-TK (timidin quinasa), más los componentes bacterianos del esqueleto de pUC18, incluyendo el gen de resistencia a ampicilina (AmpR), el origen de replicación (ORI) y el gen LacZ (fragmento alfa de la β-galactosidasa). <i>terapia génica basada en células (telangiectasia macular tipo II)</i>
rezvilutamidum	
rezvilutamide	4-(3-{4-[(2S)-2,3-dihydroxypropoxy]phenyl}-4,4-dimethyl-5-oxo-2-sulfanylideneimidazolidin-1-yl)-2-(trifluoromethyl)benzonitrile <i>antiandrogen</i>
rezvilutamide	4-(3-{4-[(2S)-2,3-dihydroxypropoxy]phényl}-4,4-diméthyl-5-oxo-2-sulfanylidèneimidazolidin-1-yl)-2-(trifluorométhyl)benzonitrile <i>antiandrogène</i>
rezvilutamida	4-(3-{4-[(2S)-2,3-dihidroxiopropoxi]fenil}-4,4-dimetil-5-oxo-2-sulfanilidenoimidazolidin-1-il)-2-(trifluorometil)benzonitrilo <i>antiandrógeno</i>

$C_{22}H_{20}F_3N_3O_4S$

1572045-62-5

**rineterkibum #**

rineterkib

4-{3-amino-6-[(1*S*,3*S*,4*S*)-3-fluoro-4-hydroxycyclohexyl]pyrazin-2-yl}-*N*-[(1*S*)-1-(3-bromo-5-fluorophenyl)-2-(methylamino)ethyl]-2-fluorobenzamide
antineoplastic

rinéterkib

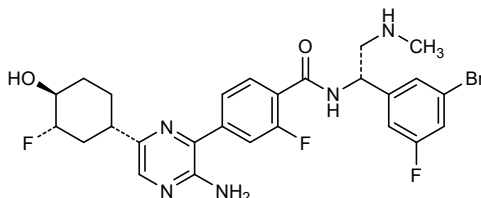
4-{3-amino-6-[(1*S*,3*S*,4*S*)-3-fluoro-4-hydroxycyclohexyl]pyrazin-2-yl}-*N*-[(1*S*)-1-(3-bromo-5-fluorophényl)-2-(méthylamino)éthyl]-2-fluorobenzamide
antineoplasique

rineterkib

4-{3-amino-6-[(1*S*,3*S*,4*S*)-3-fluoro-4-hidroxiciclohexil]pirazin-2-il}-*N*-[(1*S*)-1-(3-bromo-5-fluorofenil)-2-(metilamino)etil]-2-fluorobenzamida
antineoplásico

 $C_{26}H_{27}BrF_3N_5O_2$

1715025-32-3

**rintodestrantum**

rintodestrant

(2*E*)-3-(4-([2-(4-fluoro-2,6-dimethylbenzoyl)-6-hydroxy-1-benzothiophen-3-yl]oxy}phenyl)prop-2-enoic acid
antiestrogen

rintodestrant

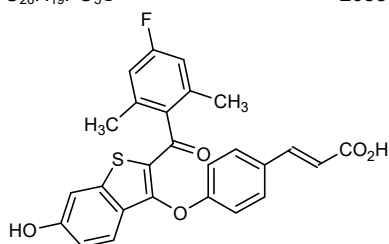
acide (2*E*)-3-(4-([2-(4-fluoro-2,6-diméthylbenzoyl)-6-hydroxy-1-benzothiophén-3-yl]oxy}phényl)prop-2-énoïque
anti-oestrogène

rintodestrant

ácido (2*E*)-3-(4-([2-(4-fluoro-2,6-dimetilbenzoi)-6-hidroxil-1-benzotiofen-3-il]oxi}fenil)prop-2-enoico
antiestrógeno

C₂₆H₁₉FO₅S

2088518-51-6

**roducitabinum**

roducitabine

4-amino-1-[(1*S*,4*R*,5*S*)-2-fluoro-4,5-dihydroxy-3-(hydroxymethyl)cyclo-pent-2-en-1-yl]pyrimidin-2(1*H*)-one,
4'-a-fluoro-4',4'-a-didehydro-4'-*O*-carbacytidine
antineoplastique

roducitabine

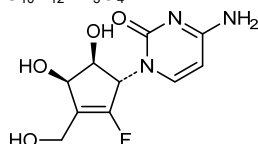
4-amino-1-[(1*S*,4*R*,5*S*)-2-fluoro-4,5-dihydroxy-3-(hydroxyméthyl)cyclo-pent-2-én-1-yl]pyrimidin-2(1*H*)-one,
4'-a-fluoro-4',4'-a-didéhydro-4'-*O*-carbacytidine
antineoplasique

roducitabina

4-amino-1-[(1*S*,4*R*,5*S*)-2-fluoro-4,5-dihidroxi-3-(hidroximetil)ciclopent-2-en-1-il]pirimidin-2(1*H*)-ona,
4'-a-fluoro-4',4'-a-didehidro-4'-*O*-carbaciditina
antineoplásico

C₁₀H₁₂FN₃O₄

865838-26-2

**senaparibum**

senaparib

5-fluoro-1-({4-fluoro-3-[4-(pyrimidin-2-yl)piperazine-1-carbonyl]phenyl)methyl}quinazoline-2,4(1*H*,3*H*)-dione
antineoplastique

sénaparib

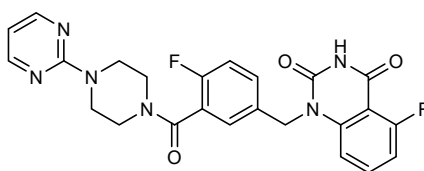
5-fluoro-1-({4-fluoro-3-[4-(pyrimidin-2-yl)pipérazine-1-carbonyl]phényl)méthyl}quinazoline-2,4(1*H*,3*H*)-dione
antineoplasique

senaparib

5-fluoro-1-({4-fluoro-3-[4-(pirimidin-2-il)piperazina-1-carbonil]fenil}metil}quinazolina-2,4(1*H*,3*H*)-diona
antineoplásico

$C_{24}H_{20}F_2N_6O_3$

1401682-78-7



sivopixantum
sivopixant

(2S)-3-[(4E)-3-[(4-chlorophenyl)methyl]-2,6-dioxo-4-({4-[(pyridin-2-yl)oxy]phenyl}imino)-1,3,5-triazinan-1-yl]-2-methylpropanoic acid
purinoreceptor antagonist

sivopixant

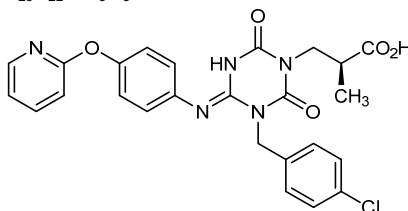
acide (2S)-3-[(4E)-3-[(4-chlorophényl)méthyl]-2,6-dioxo-4-({4-[(pyridin-2-yl)oxy]phényl}imino)-1,3,5-triazinan-1-yl]-2-méthylpropanoïque
antagoniste des purinorécepteurs

sivopixant

ácido (2S)-3-[(4E)-3-[(4-clorofenil)metil]-2,6-dioxo-4-({4-[(piridin-2-il)oxi]fenil}imino)-1,3,5-triazinan-1-il]-2-metilpropanoico
antagonista de los purinoreceptores

 $C_{25}H_{22}ClN_5O_5$

2414285-40-6



sizavaleucelum
sizavaleucel

Allogeneic, HLA-matched CD3+ T-cells, derived from G-CSF mobilized peripheral blood stem cells (PBSC) collected by apheresis. Cells are transplant organ donor-derived, non-cultured and cryopreserved with CD34+ hematopoietic stem cells (HSC) (*firzotemcel* (121)(83)) obtained from the same HLA-matched donor. Intended for delivery to a single HLA-matched recipient.
cell therapy (immunomodulator)

sizavaleucel

Des cellules T CD3+ allogéniques, exprimant des antigènes HLA compatibles, dérivées de cellules souches du sang périphérique (PBSC) mobilisées par le G-CSF et collectées par aphérèse. Les cellules sont dérivées de donneurs d'organes de transplantation, ne sont pas cultivées et sont cryoconservées avec des cellules souches hématopoïétiques (HSC) CD34+ (*firzotemcel* (121)(83)) qui proviennent du même donneur compatible pour les antigènes HLA. Destinées à être données à un seul receveur compatible pour les antigènes HLA.
thérapie cellulaire (immunomodulateur)

sizavaleucel

Células T CD3+ alogénicas, con HLA compatible, derivadas de células madre de sangre periférica (PBSC) movilizadas con G-CSF y recogidas por aféresis. Las células proceden de donantes de órganos para trasplante, no se cultivan y se criopreservan con células madre hematopoyéticas (HSC) CD34+ (*firzotemcel* (121)(83)) obtenidas del mismo donante HLA compatible. Destinadas para administrarse a un sólo receptor HLA compatible.
terapia celular (inmunomodulador)

sotigalimabum #
sotigalimab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (tumor necrosis factor receptor superfamily member 5, TNFRSF5)], humanized monoclonal antibody; gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-30*01 (79.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 S29>E (270) (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-27*01 (91%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.13] (27-32.50-52.89-101) (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimer (229-229':232-232')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-derived cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

sotigalimab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (membre 5 de la superfamille des récepteurs du TNF, TNFRSF5)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens*IGHV3-30*01 (79.8%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 S29>E (270) (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-27*01 (91%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.13] (27-32.50-52.89-101) (1'-108') (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (229-229':232-232')-bisdisulfure, produite dans une lignée cellulaire dérivée des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

sotigalimab

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (miembro 5 de la superfamilia de los receptores del TNF, TNFRSF5)], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (79.8%) -(IGHD) - IGHJ1*01 (90.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 S29>E (270) (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (91%) -IGKJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.13] (27-32.50-52.89-101) (1'-108') (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *inmunomodulador, antineoplásico*

2305607-45-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada	
QVQLVESGGG VVQPGRLRL SCAASGFSFS STYVCWVRQA PGKLEWIAIC	50
IYTGDTNYS ASWAKGRFTI SKDSSKNTVY LQMNSLRAED TAVYFCARPD	100
ITYGFAINFV PGGLTVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK	150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT	200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP	250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVE HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN	300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ	350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTFPV	400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALNHYT QKSLSLSPGK	450
Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera	
DIQMTQSPSS LSASVGDRTV IKCQASQSI SRLAWYQKP GKPKLLIYR	50
ASTLASGVPS RFGSGSGTD FTLTISSLQF EDVATYYCQ TGYGISWPIG	100
GQTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK	150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSSTL TSKADYEK H KYYACEVTHQ	200
GLSSPVTKSF NRGEK	215
Post-translational modifications	
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro	
Intra-H (C23-C104)	22-96 35-50 147-203 264-324 370-428
	22"-96" 35"-50" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104)	23-88" 135"-195"
	23"-88" 135"-195"
Inter-H-L (h 5-CL 126)	223-215' 223"-215"
Inter-H-H (h 11, h 14)	229-229" 232-232"
N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutaminyl (pE, 5-oxoprolinyl)	
H VH Q1:	
I, I"	
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación	
H VH N65:	
58, 58"	
H CH2 N84.4:	
300, 300"	
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenaríos complejos fucosilados.	
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal	
H CHS K2:	
450, 450"	

sotorasibum
sotorasib

(1*M*)-6-fluoro-7-(2-fluoro-6-hydroxyphenyl)-1-[4-methyl-2-(propan-2-yl)pyridin-3-yl]-4-[(2*S*)-2-methyl-4-(prop-2-enoyl)piperazin-1-yl]pyrido[2,3-*d*]pyrimidin-2(1*H*)-one
antineoplastic

sotorasib

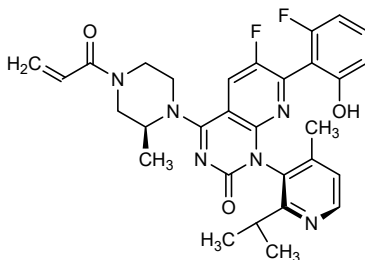
(1*M*)-6-fluoro-7-(2-fluoro-6-hydroxyphényl)-1-[4-méthyl-2-(propan-2-yl)pyridin-3-yl]-4-[(2*S*)-2-méthyl-4-(prop-2-énoyl)pipérazin-1-yl]pyrido[2,3-*d*]pyrimidin-2(1*H*)-one
antinéoplasique

sotorasib

(1*M*)-6-fluoro-7-(2-fluoro-6-hidroxifenil)-1-[4-metil-2-(propan-2-il)piridin-3-il]-4-[(2*S*)-2-metil-4-(prop-2-enil)piperazin-1-il]pirido[2,3-*d*]pirimidin-2(1*H*)-ona
antineoplásico

C₃₀H₃₀F₂N₆O₃

2296729-00-3



sulanemadlinum

sulanemadlin

C^{2.11}, C^{2.4}-[(4*E*)-undec-4-ene-1,11-diyl](*N*-acetyl-L-leucyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-tyrosyl-L-tryptophyl-L-alanyl-L-glutaminyl-L-leucyl-D-alanyl-L-alanyl-L-alanyl-L-alanyl-L-alanyl-L-alanyl-D-alaninamide)
antineoplástico

sulanémadline

C^{2.11}, C^{2.4}-[(4*E*)-undéc-4-ène-1,11-diyl](*N*-acétyl-L-leucyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-tyrosyl-L-tryptophyl-L-alanyl-L-glutaminyl-L-leucyl-D-alanyl-L-alanyl-L-alanyl-L-alanyl-L-alanyl-L-alanyl-D-alaninamide)
antineoplasique

sulanemadlina

C^{2.11}, C^{2.4}-[(4*E*)-undec-4-eno-1,11-diil](*N*-acetil-L-leucil-L-treonil-L-fenilalanil-L-alanil-L-α-glutamil-L-tirosil-L-triptofil-L-alanil-L-glutaminil-L-leucil-D-alanil-L-alanil-L-alanil-L-alanil-L-alanil-L-alanil-D-alaninamida)
antineoplásico

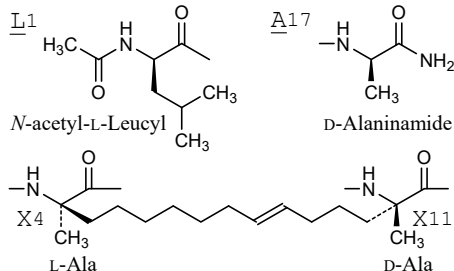
C₉₅H₁₄₀N₂₀O₂₃

1451199-98-6

Sequence / Séquence / Secuencia

LTFXEYWAQL XAAAAAAA

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



suntinorextonum

suntinorexton

N-[(2*S*,3*S*)-2-[(2,3'-difluoro[1,1'-biphenyl]-3-yl)methyl]-1-(2-hydroxy-2-methylpropanoyl)pyrrolidin-3-yl]ethanesulfonamide
orexin receptor agonist

suntinorexton

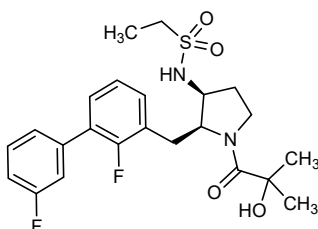
N-[(2*S*,3*S*)-2-[(2,3'-difluoro[1,1'-biphényl]-3-yl)méthyl]-1-(2-hydroxy-2-méthylpropanoïl)pyrrolidin-3-yl]éthanesulfonamide
agoniste du récepteur de l'orexine

suntinorextón

N-[(2*S*,3*S*)-2-[(2,3'-difluoro[1,1'-bifenil]-3-il)metil]-1-(2-hidroxi-2-metilpropanoil)pirrolidin-3-il]etanosulfonamida
agonista del receptor de la orexina

C₂₃H₂₈F₂N₂O₄S

2274802-89-8

**suratadenoturevum #**

suratadenoturev

A replication-competent adenovirus type 5 in which the E1A and E1B genes are under the control of a human telomerase reverse transcriptase (hTERT) and IRES, respectively.

A recombinant replication-competent adenovirus type 5 (Ad-5) in which the E1 gene, including its normal transcriptional regulatory element, has been deleted and replaced by an expression cassette containing an hTERT (human telomerase reverse transcriptase) promoter, the Ad E1A gene, an IRES (internal ribosome entry site) and the Ad E1B gene. E1A expression is controlled by the hTERT promoter; E1B translation is effected by the IRES.

virus-based therapy (antineoplastic)

suratadénoturev

Un adénovirus de type 5 réplcatif dans lequel les gènes E1A et E1B sont, respectivement, sous le contrôle de la transcriptase inverse de la télomérase humaine (hTERT) et d'IRES.

Un adénovirus recombinant réplcatif de type 5 (Ad-5) dans lequel le gène E1, y compris son élément normal de régulation de la transcription, a été supprimé et remplacé par une cassette d'expression contenant un promoteur hTERT (transcriptase inverse de la télomérase humaine), le gène Ad E1A, un IRES (site d'entrée interne du ribosome) et le gène Ad E1B. L'expression de E1A est contrôlée par le promoteur hTERT; la traduction de E1B est effectuée par l'IRES.
thérapie à base de virus (antinéoplasique)

suratadenoturev

Un adenovirus tipo 5 competente de replicación en el que los genes E1A y E1B están bajo el control de la telomerasa transcriptasa inversa humana (hTERT) e IRES, respectivamente.

Un adenovirus tipo 5 (Ad-5) recombinante competente de replicación en el que el gen E1, incluyendo su elemento de regulación transcripcional normal, ha sido deletado y reemplazado por un casete de expresión que contiene un promotor de hTERT (telomerasa transcriptasa inversa humana), el gen Ad E1A, un IRES (sitio interno de entrada al ribosoma) y el gen Ad E1B. La expresión de E1A esta controlada por el promotor hTERT; La traducción de E1B se efectúa por el IRES.

terapia basada en virus (antineoplásico)

1268642-13-2

taletrectinibum

taletrectinib

3-{4-[(2*R*)-2-aminopropoxy]phenyl}-*N*-[(1*R*)-1-(3-fluorophenyl)ethyl]imidazo[1,2-*b*]pyridazin-6-amine
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

talétrectinib

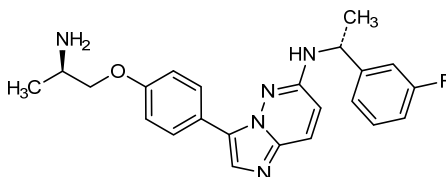
3-{4-[(2*R*)-2-aminopropoxy]phényl}-*N*-[(1*R*)-1-(3-fluorophényl)éthyl]imidazo[1,2-*b*]pyridazin-6-amine
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

taletrectinib

3-{4-[(2*R*)-2-aminopropoxi]fenil}-*N*-[(1*R*)-1-(3-fluorofenil)etil]imidazo[1,2-*b*]piridazin-6-amina
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₃H₂₄FN₅O

1505514-27-1

**taniraleucelum**

taniraleucel

Allogeneic natural killer (NK) cells derived from CD34+ umbilical cord blood (UCB) hematopoietic stem/progenitor cells.

The cells are expanded and differentiated in the presence of cytokines including thrombopoietin, SCF, Flt3 ligand, IL-7, IL-15 and IL-2 (average population doublings 15) to generate the NK cell population. Cells (on average >95% of the cells) are CD56+/CD3- and have detectable levels of CD94, NKG2D and CD16. The cells secrete IFN-γ, perforin and granzyme B, and have cytolytic activity against human tumour cell lines.

cell therapy (immunomodulator, antineoplastic)

taniraleucel

Cellules tueuses naturelles (NK) allogéniques dérivées de cellules souches/progénitrices hématopoïétiques CD34+ du sang de cordon ombilical (UCB).

	Les cellules sont amplifiées et différenciées en présence de cytokines, notamment la thrombopoïétine, le SCF, le ligand de Flt3, l'IL-7, l'IL-15 et l'IL-2 (la population double en moyenne 15 fois) pour générer la population de cellules NK. Les cellules (en moyenne >95% des cellules) sont CD56+/CD3- et ont des niveaux détectables de CD94, NKG2D et CD16. Les cellules sécrètent l'IFN-γ, la perforine et la granzyme B, et ont une activité cytolytique contre les lignées de cellules tumorales humaines. <i>thérapie cellulaire (immunomodulateur, antineoplasique)</i>
taniraleucel	Células natural killer (NK) alogénicas derivadas de células madre/progenitoras hematopoyéticas de sangre de cordón umbilical (UCB). Las células se expanden y diferencian en presencia de citoquinas incluyendo trombopoyetina, SCF, ligando de Flt3, IL-7, IL-15 e IL-2 (la media de duplicaciones de la población es 15 veces) hasta generar la población de células NK. Las células (como media >95% de las células) son CD56+/CD3- y tienen niveles detectables de CD94, NKG2D y CD16. Las células secretan IFN-γ, perforina y granzima B, y tienen actividad citolítica frente a líneas celulares tumorales humanas. <i>terapia celular (inmunomodulador, antineoplásico)</i>
tarlatamabum # tarlatamab	immunoglobulin scFv-scFv-scFc, anti-[<i>Homo sapiens</i> DLL3 (delta-like ligand 3)] and anti-[<i>Homo sapiens</i> CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody single chain (scFv)2-scFc, bispecific; IG single chain scFv-scFv-scFc, anti-DLL3 and anti-CD3E (1-982) [scFv-VH-V-kappa anti-DLL3 (1-241) [VH (<i>Homo sapiens</i>IGHV4-59*01 G49>C (44) (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) -15-mer-tris(tetraglycyl-seryl) linker (119-133)-V-KAPPA (<i>Homo sapiens</i>IGKV3-20*01 (91.7%) -IGKJ2*01 Q120>C (234) (90.9%)) CDR-IMGT [7.3.9] (160-166.184-186.223-231) (134-241)] -6-mer-seryl-tetraglycyl-seryl linker (242-247) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (248-496) [VH (<i>Mus musculus</i>IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%))/<i>Homo sapiens</i> IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (273-280.298-307.346-361) (248-372)-15-mer-tris(tetraglycyl-seryl) linker (373-387) -V-LAMBDA (<i>Homo sapiens</i> IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (413-421.439-441.478-486) (388-496)] -4-mer-tetraglycyl linker (497-500) -scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (501-982) [<i>Homo sapiens</i>IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (hinge 6-15 (501-510), CH2 R83>C (572), N84.4>G (577), V85>C (582) (511-620), CH3 E12 (636), M14 (638) (621-725), CHS>del) (501-725) -30-mer-hexakis(tetraglycyl-seryl) linker (726-755) -<i>Homo sapiens</i>IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (hinge 6-15 (756-765), CH2 R83>C (827), N84.4>G (832), V85>C (837) (766-875), CH3 E12 (891), M14 (893) (876-980), CHS (981-982)) (756-982)]], non-glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells <i>immunomodulator, antineoplastic</i>

tarlatamab

immunoglobuline scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* DLL3 (delta-like ligand 3)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal à chaîne unique (scFv)₂-scFc, bispécifique;
 IG à chaîne unique scFv-scFv-scFc, anti-DLL3 et anti-CD3E (1-982) [scFv-VH-V-kappa anti-DLL3 (1-241) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-59*01 G49>C (44) (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) -15-mer-tris(tétraglycyl-séryl) linker (119-133)-V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (91.7%) -IGKJ2*01 Q120>C (234) (90.9%)) CDR-IMGT [7.3.9] (160-166.184-186.223-231) (134-241)] -6-mer-séryl-tétraglycyl-séryl linker (242-247) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (248-496) [VH (*Mus musculus*IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens*IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (273-280.298-307.346-361) (248-372) -15-mer-tris(tétraglycyl-séryl) linker (373-387) -V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (413-421.439-441.478-486) (388-496)] -4-mer-tétraglycyl linker (497-500) - scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (501-982) [*Homo sapiens*IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (charnière 6-15 (501-510), CH2 R83>C (572), N84.4>G (577), V85>C (582) (511-620), CH3 E12 (636), M14 (638) (621-725), CHS>del) (501-725) -30-mer-hexakis(tétraglycyl-séryl) linker (726-755) -*Homo sapiens*IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (charnière 6-15 (756-765), CH2 R83>C (827), N84.4>G (832), V85>C (837) (766-875), CH3 E12 (891), M14 (893) (876-980), CHS (981-982)) (756-982)]], non-glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO)
immunomodulateur, antinéoplasique

tarlatamab

inmunoglobulina scFv-scFv-scFc, anti-[*Homo sapiens* DLL3 (delta-like ligando 3)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal con cadena única (scFv)₂-scFc, biespecífica;
 IG con cadena única scFv-scFv-scFc, anti-DLL3 y anti-CD3E (1-982) [scFv-VH-V-kappa anti-DLL3 (1-241) [VH (*Homo sapiens*IGHV4-59*01 G49>C (44) (96.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.7.12] (26-33.51-57.96-107) (1-118) -15-mer-tris(tetraglicil-seril) linker (119-133)-V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV3-20*01 (91.7%) -IGKJ2*01 Q120>C (234) (90.9%)) CDR-IMGT [7.3.9] (160-166.184-186.223-231) (134-241)] -6-mer-seril-tetraglicil-seril linker (242-247) -scFv-VH-V-lambda anti-CD3E (248-496) [VH (*Mus musculus*IGHV10-1*02 (91.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (86.7%)/*Homo sapiens*IGHV3-73*01 (87%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%)) CDR-IMGT [8.10.16] (273-280.298-307.346-361) (248-372) -15-mer-tris(tetraglicil-seril) linker (373-387) -V-LAMBDA (*Homo sapiens*IGLV7-43*01 (85.1%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.9] (413-421.439-441.478-486) (388-496)] -4-mer-tetraglicil linker (497-500) - scFc (h-CH2-CH3)-(h-CH2-CH3) (501-982) [*Homo sapiens*IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (bisagra 6-15 (501-510), CH2 R83>C (572), N84.4>G (577), V85>C (582) (511-620), CH3 E12 (636), M14 (638) (621-725), CHS>del) (501-725) -30-mer-hexakis(tetraglicil-seril) linker (726-755) -*Homo sapiens*IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (bisagra 6-15 (756-765), CH2 R83>C (827), N84.4>G (832), V85>C (837) (766-875), CH3 E12 (891), M14 (893) (876-980), CHS (981-982)) (756-982)]], no glicosilado, producido en las células ováricas de hamster chino (CHO)
inmunomodulador, antineoplásico

2307488-83-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada			
QVQLQESGPG	LVPKSETLSL	TCTVSGGSIS	SYYSWIRQPG
VYYSGTNTYN	PSLKSRTVIS	VDTSKNQFSL	KLSSVTAADT
TGFYFDYWGQ	GLVTVSSGG	GGSGGGSGSG	GGSEIVLTQS
RVTLSCRASQ	RVNNNYLAWY	QQRPGQAPRL	LIYGASSRAT
SGTDFTLTIS	RLEPEDFAVY	YQCYDRSPL	TFCGCTKLEI
LVESGGGLVQ	PGGSLKLSCA	ASGTFNRYA	MNVRQAPGK
KYNNYATYYA	DSVKDRFTIS	RDDSKNTAYL	QMNILKTEDT
FGNSIYSIYWA	YWGQGLTVTV	SSGGGGSGSG	SGGGGGSQTV
PGGTVTLTTCG	SSTGAVTSGN	YPNVWQKPG	QAPRGLIGGT
FSGSLLGGKA	ALTLGSGVPE	DEAEYICVLW	YSNRWFVGGG
DKHTCTPPCP	APELLGGPSV	FLFPPKPKDT	LMISRTPEVT
PEVKFNWYVD	GVEVHNATK	PCEEQYGSTY	RCVSVLTVLH
CKVSNKALPA	PIEKTISKAK	GQPREPQVYT	LPPSREEMTK
GFYPSDIAVE	WESNGQPENN	YKTPPVLD	DGSFFLYSKL
NVFSCVMHE	ALHNHYTQKS	LSLSPGGGS	GGGSGGGGS
GGGSGDKTHT	CPPCPAPELL	GGPSVFLFPP	KPKDTLMISR
VSHEDPEVKF	NWYVDGVEVH	NAKTKPCEEQ	YGSYTRCVSV
GKEYCKKVSN	KALPAPIEKT	ISKAKGQPRE	PQVYTLPPSR
TCLVKGEYFS	DIAVEWESNG	QPENNYKTFP	PVLDSGDSFF
RWQQGNVFSC	SVMHEALHNN	YTQKSLSLSP	GK
Post-translational modifications			
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro			
Intra-V (C23-C104)	22-95	156-222	269-345 409-477
Intra-C (C23-C104)	541-601	647-705	796-856 902-960
Intra-CH2 (C83-C85)	572-582	827-837	
Inter-VH-VL (C49-C120)	44-234		
Inter-h11 (h 11 - h 11)	506-761		
Inter-h14 (h 14 - h 14)	509-764		
No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningún posición de N-glicosilación			
CH2 N84.4>G:			
577, 832			
Aglycosylated			
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal			
CHS K2:			
982			

telpegfilgrastimum #
telpegfilgrastim

human granulocyte colony-stimulating factor (G-CSF, pluripoietin) short isoform, variant (A¹>M), produced in *Escherichia coli*, pegylated with one N-[[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-oxy]acetyl]-N-[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-yl]glycyl group at N² of M¹ (85-95%) or at N⁶ of K¹⁷ (3-13%) or at N⁶ of K²⁴, K³⁵ and K⁴¹ (total not more than 5 %);
[1-L-methionine]human granulocyte colony-stimulating factor (G-CSF, pluripoietin) short isoform, produced in *Escherichia coli*, substituted with one N-[[α-methylpoly(oxyeth-ylene)-ω-oxy]acetyl]-N-[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-yl]glycyl group at N² of Met¹ (85-95 %) or at N⁶ of Lys¹⁷ (3-13 %) or one other lysine residue (total not more than 5 %)
granulocyte colony stimulating factor

telpegfilgrastim

isoforme courte du facteur de stimulation des colonies de granulocytes humain (G-CSF, pluripoiétine), variant (A¹>M), produite dans *Escherichia coli*, pégylé avec un groupe N-[[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-oxy]acétyle]-N-[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-yl]glycyle en N² de M¹ (85-95%) ou en N⁶ de K¹⁷ (3-13%) ou en N⁶ de K²⁴, K³⁵ et K⁴¹ (pas plus de 5 % au total);
[1-L-méthionine]isoforme courte du facteur de stimulation des colonies de granulocytes humain (G-CSF, pluripoiétine), produite dans *Escherichia coli*, substituée par un groupe N-[[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-oxy]acétyle]-N-[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-yl]glycyle en N² du Mét¹ (85-95 %) ou en N⁶ du Lys¹⁷ (3-13 %) ou d'un autre résidu de lysine (pas plus de 5 % au total)
facteur de stimulation des colonies de granulocytes

tenvumestrocelum

tenvumestrocel

Allogeneic human mesenchymal stromal cells derived from umbilical cord blood (hUCB-MSCs).
The cells are isolated by density-gradient centrifugation and expanded by sub-culturing of the adherent cell population. Cells (on average > 95%) express mesenchymal stromal cell related antigens (CD105 and CD73). The cells are also positive for the CD29 antigen (integrin beta-1), the CD44 antigen (cell adhesion glycoprotein), the CD13 and CD90 antigens, and the HLA-ABC histocompatibility antigen. Cells do not express (on average < 1%) hematopoietic antigens (CD45, CD34 and CD14), histocompatibility antigen (HLA-DR), endothelial cell antigen (CD31), osteoclast antigen (CD51/61), and CD64.
cell therapy (tissue regeneration)

tenvumestrocel

Cellules stromales mésenchymateuses humaines allogéniques dérivées du sang de cordon ombilical (hUCB-MSCs).
Les cellules sont isolées par centrifugation à gradient de densité et amplifiées par sous-culture de la population des cellules adhérentes. Les cellules (en moyenne > 95%) expriment des antigènes liés aux cellules stromales mésenchymateuses (CD105 et CD73). Les cellules sont également positives pour l'antigène CD29 (intégrine beta-1), l'antigène CD44 (glycoprotéine d'adhésion cellulaire), les antigènes CD13 et CD90, et l'antigène d'histocompatibilité HLA-ABC. Les cellules n'expriment pas (en moyenne < 1%) les antigènes hématopoïétiques (CD45, CD34 et CD14), l'antigène d'histocompatibilité (HLA-DR), l'antigène des cellules endothéliales (CD31), l'antigène des ostéoclastes (CD51/61), ni l'antigène CD64.
thérapie cellulaire (régénération tissulaire)

tenvumestrocel

Células estromales mesenquimales humanas alogénicas derivadas de sangre de cordón umbilical (hUCB-MSCs).
Las células se aíslan por centrifugación en un gradiente de densidad y se expanden mediante subcultivo de las poblaciones adherentes. Las células (de media >95%) expresan los antígenos relacionados con las células estromales mesenquimales (CD105 y CD73). Las células son también positivas para los antígenos CD29 (integrina beta-1), CD44 (receptor de matriz extracelular), CD13 y CD90, y para el antígeno de histocompatibilidad HLA-ABC. Las células no expresan (de media <1%) antígenos hematopoyéticos (CD45, CD34 y CD14), antígeno de histocomaptibilidad (HLA-DR), antígeno de células endoteliales (CD31), antígeno de osteoclastos (CD51/61), ni CD64.
terapia celular (regeneración tisular)

teplinovivintum

teplinovivint

N-(6-methoxypyridin-3-yl)-5-{5-[(piperidin-1-yl)methyl]pyridin-3-yl}-1*H*-indazole-3-carboxamide
Wnt pathway inhibitor

téplinovivint

N-(6-méthoxypyridin-3-yl)-5-{5-[(pipéridin-1-yl)méthyl]pyridin-3-yl}-1*H*-indazole-3-carboxamide
inhibiteur de la voie Wnt

Proposed INN: List 123

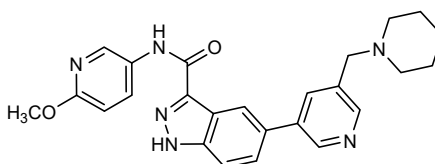
teplinovivint

WHO Drug Information, Vol. 34, No. 2, 2020

N-(6-metoxipiridin-3-il)-5-{5-[(piperidin-1-il)metil]piridin-3-il}-1*H*-indazol-3-carboxamida
inhibidor de la vía Wnt

C₂₅H₂₆N₆O₂

1428064-91-8



terevalefimum

terevalefim

3-[(1*E*)-2-(thiophen-2-yl)ethen-1-yl]-1*H*-pyrazole
hepatocyte growth factor mimetic

térévaléfim

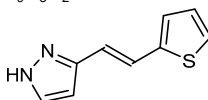
3-[(1*E*)-2-(thiophén-2-yl)éthén-1-yl]-1*H*-pyrazole
mimétique du facteur de croissance des hépatocytes

terevalefim

3-[(1*E*)-2-(tiofen-2-il)eten-1-il]-1*H*-pirazol
mimético del factor de crecimiento hepatocito

C₉H₈N₂S

1070881-42-3



tilpisertibum

tilpisertib

6-[[[(S)-[1-(bicyclo[1.1.1]pentan-1-yl)-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl](2-methyl-1-oxo-1,2-dihydroisoquinolin-5-yl)methyl]amino]-8-chloro-4-[(2,2-dimethylpropyl)amino]quinoline-3-carbonitrile
serine/threonine kinase inhibitor

tilpisertib

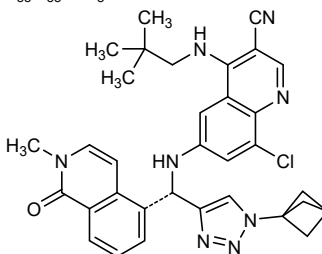
6-[[[(S)-[1-(bicyclo[1.1.1]pentan-1-yl)-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl](2-méthyl-1-oxo-1,2-dihydroisoquinoléin-5-yl)méthyl]amino]-8-chloro-4-[(2,2-diméthylpropyl)amino]quinoléine-3-carbonitrile
inhibiteur de la sérine/thréonine kinase

tilpisertib

6-[[[(S)-[1-(biciclo[1.1.1]pentan-1-il)-1*H*-1,2,3-triazol-4-il](2-metil-1-oxo-1,2-dihidroisoquinolein-5-il)metil]amino]-8-cloro-4-[(2,2-dimetilpropil)amino]quinoleína-3-carbonitrilo
inhibidor de la serina/treonina kinase

C₃₃H₃₃ClN₈O

2065153-41-3



tusamitamabum #
tusamitamab

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CEACAM5 (carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 5, CEA, CD66e)], monoclonal antibody;
gamma1 heavy chain (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV5-12-1*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (77.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS K>del (449) (121-449)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-derived cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

tusamitamab

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CEACAM5 (molécule d'adhésion cellulaire 5 apparentée à l'antigène carcinoembryonnaire, CEA, CD66e)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV5-12-1*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (77.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS K>del (449) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produite dans une lignée cellulaire dérivée des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

tusamitamab

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CEACAM5 (molécula de adhesión celular 5 relacionada con el antígeno carcinoembrionario, CEA, CD66e)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada gamma1 (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV5-12-1*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (77.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS K>del (449) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];

tusamitamab

dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
immunomodulador, antineoplásico

2349294-95-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLQESGPG LVKPGGSLSL SCAASGFVFS SYDMSWVRQT PERGLEWVAY 50
ISSGGGITYA PSTVKGRFTV SRDRAKNTLY LQMNSLTSED TAVYYCAAHY 100
FGSSGPFAYW GQGTLVTVSS ASTKGPSTVP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPTVTS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSVVVT VFSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCPC PCPAPPELLGG PSVFLFPPK 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYCKVSNKA LPAPIEKTIK KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTCL VKGFYPSDI AVENESNGQP ENNYKTTTPV 400
LSDSGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPAS LSASVGRDVT ITCRASENIF SYLAWYQQKP GKSPKLLVYN 50
TRTLAEGVPS RFGSGSGSTD FSLTISSLQP EDFATYYCQH HYGTPFTFGS 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNFEY PREAKVQNKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYLSLSLT LT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEK 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"

23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223"-214" 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 229"-229" 232"-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

tusamitamabum ravtansinum #

tusamitamab ravtansine

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CEACAM5 (carcinoembryonic antigen-related cell adhesion molecule 5, CEA, CD66e)], monoclonal antibody, conjugated to maytansinoid DM4;
gamma1 heavy chain (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV5-12-1*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (77.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS K>del (449) (121-449)], (223-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in a Chinese hamster ovary (CHO) cell line derived from CHO-K1SV, glycoform alfa; conjugated, on an average of 3 to 4 lysyl, to maytansinoid DM4 [N2'- deacetyl-N2'-(4-mercapto-4-methyl-1-oxopentyl)- maytansine] via the reducible SPDB linker [N-succinimidyl 4-(2-pyridylthio)butanoate]
For the ravtansine part, please refer to the document "*INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others*"*
antineoplastic

tusamitamab ravtansine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CEACAM5 (molécule d'adhésion cellulaire 5 apparentée à l'antigène carcinoembryonnaire, CEA, CD66e)], anticorps monoclonal, conjugué au maytansinoïde DM4; chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV5-12-1*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (77.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS K>del (449) (121-449)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1SV, glycoforme alfa; conjugué, sur 3 ou 4 lysyl en moyenne, au maytansinoïde DM4 [N2'-déacétyl-N2'-(4-mercapto-4-méthyl-1-oxopentyl)- maytansine] via le linker SPDB réductible [4-(2- pyridyldithio)butanoate de N-succinimidyle]

Pour la partie ravtansine, veuillez-vous référer au document "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others"

antineoplasique

tusamitamab ravtansina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CEACAM5 (molécula de adhesión celular 5 con el antígeno carcinoembrionario, CEA, CD66e)], anticuerpo monoclonal, conjugado con maitansinoide DM4; cadena pesada gamma1 (1-449) [VH (*Mus musculus* IGHV5-12-1*01 (86.6%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%)/*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (77.3%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS K>del (449) (121-449)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.1%) -IGKJ2*02 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9](27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámsters chinos (CHO) línea celular derivada de CHO-K1SV, forma glicosilada alfa; conjugado, en 3 a 4 residuos lisil por término medio, con maitansinoide DM4 [N2'-deacetil-N2'-(4-mercapto-4-metil-1-oxopentil)- maitansina] mediante un conector SPDB reducible [4-(2- pirididitio)butanoato de N-succinimidilo]

Para la fracción ravtansina, se ruega referirse al documento "INN for pharmaceutical substances: Names for radicals, groups and others"

antineoplásico

2254086-60-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

EVQLQESGPG LVKPGGSLSL SCAASGFVFS SYDMSWVRQT PERGLEWVAY 50
 ISSGGGITYA PSTVKGRFTV SRDNRKNTLY LQMSLTSED TAVYYCAAHY 100
 FGSSGPFAYW GQGTLTVTSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAAIGCLVK 150
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
 YICNVNKKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
 KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
 VYTLPPSRDE LTRNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
 LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFCSCV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPAS LSASVGRDVT ITCRAENIF SYLAWYQQKF GKSPKLLVIN 50
 TRTLAEGVPS RFGSGSGSDT FSLTISLQP EDFATYYCQH HYGTFPTFGS 100
 GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWQV 150
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSK STYLSLSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
 LSSPVTKSFN RGEK 214

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
 22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 134"-194"
 23"-88" 134"-194"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214"

Inter-H-H (h 11, h14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
 complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

For the raptansine part, please refer to the document "INN for pharmaceutical substances:

Names for radicals, groups and others"*

Pour la partie raptansine, veuillez-vous référer au document "INN for pharmaceutical substances:

Names for radicals, groups and others"*

Para la fracción raptansina, se ruega referirse al documento "INN for pharmaceutical substances:

Names for radicals, groups and others"*

upifitamabum rilsodotinum #
 upifitamab rilsodotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC34A2 (solute carrier family 34 sodium phosphate member 2, sodium/phosphate cotransporter 2B, NaPi2b, NaPi3b, NAPI-3B)], monoclonal antibody, conjugated, via a thioether bond, to 3 to 5 flexible polymers PHF-BA-EG2-MI-AF-HPA-Ala, each comprising maleimide (MI) bioconjugation linkers and 3 to 4 auristatin F-hydroxypropylamide-L-alanine (AF-HPA-Ala), with a drug ratio of 12:1 to 15:1; gamma1 heavy chain (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)) CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -glycyl (120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV10-94*01 (84.2%) -IGKJ5*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (83.2%) -IGKJ2*01 (90.9%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -arginyl (108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109"-215')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; conjugated, via a thioether bond, from 3 to 5 flexible biodegradable polymers, poly(1-hydroxymethyl ethylene hydroxymethyl-formal) (PHF)-BA-EG2-MI-AF-HPA-Ala, each comprising maleimide (MI) conjugation linkers and 3 to 4 cytotoxic auristatin F-hydroxypropylamide-L-alanine (AF-HPA-Ala), with a drug ratio of 12:1 to 15:1
antineoplastic

upifitamab rilsodotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC34A2 (membre 2 de la famille 34 sodium phosphate de transporteurs de solutés, cotransporteur 2B de sodium/phosphate, NaPi2b, NaPi3b, NAPI-3B)], anticorps monoclonal, conjugué, via une liaison thiéther, à 3 à 5 polymères flexibles PHF-BA-EG2-MI-AF-HPA-Ala, comprenant chacun des linkers de bioconjugaison maléimide (MI) et 3 à 4 auristatine F- hydroxypropylamide-L-alanine (AF-HPA-Ala), dans un rapport produit actif de 12:1 to 15:1;

chaîne lourde gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)] CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -glycyl (120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV10-94*01 (84.2%) -IGKJ5*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (83.2%) -IGKJ2*01 (90.9%)] CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -arginyl (108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; conjugué, via une liaison thiéther, de 3 à 5 polymères flexibles biodégradables poly(1-hydroxyméthyléthylène hydroxyméthyl-formal) (PHF)-BA-EG2-MI-AF-HPA-Ala, comprenant chacun des linkers de conjugaison maléimide (MI) et 3 à 4 auristatine F- hydroxypropylamide-L-alanine (AF-HPA-Ala) cytotoxiques, dans un rapport produit actif de 12:1 to 15:1

antineoplasique

upifitamab rilsodotina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC34A2 (miembro 2 de la familia 34 sodio fosfato de transportadores de solutos, cotransportador 2B de sodio/fosfato, NaPi2b, NaPi3b, NAPI-3B)], anticuerpo monoclonal, conjugado, a través de un enlace tioéter, de 3 a 5 polímeros flexibles PHF-BA-EG2-MI-AF-HPA-Ala, que comprende cada uno de los enlaces de bioconjugación maleimida (MI) y 3 a 4 auristatina F- hidroxipropilamida-L-alanina (AF-HPA-Ala), en una relación de principio activo de 12:1 a 15:1;

cadena pesada gamma1 (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%)] CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -glicinil (120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS K>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-215') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV10-94*01 (84.2%) -IGKJ5*01 (91.7%)/*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (83.2%) -IGKJ2*01 (90.9%)] CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -arginil (108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa; conjugado, a través de un enlace tioéter, a 3 a 5 polímeros flexibles biodegradables poli(1-hidroximetil-etileno hidroximetil-formal) (PHF)-BA-EG2-MI-AF-HPA-Ala, que comprende cada uno de los enlaces de conjugación maleimida (MI) y 3 a 4 auristatina F- hidroxipropilamida-L-alanina (AF-HPA-Ala) citotóxicos, en una relación de principio activo de 12:1 a 15:1

antineoplásico

2254119-00-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE VVKPGASVKM SCKASGYTFT GYNHWVKQA PGQGLEWIGA 50
IYPNGDTSY KQKFRGRATL TADTSTSTVY MELSSLRSED SAVVYCARGE 100
TARATFAYWG QGTLVTVSSG ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTYS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKRVFP KSCDKHTHCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTF EVTCVVDVDS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGPQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTTPV 400
LDSGGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALNHYT QKSLSLSPG 449

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

DIQMTQSPSS LSASVGRDVT ITCASQDQG NFLNWWQQKP GKTVKVLIYY 50
TSSLYSGVPS RFGSGSGSDT YTLTISSLQF EDFATYYCQQ YSKLPLTGGQ 100
GTKLELKRRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVCLLNFF YPBKAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSLT TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGE 215

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23"-88" 135"-195"
23"-88" 135"-195"

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 223-215" 223"-215"

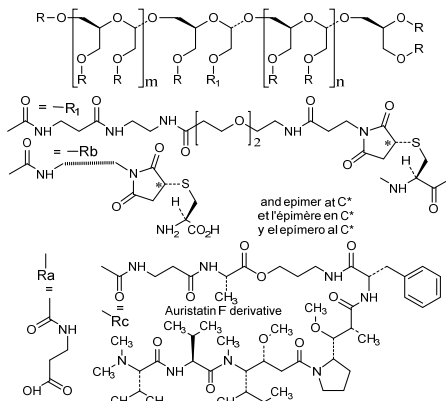
Inter-H-H (h 11, h 14)* 229-229" 232-232"

*Two or three of the inter-chain disulfide bridges are not present, 3 to 5 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to one maleimide linker of one flexible polymer comprising 3 to 4 drug units.

*Deux ou trois des ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 3 à 5 cystéinyl étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-maléimide d'un polymère flexible comprenant 3 à 4 unités de principe actif.

*Faltan dos o tres puentes disulfuro inter-catenarios, 3 a 5 cisteinil está conjugada a conectores de un polímero flexible que contiene 3 a 4 unidades de principio activo.

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados:



m + n ~ 35-75 ; R = H , Ra , Rb or Rc ; ratio H : Ra : Rb : Rc ~ 70 : 20 : 2 : 8

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)

L VH Q1:

I, I"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO

bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

ursodoxicoltaurinum

ursodoxicoltaurine

ursodoxicoltaurine

2-(3 α ,7 β -dihydroxy-5 β -cholan-24-amido)ethane-1-sulfonic acid
neuroprotectant

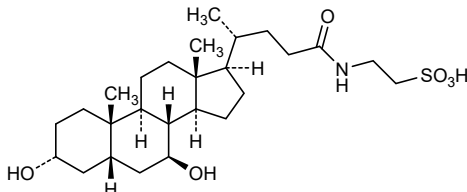
acide 2-(3 α ,7 β -dihydroxy-5 β -cholan-24-amido)éthane-1-sulfonique
neuroprotecteur

ursodoxicoltaurina

ácido 2-(3 α ,7 β -dihidroxi-5 β -colan-24-amido)etano-1-sulfónico
neuroprotector

C₂₆H₄₅NO₆S

14605-22-2

**vamifeportum**

vamifeport

2-(2-([2-(1*H*-benzimidazol-2-yl)ethyl]amino)ethyl)-*N*-[(3-fluoropyridin-2-yl)methyl]-1,3-oxazole-4-carboxamide
ferroportin inhibitor

vamiféport

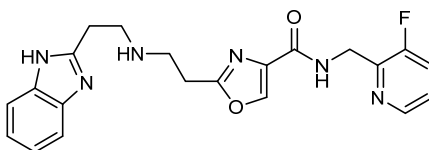
2-(2-([2-(1*H*-benzimidazol-2-yl)éthyl]amino)éthyl)-*N*-[(3-fluoropyridin-2-yl)méthyl]-1,3-oxazole-4-carboxamide
inhibiteur de la ferroportine

vamifeport

2-(2-([2-(1*H*-benzimidazol-2-il)etil]amino)etil)-*N*-[(3-fluoropiridin-2-il)metil]-1,3-oxazol-4-carboxamida
inhibidor de la ferroportina

C₂₁H₂₁FN₆O₂

2095668-10-1

**venadaparibum**

venadaparib

3⁴-fluoro-7-aza-1(1)-phthalazina-5(1,3)-azetidina-3(1,3)-benzena-8(1)-cyclopropanaoctaphane-1⁴(1³*H*),4-dione
antineoplastic

vénadaparib

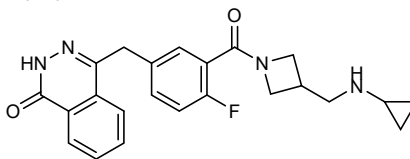
3⁴-fluoro-7-aza-1(1)-phthalazina-5(1,3)-azetidina-3(1,3)-benzèna-8(1)-cyclopropanaoctaphane-1⁴(1³*H*),4-dione
antineoplàsique

venadaparib

3⁴-fluoro-7-aza-1(1)-ftalazina-5(1,3)-azetidina-3(1,3)-bencena-8(1)-ciclopropanaoctafano-1⁴(1³*H*),4-diona
antineoplàsico

C₂₃H₂₃FN₄O₂

1681017-83-3

**vevorisertibum**

vevorisertib

N-[1-(3-{3-[4-(1-aminocyclobutyl)phenyl]-2-(2-aminopyridin-3-yl)-3*H*-imidazo[4,5-*b*]pyridin-5-yl}phenyl)piperidin-4-yl]-*N*-methylacetamide
antineoplastic

vévorisertib

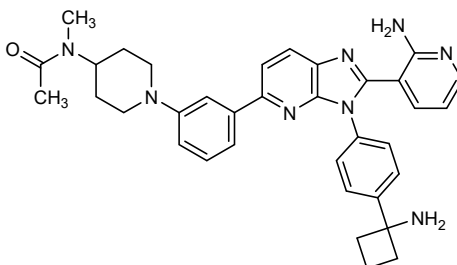
N-[1-(3-{3-[4-(1-aminocyclobutyl)phényl]-2-(2-aminopyridin-3-yl)-3*H*-imidazo[4,5-*b*]pyridin-5-yl}phényl)pipéridin-4-yl]-*N*-méthylacétamide
antineoplasique

vevorisertib

N-[1-(3-{3-[4-(1-aminociclobutil)fenil]-2-(2-aminopiridin-3-il)-3*H*-imidazo[4,5-*b*]piridin-5-il}fenil)piperidin-4-il]-*N*-metilacetamida
antineoplásico

C₃₅H₃₈N₈O

1416775-46-6

**vibapapogenum autoleucelum #**

vibapapogene autoleucel

Autologous peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) expressing human papillomavirus types 16 & 18 antigens.

Autologous peripheral blood mononuclear cells (PBMCs), specifically B lymphocytes and monocytes that are T-cell depleted, transfected *ex vivo* with a non-replicating adenoviral vector that expresses a codon-optimised fusion of tumour-associated antigens (TAAs) E6 and E7 derived from human papillomavirus (HPV) types 16 and 18 (HPV-16/18 E6/E7). The antigen coding region is preceded by a tPA signal sequence and transcription is under the control of the cytomegalovirus (CMV)-tetracycline 10 promoter and the SV40 poly(A) termination sequence. The vector genome is flanked by inverted terminal repeats and contains an encapsidation signal and a K35 knob.
cell-based gene therapy (antineoplastic)

vibapapogène autoleucel

Cellules mononucléaires du sang périphérique autologues exprimant les antigènes de papillomavirus humains de type 16 et 18.
 Cellules mononucléaires du sang périphérique autologues, spécifiquement les lymphocytes B et les monocytes qui sont déplétées en lymphocytes T, transfectées *ex vivo* avec une forme non répliquative du vecteur adénoviral exprimant un codon optimisé, fusion des antigènes associés à des tumeurs E6 et E7 dérivés du virus humain du papillome (HPV) types 16 et 18 (HPV-16/18 E6/E7). La région codant l'antigène est précédée d'une séquence signal tPA et la transcription est sous le contrôle du promoteur tetracycline 10 du cytomegalovirus et de la séquence de terminaison poly(A) SV40. Le génome du vecteur est flanqué de répétitions inverses et contient un signal d'encapsulation et un domaine globulaire distal (knob) K35.
thérapie génique à base de cellules (antineoplasique)

vibapapogén autoleucel

Células monucleares de sangre periférica (PBMCs) autólogas que expresan antígenos del papilomavirus humano de tipo 16 y 18.
 Células monucleares de sangre periférica (PBMCs) autólogas, específicamente linfocitos B y monocitos que están deplecionadas de células T, transfectadas *ex vivo* con un vector adenoviral no replicativo que expresa una fusión de los antígenos asociados a tumor (TAAs) E6 y E7 derivados del papilomavirus humano (HPV) de tipo 16 y 18 (HPV-16/18 E6/E7), con codones optimizados. La región codificadora de antígeno está precedida por una secuencia señal tPA y la transcripción está bajo el control del promotor de la tetraciclina 10 del cytomegalovirus (CMV) y la secuencia poly(A) de terminación del SV50. El genoma del vector está flanqueado por repeticiones invertidas terminales y contiene una señal de encapsulación y un dominio globular distal (knob) K35.
terapia génica basada en células (antineoplásico)

vibosameranum #
 vibosameran

Messenger RNA encoding tyrosinase.
 Messenger RNA (mRNA), 5'-capped, encoding codon-optimised tyrosinase (monophenol monooxygenase, tumour rejection antigen AB), expressed as a fusion protein comprising tyrosinase, P2P16 tetanus toxoid-derived helper epitopes and a major histocompatibility complex (MHC) class I transmembrane and cytoplasmic domain, connected by two glycine/serine-rich (GS) linker peptides, flanked by 5' and 3' untranslated regions and a 3' poly(A) tail.
immunomodulator, antineoplastic

vibosamérán

ARN messenger codant pour la tyrosinase.
 ARN messenger (ARNm), protégé en 5', codant pour la tyrosinase (monophénol monooxygénase, antigène de rejet de tumeur AB), avec des codons optimisés, exprimé sous la forme d'une protéine de fusion

	comprenant la tyrosinase, les épitopes auxiliaires P2P16 dérivés de l'anatoxine tétanique et un domaine transmembranaire et cytoplasmique du complexe majeur d'histocompatibilité (CMH) de classe I, reliés par deux peptides de liaison riches en glycine/sérine (GS), flanqués de régions non traduites en 5' et 3' et d'une queue poly(A) en 3'. <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
vibosamerán	ARN mensajero que codifica para tirosinasa. ARN mensajero (ARNm), protegido en 5' que codifica para tirosinasa (monofenol monooxigenasa, antígeno de rechazo tumoral AB), con codones optimizados, expresada como una proteína de fusión que consta de la tirosinasa, los epítomos auxiliares P2P16 derivados del toxoide tetánico y un dominio citoplásmico y transmembrana del complejo principal de histocompatibilidad (MHC) de clase I, conectados mediante dos péptidos de enlace ricos en glicina/serina (GS), flanqueado por las regiones 5' y 3' no traducidas y una cola poly(A) en 3'. <i>immunomodulador, antineoplásico</i>
	2348560-90-5
vidutolimodum vidutolimod	immunostimulatory CG-rich palindromic oligodeoxyribonucleotide, flanked by 3'-dG₁₀ and 5'-dG₁₀ decanucleotides: deca[2'-deoxyguanylyl-(3'→5')]-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-2'-deoxyadenylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-2'-deoxyguanylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-deoxycytidylyl-(3'→5')-nona[2'-deoxyguanylyl-(3'→5')]-2'-deoxyguanosine <i>immunomodulator, antineoplastic</i>
vidutolimod	oligodésoxyribonucléotide palindromique immunostimulateur riche en CG, flanqué de décanucléotides 3'-dG₁₀ et 5'-dG₁₀: déca[2'-désoxyguanylyl-(3'→5')]-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-2'-désoxycytidylyl-(3'→5')-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-2'-désoxyadénylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-désoxycytidylyl-(3'→5')-2'-désoxyguanylyl-(3'→5')-thymidylyl-(3'→5')-2'-désoxycytidylyl-(3'→5')-nona[2'-désoxyguanylyl-(3'→5')]-2'-désoxyguanosine <i>immunomodulateur, antinéoplasique</i>
vidutolimod	oligodesoxirribonucleótido palindrómico immunoestimulador rico en CG, flanqueado por decanucleótidos 3'-dG₁₀ y 5'-dG₁₀:

deca[2'-desoxiguanilil-(3'→5')] -2'-desoxiguanilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-2'-desoxiguanilil-(3'→5')-timidilil-(3'→5')-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-nona[2'-desoxiguanilil-(3'→5')] -2'-desoxiguanosina
immunomodulador, antineoplásico

C₂₉₇H₃₆₃N₁₃₈O₁₇₈P₂₉

147063-80-7

Sequence / Séquence / Secuencia

(3'→5') d (GGGGGGGGGG GACGATCGTC GGGGGGGGGG)**vimseltinibum**

vimseltinib

3-methyl-5-(6-methyl-5-[[2-(1-methyl-1*H*-pyrazol-4-yl)pyridin-4-yl]oxy]pyridin-2-yl)-2-[(propan-2-yl)amino]pyrimidin-4(3*H*)-one
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

vimseltinib

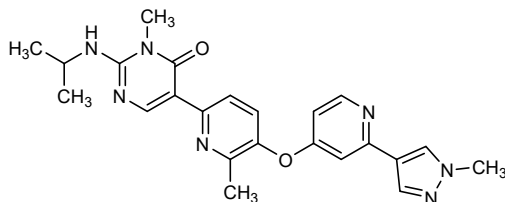
3-méthyl-5-(6-méthyl-5-[[2-(1-méthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)pyridin-4-yl]oxy]pyridin-2-yl)-2-[(propan-2-yl)amino]pyrimidin-4(3*H*)-one
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

vimseltinib

3-metil-5-(6-metil-5-[[2-(1-metil-1*H*-pirazol-4-il)piridin-4-il]oxi]piridin-2-il)-2-[(propan-2-il)amino]pirimidin-4(3*H*)-ona
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

C₂₃H₂₅N₇O₂

1628606-05-2

**vixarelimabum #**

vixarelimab

immunoglobulin G4-G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* OSMR (oncostatin M receptor, OSMRB, OSMRbeta)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
gamma4-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-8*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (95.0%)) CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115) (1-126)-*Homo sapiens* IGHG4*01 CH1-h-CH2, G4v5 h P10, G4v36 CH2 Q84.4 (CH1 (127-224), hinge 1-12 S10>P (234) (225-236), CH2 N84.4>Q (303) (237-346)) -IGHG1*01 CH3-CHS, G1m1 (CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K>del (452)) (127-452)], (140-215')-disulfide with lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-44*01 (90.8%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.3.11] (26-33.51-53.90-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')];
dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, non-glycosylated, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-DG44i cell line
immunomodulator

vixarélimab

immunoglobuline G4-G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* OSMR (récepteur de l'oncostatine M, OSMRB, OSMRbeta)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde gamma4-gamma1 *Homo sapiens*(1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-8*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (95.0%)) CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115) (1-126)-*Homo sapiens* IGHG4*01 CH1-h-CH2, G4v5 h P10, G4v36 CH2 Q84.4 (CH1 (127-224), charnière 1-12 S10>P (234) (225-236), CH2 N84.4>Q (303) (237-346)) (127-346) -IGHG1*01 CH3-CHS, G1m1 (CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K>del (452)) (347-452)], (140-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda2 *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-44*01 (90.8%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.3.11] (26-33.51-53.90-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, non-glycosylé, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-DG44i
immunomodulateur

vixarelimab

immunoglobulina G4-G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* OSMR (receptor de la oncostatina M, OSMRB, OSMRbeta)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada gamma4-gamma1 *Homo sapiens*(1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-8*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (95.0%)) CDR-IMGT [8.8.19] (26-33.51-58.97-115) (1-126)-*Homo sapiens* IGHG4*01 CH1-h-CH2, G4v5 h P10, G4v36 CH2 Q84.4 (CH1 (127-224), bisagra 1-12 S10>P (234) (225-236), CH2 N84.4>Q (303) (237-346)) (127-346) -IGHG1*01 CH3-CHS, G1m1 (CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K>del (452)) (347-452)], (140-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda2 *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-44*01 (90.8%) -IGLJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [8.3.11] (26-33.51-53.90-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, no glicosilado, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-DG44i
immunomodulador

2243320-83-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

QVQLVQSGAE	VKKPGASVKV	SCKASGYTFT	SYEINWVRQA	TGQGLEWMGW	50
MNPNNGYGTG	AQKFQGRVTM	TRDTSISTAY	MEMSSLRS	ED TAVYYCARDI	100
VAANTDYFFY	YGMDFVWGQT	TVTVSSASTK	GPSVFPLAPC	SRSTSESTAA	150
LGCLVKDYDF	EPVTVSWNSG	ALTSGVHTFP	AVLQSSGLYS	LSSVTVFPSS	200
SLGKTYTCN	VDHKPSNTKV	DKRVESKYGP	PCPPCPAPEF	LGGPSVFLFP	250
PKPKDTLMIS	RTPEVTCVVV	DVSQEDPEVQ	FNWYVDGVEV	HNAAKTKPRE	300
QFQSTYRVVS	VLTVLHQDWL	NGKEYCKKVS	NKGLPSSIEK	TISKAKGQPR	350
EPQVYTLPPS	RDELTKNQVS	LTCLVKGFPY	SDIAVEWESN	GQPENNYKTT	400
PPVLDSDGSF	FLYSKLTVDK	SRWQQGNVFS	CSVMHEALHN	HYTQKSLSL	450
PG					452

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

QSVLTQPPSA	SGTPGQRVTI	SCSGSNSNIG	SNTVNWYHQL	PGTAPKLLIY	50
NINKRPSGVP	DRFSGSGSGS	SASLAISGLQ	SEDEADYYCS	TWDDSLDGVV	100
FGGGTKLTVL	GQPKAAPSVT	LFPSSSEELQ	ANKATLVCL	ISDFYPGAVTV	150
AWKADSSPVK	AGVETTTPSK	QSNNKYAASS	YLSLTPEQWK	SHRSYSQCVT	200
HEGSTVEKTV	APTECS				216

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22°-96°	153°-209°	267°-327°	373°-431°
	22°-96°	153°-209°	267°-327°	373°-431°

Intra-L (C23-C104)	22°-89°	138°-197°
	22°-89°	138°-197°

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 140°-215° 140°-215°

Inter-H-H (h 8, h 11) 232-232° 235-235°

N-terminal glutaminy cyclization to pyroglutamy (pE, 5-oxoprolyl)

H VH Q1:

1, 1°

L VL Q1:

1', 1°

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ninguna posición de N-glycosilación

H CH2 N84.4>Q (303)

Aglycosylated

vocacapsaicinum

vocacapsaicin

rac-2-methoxy-4-[[[(6*E*)-8-methylnon-6-enamido]methyl]phenyl (2*R*)-2-[(methylamino)methyl]piperidine-1-carboxylate
analgesic

vocacapsaïcine

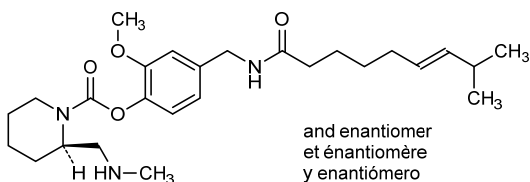
rac-(2*R*)-2-[(méthylamino)méthyl]pipéridine-1-carboxylate de 2-méthoxy-4-[[[(6*E*)-8-méthylnon-6-énamido]méthyl]phényle
analgésique

vocacapsaïcina

rac-(2*R*)-2-[(metilamino)metil]piperidina-1-carboxilato de 4-[[[(6*E*)-8-metilnon-6-enamido]metil]-2-metoxifenilo
analgésico

 $C_{26}H_{41}N_3O_4$

1931116-86-7

**vodobatinibum**

vodobatinib

2-chloro-6-methyl-*N'*-(4-methyl-3-[(quinolin-3-yl)ethynyl]benzoyl)benzohydrazide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

vodobatinib

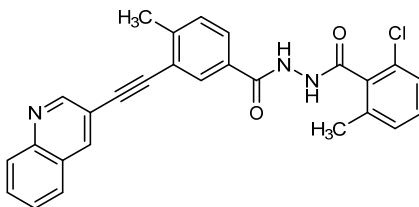
2-chloro-6-méthyl-*N'*-(4-méthyl-3-[(quinoléin-3-yl)éthynyl]benzoyl)benzohydrazide
inhibiteur de la tyrosine kinase, antinéoplasique

vodobatinib

2-cloro-6-metil-*N'*-(4-metil-3-[(quinolein-3-il)etiniil]benzoil)benzohidrazida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

 $C_{27}H_{20}ClN_3O_2$

1388803-90-4

**vudalimabum #**

vudalimab

immunoglobulin half-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte-associated protein 4, CD152)] and anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody, bispecific;

gamma1 heavy chain anti-CTLA4 (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)(1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 N114>D (209) R120>K (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 E1.4,L1.3>P (234), L1.2>V (235), G1.1>A (236), S29>K (267), Q84.2>E (295) (232-340), CH3 E12 (356), M14 (358), L24>D (368), K26>S (370), N44>D (384), Q97>E (418), N100>D (421), M107>L (428), N114>S (434) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (221-215')-disulfide with kappa light chain anti-CTLA4, *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (99.0%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; IG scFv-h-CH2-CH3 single chain, anti-PDCD1 (1"-480") [scFv V-kappa-VH anti-PDCD1 (1"-249") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (80.0%) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1"-107") -20-mer tetrakis(glycyl-lysyl-prolyl-glycyl-seryl) linker (108"-127") -VH (*Mus musculus* IGHV6-6*02 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (81.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.10.13] (153-160.178-187.226-238) (128"-249")] -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (250"-480") [hinge 1-15 C5>S (254) (250-264) -CH2 E1.4,L1.3>P (267), L1.2>V (268), G1.1>A (269), S29>K (300) (265-373), CH3 E12 (389), E13>Q (390), M14 (391), S20>K (397), M107>L (461), N114>S (467) (374-478), CHS (479-480)]]; dimer (227-260":230-263")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-S cell line, glycoform alfa immunomodulator, antineoplastic

vudalimab

immunoglobuline demi-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CD152)] et anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal, bispécifique; chaîne lourde gamma1 anti-CTLA4, (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 N114>D (209) R120>K (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 E1.4,L1.3>P (234), L1.2>V (235), G1.1>A (236), S29>K (267), Q84.2>E (295) (232-340), CH3 E12 (356), M14 (358), L24>D (368), K26>S (370), N44>D (384), Q97>E (418), N100>D (421), M107>L (428), N114>S (434) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (221-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa anti-CTLA4, *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (99.0%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]; IG scFv-h-CH2-CH3 chaîne unique, anti-PDCD1 (1"-480") [scFv V-kappa-VH anti-PDCD1 (1"-249") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (80.0%) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1"-107") -20-mer tétrakis(glycyl-lysyl-prolyl-glycyl-séryl) linker (108"-127") -VH (*Mus musculus* IGHV6-6*02 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (81.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.10.13] (153-160.178-187.226-238) (128"-249")] -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (250"-480") [charnière 1-15 C5>S (254) (250-264) -CH2 E1.4,L1.3>P (267), L1.2>V (268), G1.1>A (269), S29>K (300) (265-373), CH3 E12 (389), E13>Q (390), M14 (391), S20>K (397), M107>L (461), N114>S (467) (374-478), CHS (479-480)]]; dimère (227-260":230-263")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

vudalimab inmunoglobulina demi-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (proteína 4 asociada a los linfocitos T citotóxicos, CD152)] y anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal, biespecífico;
cadena pesada gamma1 anti-CTLA4 (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*03 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 N114>D (209) R120>K (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 E1.4,L1.3>P (234), L1.2>V (235), G1.1>A (236), S29>K (267), Q84.2>E (295) (232-340), CH3 E12 (356), M14 (358), L24>D (368), K26>S (370), N44>D (384), Q97>E (418), N100>D (421), M107>L (428), N114>S (434) (341-445), CHS (446-447)) (119-447)], (221-425')-disulfuro con la cadena ligera kappa anti-CTLA4,*Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (99.0%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [7.3.9] (27-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109-215')];
IG scFv-h-CH2-CH3 cadena única, anti-PDCD1 (1"-480") [scFv V-kappa-VH anti-PDCD1 (1"-249") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (80.0%) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1"-107") -20-mer tetrakis(glicil-ilisil-proлил-glicil-seril) linker (108"-127") -VH (*Mus musculus* IGHV6-6*02 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ1*03 (86.7%)/*Homo sapiens* IGHV3-15*07 (81.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.10.13] (153-160.178-187.226-238) (128"-249")] -*Homo sapiens* IGHG1*03 h-CH2-CH3, nG1m1 (250"-480") [bisagra 1-15 C5>S (254) (250-264) -CH2 E1.4,L1.3>P (267), L1.2>V (268), G1.1>A (269), S29>K (300) (265-373),CH3 E12 (389), E13>Q (390), M14 (391), S20>K (397), M107>L (461), N114>S (467) (374-478), CHS (479-480)]];
dímero (227-260":230-263")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2329669-72-7

1. Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CTLA4)
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS SYTMHWVRQA PGKGLEWVSF 50
ISYDGNKKYY ADSVKGRFTI SRDANKNSLY LQMNLSRAED TAVVYCARTEG 100
WLGPFDFYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEFVTVSWN SGALTVSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVTVTF SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSDT KVDKKVEPKS CDKTHCTPCP PAPVAGPSV FLFPKPKDPT 250
LMIISRTPEVT CVVVDVKHED PEVKFNWYVD GVEVHNARTK PREEEYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK KVSNSKALPA PIEKTISKAR GQPREPQVYT 350
LFPSPREMTK NQVSLTCDVS GFYPSDIAVE WESDGPENNY YKTTTFPVLD 400
DGSFPLYSKL TVDKSRWEQG DVFSCSVLHE ALHSHYTKQS LSLSPGK 447

2. Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CTLA4)
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLLIY 50
GAFSRATGIP DRFGSGSGGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYGGSPWTFG 100
QGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNMF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSLSTL TLSKADYEKH KYVACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

3. Chain / Chaîne / Cadena IG scFv-h-CH2-CH3 (anti-PDCD1)
EIVLTQSPAT LSASPGERVLT LTRCASQSVG NDVAWYQQKF GQAPRLLIY 50
ASHRYTVGPD RFTGSGYGTE FTLTISSVQS EDFGVYVCQ DFSSPRTFGG 100
GTKVEIKGKP GSGKPGSGKP GSGKPGSEVQ LVESGGGLVK PGGSRLRLSCV 150
ASGFTFSNYW MNWVRQAPGK GLEWVAEIRL YSNNYATHYA ESVKGRFTIS 200
RDDSSTLYL QMNNLKTEDT GVYYCTRYYG NYGGYFDVWG RGLTVLVSSSE 250
PKSSDKTHTC PPCPAPFVAG PSVFLFPKPK KDTLMISRTF EVTCVVVDVK 300
HEDEPKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN STYRVSVSLT VLHQDWLNGK 350
EYCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ VYTLPPSREQ MTKNQVKLTC 400
LKGFPYPSDI AVESNESGQP ENNYKTTFPV LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW 450
QQGNVFSCSV LHEALHSHYT QKSLSLSPGK 480

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 261-321 367-425
Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135'-195'
Intra-chain 3 23"-88" 149"-225" 294"-354" 400"-458"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-215'
Inter-H-chain 3 (h 11, h 14) 227-260" 230-263"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
297, 330"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
447, 480"

zalsenertantum tetraxetanum

zalsenertant tetraxetan

18⁴,18⁷,18¹⁰-tris(carboxyméthyl)-4⁵-(2,6-diméthoxyphényl)-7,11,15-triméthyl-3,6,16-trioxo-5²-(propan-2-yl)-2,7,11,15-tétraza-18(1)-(1,4,7,10-tétrazacyclododécane)-4(3,1)-pyrazola-1(2)-adamantana-5(1,4)-benzenaoctadécaphane-1²-carboxylic acid

neurotensin receptor antagonist, antineoplastic

zalsénertant tétraxetan

acide 18⁴,18⁷,18¹⁰-tris(carboxyméthyl)-4⁵-(2,6-diméthoxyphényl)-7,11,15-triméthyl-3,6,16-trioxo-5²-(propan-2-yl)-2,7,11,15-tétraza-18(1)-(1,4,7,10-tétrazacyclododécane)-4(3,1)-pyrazola-1(2)-adamantana-5(1,4)-benzenaoctadécaphane-1²-carboxylique

antagoniste du récepteur de la neurotensine, antinéoplasique

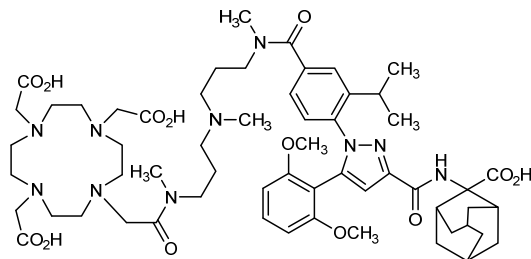
zalsenertant tetraxetán

ácido 18⁴,18⁷,18¹⁰-tris(carboximetil)-4⁵-(2,6-dimetoxifenil)-7,11,15-trimetil-3,6,16-trioxo-5²-(propan-2-il)-2,7,11,15-tetraaza-18(1)-(1,4,7,10-tetraazacyclododecana)-4(3,1)-pirazola-1(2)-adamantana-5(1,4)-bencenaoctadecafano-1²-carboxílico

antagonista del receptor de neurotensina, antineoplásico

C₅₈H₈₄N₁₀O₁₃

1613265-38-5

**zanidatamabum zovodotinum #**

zanidatamab zovodotin

immunoglobulin half-IG G1-kappa/scFv-h-CH2-CH3, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody, biparatopic (targeting two different non-overlapping epitopes on ERBB2, on extracellular domains 2 (ECD2) and 4 (ECD4), respectively), conjugated to auristatin E;

gamma1 heavy chain, anti-ERBB2 extracellular domain 2 (ECD2), humanized (1-449) [VH humanized (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT[8.8.12] (27-34.52-59.98-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 T6>V (353), L7>Y (354), D12 (359), L14 (361), F85.1>A (408), Y86>V (410) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfide with kappa light chain, anti ERBB2 ECD2, humanized (1'-215') [V-KAPPA humanized (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];

IG scFv-h-CH2-CH3 single chain, anti-ERBB2 extracellular domain 4 (ECD4), humanized (1"-481") [scFv V-kappa-VH anti-ERBB2 ECD4 (1'-248') [V-KAPPA humanized (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -20-mer pentakis(diglycyl-seryl-glycyl) linker (109"-128") -VH humanized (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (154-161.179-186.225-237) (129"-248")]] -dialanyl linker (249"-250") -*Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m1 (251"-481") [hinge 1-15, C5>S (255) (251-265), CH2 (266-375), CH3 T6>V (385), D12 (391), L14 (393), T22>L (401), K79>L (427), T81>W (429) (376-480), CHS K2>del (481)]]; dimer (229-261":232-264")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa, conjugated, on an average of 2 to 3 cysteinyl, to monomethylauristatin E (MMAE), via a cleavable maleimidocaproyl-valyl-citrullinyl-p-aminobenzylcarbonyl (mc-val-cit-PABC) type linker
antineoplastic

zanidatamab zovodotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé, biparatopique (ciblant deux épitopes différents non chevauchants sur ERBB2, respectivement sur les domaines extracellulaires 2 (ECD2) et 4 (ECD4)), conjugué à l'auristatine E; chaîne lourde gamma1 anti-ERBB2 domaine extracellulaire 2 (ECD2), humanisée (1-449) [VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (27-34.52-59.98-109) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234- 343), CH3 T6>V (353), L7>Y (354), D12 (359), L14 (361), F85.1>A (408), Y86>V (410) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfure avec la chaîne légère kappa, anti ERBB2 ECD2, humanisée (1'-215') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]]; IG scFv-h-CH2-CH3 chaîne unique, anti-ERBB2 domaine extracellulaire 4 (ECD4), humanisée (1"-481") [scFv V-kappa-VH anti-ERBB2 ECD4 (1'-248') [V-KAPPA humanisé (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -20-mer pentakis(diglycyl-seryl-glycyl) linker (109"- 128") -VH humanisé (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (154-161.179-186.225-237) (129"-248")]] -dialanyl linker (249"-250") -*Homo sapiens* IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m1 (251"-481") [charnière 1-15 C5>S (255) (251- 265), CH2 (266-375), CH3 T6>V (385), D12 (391), L14 (393), T22>L (401), K79>L (427), T81>W (429) (376-480), CHS K2>del (481)]]];

dimère (229-261":232- 264")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; conjugué, sur 2 à 3 cystéinyl en moyenne, au monométhylauristatine E (MMAE), via un linker clivable de type maléimidécaproyl-valyl-citrullinyl-*p*-aminobenzylcarbonyl (mc-val-cit-PABC).
antineoplasique

zanidatamab zovodotina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado, biparatópico (dirigiendo dos epítomos diferentes no superpuestos sobre ERBB2, respectivamente sobre los dominios extracelulares 2 (ECD2) y 4 (ECD4)), conjugado con la auristatina E; cadena pesada gamma1 anti-ERBB2 dominio extracelular 2 (ECD2), humanizada (1-449) [VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (78.8%) - (IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.12] (27-34.52-59.98-109) (1-120) -*Homo sapiens*IGHG1*01 G1m17,1 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234- 343), CH3 T6>V (353), L7>Y (354), D12 (359), L14 (361), F85.1>A (408), Y86>V (410) (344-448), CHS K2>del (449)) (121-449)], (223-215')-disulfuro con la cadena ligera kappa, anti ERBB2 ECD2, humanizada (1'-215') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens*IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%) Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')];
IG scFv-h-CH2-CH3 cadena única, anti-ERBB2 dominio extracelular 4 (ECD4), humanizada (1"-481") [scFv V-kappa-VH anti-ERBB2 ECD4 (1'-248') [V-KAPPA humanizado (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (86.3%) - IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (28-33.51-53.90-98) (1'-108') -20-mer pentakis(diglicil-seril-glicil) linker (109"- 128") -VH humanizado (*Homo sapiens*IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [8.8.13] (154-161.179-186.225-237) (129"-248")] - dialanil linker (249"-250") -*Homo sapiens*IGHG1*01 h-CH2-CH3, G1m1 (251"-481") [bisagra 1-15 C5>S (255) (251- 265), CH2 (266-375), CH3 T6>V (385), D12 (391), L14 (393), T22>L (401), K79>L (427), T81>W (429) (376-480), CHS K2>del (481)]];
dímero (229-261":232- 264")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa; conjugado, sobre 2 a 3 restos cisteinil en término medio, con monometilauristatina E (MMAE), mediante un conector escindible de tipo maleimidecaproyl-valil-citrullinyl-*p*-aminobenzilcarbonyl (mc-val-cit-PABC).
antineoplásico

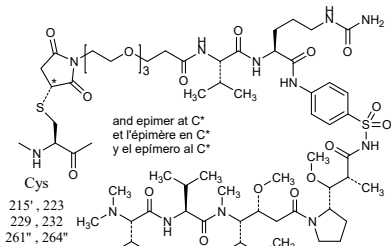
2329698-82-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-ERBB2 ECD2)			
GEVQLVESGG	GLVQPGGSLR	LSCAASGFTF ADYTMQWVRQ APGKLEWVG 50	
DVNPNSGGSI	YNQRFKGRFT	FSVDRSKNTL YLQMNSLRAE DTAIVYVCARN 100	
LGPSFYFDYW	QGQTLTVTVSS	ASTKGPSVFV LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150	
DYFPEPVTVS	WNSGALTSGV	HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200	
YICNVHKKPS	NTKVDKKVEP	KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250	
KDRLMISRTP	EVTCTVVVDVS	HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300	
STYRVVSVLT	VLHQDWLNGK	EYKCKVSNKA LPAPTEKTIK KAKGQPREPQ 350	
VYVYPPSRDE	LTKNQVSLTC	LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400	
LDSDGSFALV	SKLTVDKSRW	QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG 449	
2. Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-ERBB2 ECD2)			
GDIQMTQSPS	SLSASVGDVR	TITCKASQDV SIGVAVYQQK PGKAPKLLIY 50	
SASYRYTGVP	SRFSGSGSGT	DFTLTISSLQ PEDFATYYCQ QYYIYPATFG 100	
QGTKVEIKRT	VAAPSVFIFP	PSDEQLKSGT ASVVCCLNNF YPREAKVQWK 150	
VDNALQSGNS	QESVTEQDSK	DSTYSLSSLT TLKADYERKH KVAACEVTHQ 200	
GLSSPVTKSF	NRGEC		215
3. Chain / Chaîne / Cadena: Ig scFv-h-CH2-CH3 (anti-ERBB2 ECD4)			
GDIQMTQSPS	SLSASVGDVR	TITCKASQDV NTAVAVYQQK PGKAPKLLIY 50	
SASFLYSGVP	SRFSGSGSGT	DFTLTISSLQ PEDFATYYCQ QHYTTPPTFG 100	
QGTKVEIKGG	SGGGSGGGSG	GGSGGGSGEV QLVESGGGLV PGGGSLRLSC 150	
AASGFNIKDT	YIHVVRQAPG	KGLEWVARIY PTNGYTRYAD SVKGRFTISA 200	
DTSKNTAYLQ	MNSLRAEDTA	VYVCSRWGGD GFYAMDYWGQ GTLVTVSSAA 250	
EPKSSDKTHT	CPCPAPELL	GGPSVFLFPP KPKDTLMISR TPELTVCVVD 300	
VSHEDPEVKF	NWYVDGVEVH	NAKTKPREEQ YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN 350	
GKEYKCKVSN	KALPAPIEKT	ISKAKGQPREP PQVVLPPSRV DELTKNQVSL 400	
LCLVKGIFYPS	DIAVEWESNG	QPENNYLTWPV PVLDSGGSFF LYSKLTVDKS 450	
RWQQGNVFSC	SVMHEALHNH	YTKQSLSLSP G	481

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 23-97 147-203 264-324 370-428
Intra-L (C23-C104) 24'-89' 135'-195'
Intra-chain 3 24"-89" 150"-224" 296"-356" 402"-460"
Inter-H-L (h 5-CL 126)* 223-215'
Inter-H-chain 3 (h 11, h 14)* 229-261" 232-264"
*At least two of the three inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 2 to 3 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.
*Au moins deux des trois ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 2 à 3 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.
*Al menos dos de los tres puentes disulfuro inter-catenarios no están presentes, una media de 2 a 3 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
300, 332"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

Modified residues / résidus modifiés / restos modificados:



zatolmilastum
zatolmilast

(4-{{[2-(3-chlorophenyl)-6-(trifluoromethyl)pyridin-4-yl]methyl}phenyl}acetic acid
phosphodiesterase IV inhibitor

zatolmilast

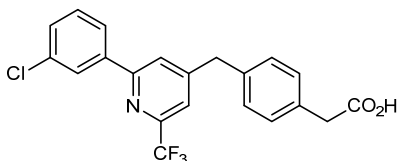
acide (4-{{[2-(3-chlorophényl)-6-(trifluorométhyl)pyridin-4-yl]méthyl}phényl}acétique
inhibiteur de la phosphodiesterase IV

zatolmilast

ácido (4-{{[2-(3-clorofenil)-6-(trifluorometil)piridin-4-il]metil}fenil}acético
inhibidor de la fosfodiesterasa IV

C₂₁H₁₅ClF₃NO₂

1606974-33-7

**zelavespibum**

zelavespib

8-[(6-iodo-2H-1,3-benzodioxol-5-yl)sulfanyl]-9-[3-[(propan-2-yl)amino]propyl]-9H-purin-6-amine
heat shock protein 90 (HSP90) inhibitor, antineoplastic

zélavespib

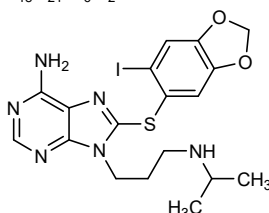
8-[(6-iodo-2H-1,3-benzodioxol-5-yl)sulfanyl]-9-[3-[(propan-2-yl)amino]propyl]-9H-purin-6-amine
inhibiteur de la protéine de choc thermique 90 (HSP90), antinéoplasique

zelavespib

8-[(6-iodo-2H-1,3-benzodioxol-5-il)sulfanil]-9-[3-[(propan-2-il)amino]propil]-9H-purin-6-amina
inhibidor de la proteína de choque térmico 90 (HSP90), antineoplásico

C₁₈H₂₁IN₆O₂S

873436-91-0

**zimberelimabum #**

zimberelimab

immunoglobulin G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (87.9%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.7.15] (26-35.53-59.98-112) (1-123)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (124-221), hinge 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450) (124-450)], (137-215')-disulfide with lambda light chain *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (94.9%) -IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO)-K1 cell line, glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

zimbérelimab

immunoglobuline G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;

zimberelimab

chaîne lourde gamma4 *Homo sapiens*(1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (87.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.7.15] (26-35.53-59.98-112) (1-123)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (124-221), charnière 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450) (124-450)], (137-215')-disulfure avec la chaîne légère lambda *Homo sapiens*(1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (94.9%) -(IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO) lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa immunomodulateur, antinéoplasique

immunoglobulina G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* PD1 (proteína 1 de muerte celular programada PD-1, PD1, CD279), anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada gamma4 *Homo sapiens*(1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (87.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) CDR-IMGT [10.7.15] (26-35.53-59.98-112) (1-123)-*Homo sapiens* IGHG4*01 (CH1 (124-221), bisagra 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450) (124-450)], (137-215')-disulfuro con la cadena ligera lambda *Homo sapiens*(1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (94.9%) -(IGLJ3*02 (100%)) CDR-IMGT [9.3.10] (26-34.52-54.91-100) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (111'-216')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO) línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa inmunomodulador, antineoplásico

2259860-24-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QLQLQESGPG LVKPSSETLTL TCTVSADSIIS STTYVWVWIR QPPGKGLEWI 50
GSISYSGSTY YNPSLKSRTV VSVDTSKNQF SLKLNSVAAT DTALYYCARH 100
LGYNRYLPF DYWGQGLT VT VSSASTKGPS VFPLAPCSRS TSESTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TKTYTCNVDR KPSNTKVKDR VESKYGPCCP PCPAPEFLGG PSVFLFPFKP 250
KDTLMISRTPEVTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREQFN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSQEE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTTPV 400
LDSGSGFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSLGK 450

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
QSALTQPASV SGSPGQSITI SCTGTSSDVG FYNVSWYQQ HPGKAPELMI 50
YDVSNRPSGV SDRFSGSGSG NTASLTISGL QAEDADYYC SSYTSISTWV 100
FGGGTKLTVL GQPKAAPSVT LFPPSSEELQ ANKATLVCLII SDFYPGAVTV 150
AWKADSSPVK AGVETTTPSK QSNKNYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTECS 216

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-97 150-206 264-324 370-428
22"-97" 150"-206" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 22'-90' 138'-197'
22'''-90''' 138'''-197'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137-215' 137"-215"
Inter-H-H (h 8, h 11) 229-229" 232-232"

N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl)
L VH Q1:
1, 1"
L VL Q1:
1', 1'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:
300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:
450, 450"

Names for chemical modifications of INN (substituent groups, counterions, adduct partners, etc.):

Many pharmaceutical substances for which an International Nonproprietary Name (INN) has been established are used as modified derivatives (salts, esters, protein-drug conjugates, solvates, etc.). The chemical modification (including counterions) involved may be of complex nature and it is then inconvenient to use its systematic chemical name. Consequently, shorter nonproprietary names for such modifications have been devised, and these are recommended for creating modified International Nonproprietary Names (INN^M).

Dénominations applicables aux modifications chimiques des DCI (groupes substituants, contre-ions, adduits, etc.) :

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées comme dérivés modifiés (sels, esters, médicaments conjugués à des protéines, produits de solvation, etc.). Les modifications chimiques (incluant les contre-ions) sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certaines d'entre elles et il est suggéré de les employer pour créer les dénominations communes internationales modifiées (DCIM).

Denominaciones aplicables a modificaciones químicas de las DCI (grupos sustituyentes, contraiones, aductos, etc.):

Muchas sustancias farmacéuticas para las cuales hay establecidas una denominación común internacional (DCI) pueden usarse como derivados modificados (sales, ésteres, medicamentos conjugados con proteínas, solvatos, etc.). Las modificaciones químicas (incluidos los contraiones) implicadas pueden ser de naturaleza compleja y por tanto es inapropiado utilizar su nombre químico sistemático. Como consecuencia, se han diseñado denominaciones abreviadas para estas modificaciones y se recomiendan para la creación de Denominaciones Comunes Internacionales modificadas (DCIM).

rilsodotinum

rilsodotin

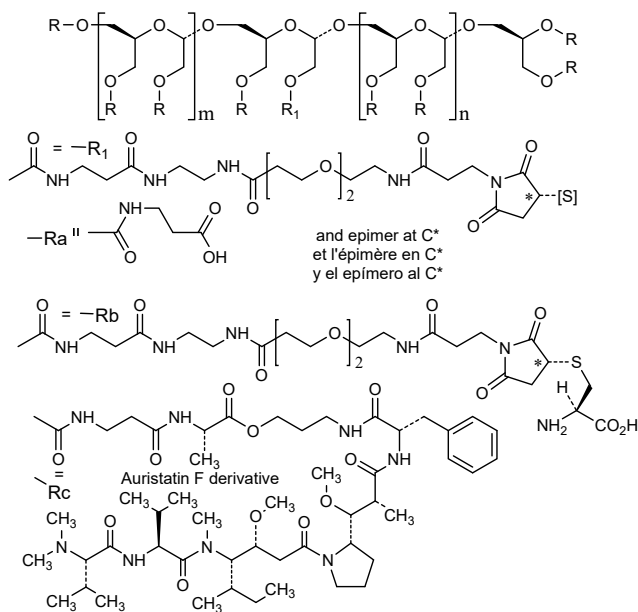
(3*RS*)-1-(1-{oligo-O-[(2-carboxyethyl)carbamoyl]oligo-O-[22-[(3*RS*)-3-(L-cystein-S-yl)-2,5-dioxopyrrolidin-1-yl]-5,10,20-trioxo-13,16-dioxa-2,6,9,19-tetraazadocosan-1-oyl]oligo-O-[(3-[(2*S*)-1-(3-{*N,N*-dimethyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-methoxy-5-methyl-4-(methylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-3-methoxy-2-methyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanoyl-L-phenylalaninamido}propoxy)-1-oxopropan-2-yl]amino)-3-oxopropyl)carbamoyl]-reduced oxidized dextran (~5-10 kDa)-O-yl)-1,5,10,20-tetraoxo-13,16-dioxa-2,6,9,19-tetraazadocosan-22-yl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

rilsodotine

(3*RS*)-1-(1-{oligo-O-[(2-carboxyéthyl)carbamoyl]oligo-O-[22-[(3*RS*)-3-(L-cystéin-S-yl)-2,5-dioxopyrrolidin-1-yl]-5,10,20-trioxo-13,16-dioxa-2,6,9,19-tétraazadocosan-1-oyl]oligo-O-[(3-[(2*S*)-1-(3-{*N,N*-diméthyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-méthoxy-5-méthyl-4-(méthylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-3-méthoxy-2-méthyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanoyl-L-phénylalaninamido}propoxy)-1-oxopropan-2-yl]amino)-3-oxopropyl)carbamoyl]-dextrane oxydé réduit (~5-10 kDa)-O-yl)-1,5,10,20-tétraoxo-13,16-dioxa-2,6,9,19-tétraazadocosan-22-yl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

rilsodotina

(3*RS*)-1-(1-[oligo-O-[(2-carboxietil)carbamoil]oligo-O-(22-[(3*RS*)-3-(L-cistein-S-il)-2,5-dioxopirrolidin-1-il]-5,10,20-trioxo-13,16-dioxa-2,6,9,19-tetraazadocosan-1-oil)oligo-O-[(3-[(2*S*)-1-(3-{*N,N*-dimetil-L-valil-L-valil-(3*R*,4*S*,5*S*)-5-metil-4-(metilamino)-3-metoxiheptanoil-(2*R*,3*R*)-2-metil-3-metoxi-3-[(2*S*)-pirrolidin-2-il]propanoil-L-fenilalaninamido}propoxi)-1-oxopropan-2-il]amino)-3-oxopropil)carbamoil]-dextrano oxidado reducido (~5-10 kDa)-O-il)-1,5,10,20-tetraoxo-13,16-dioxa-2,6,9,19-tetraazadocosan-22-il)-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo



uzoptirinum

uzoptirine

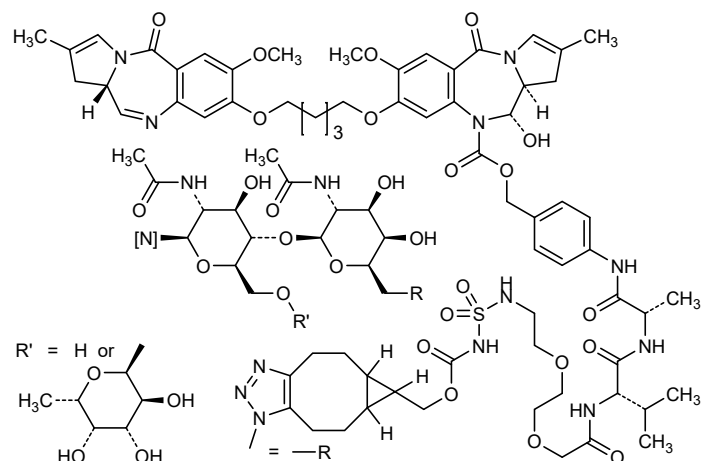
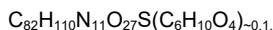
2-acetamido-4-O-[2-acetamido-2,6-dideoxy-6-
[[^{11a}S,^{9¹¹}S,^{9^{11a}}S,¹⁶S,¹⁹S,^{35^{5a}}RS,^{35⁶}SR,^{35^{6a}}SR]-9¹¹-hydroxy-1⁷,9⁷-
dimethoxy-1²,9²,16-trimethyl-5¹,9¹,10,15,18,21,30,30,32-nonaoxo-19-
(propan-2-yl)-1^{5,11a},9^{11,11a},3^{5,5^{5a}},6^{5a,6a},7⁸-decahydro-1¹H,9¹H,9⁵H-
2,8,11,23,26,33-hexaoxa-30λ⁸-thia-14,17,20,29,31-pentaza-1(8),9(8,10)-
bis(pyrrolo[2,1-c][1,4]benzodiazepina)-35(6)-cyclopropa[5,6]cycloocta[1,2-
d][1,2,3]triazola-13(1,4)-benzenapentatriacontaphan-35¹(35⁴H)-yl]-β-D-
galactopyranosyl)-2-deoxy-β-D-glucopyranosyl groups [thereof minor
amounts (~10%) substituted with a 6-O-(6-deoxy-α-L-galactopyranosyl)
group (6-O-fucosylated)]

uzoptirine

2-acétamido-4-O-[2-acétamido-2,6-didésoxy-6-
[(^{11a}S,⁹1¹S,⁹1^{1a}S,¹⁶S,¹⁹S,³⁵^{aa}SR,³⁵^{6a}SR,³⁵^{6a}SR)-9¹¹-hydroxy-1⁷,9⁷-
diméthoxy-1²,9²,16-triméthyl-5¹,9⁵,10,15,18,21,30,30,32-nonaoxa-16-
(propan-2-yl)-1⁵,1^{1a},⁹1^{1a},³⁵^{5a,6},6⁷,8-décahydro-1¹H,9¹H,9⁵H-
2,8,11,23,26,33-hexaoxa-30λ⁶-thia-14,17,20,29,31-pentaaza-1(8),9(8,10)-
bis(pyrrolo[2,1-c][1,4]benzodiazépina)-35(6)-cyclopropa[5,6]cycloocta[1,2-
d][1,2,3]triazola-13(1,4)-benzénapentatriacontaphan-35¹(35⁴H)-yl]-β-D-
galactopyranosyl]-2-désoxy-β-D-glucopyranosyle [dont des quantités
mineures (~10 %) substituées par un groupe 6-O-(6-deoxy-α-L-
galactopyranosyle) (6-O-fucosylées)]

uzoptirina

2-acetamido-4-O-{2-acetamido-2,6-didesoxi-6-
[(1^{11a}S,9¹¹S,9^{11a}S,16S,19S,35^{5a}RS,35⁶SR,35^{6a}SR)-9¹¹-hidroxi-1²,9²,16-
trimetil-9¹⁷,9⁷-dimetoxi-1⁵,9⁵,10,15,18,21,30,30,32-nonaoxo-19-(propan-2-il)-
15,11a-g¹¹,1^{11a},35^{5,5a},6,6a,7⁶}-decahidro-1^H,9¹H,9⁵H-2,8,11,23,26,33-hexaoxa-
30⁶-tia-14,17,20,29,31-pentaaza-1^H,9⁸(8,10)-bis(pirrolol[2,1-
c][1,4]benzodiazepina)-35(6)-ciclopropa[5,6]cicloocta[1,2-d][1,2,3]triazola-
13(1,4)-bencenapentatriacontafan-35¹(35⁴H)-il]-β-D-galactopiranosil}-2-
desoxi-β-D-glucopiranosilo [de los cuales cantidades menores (~ 10%)
sustituidas con un grupo 6-O-(6-desoxi-α-L-galactopiranosilo) (6-O-
fucosiladas)]



zovodotinum

zovodotin

(3*RS*)-1-[(6*S*,9*S*)-1-amino-6-[[4-({*N,N*-diméthyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-méthoxy-5-méthyl-4-(méthylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-3-méthoxy-2-méthyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanoyl)sulfamoyl)phényl]carbamoyl]-1,8,11-trioxo-9-(propan-2-yl)-14,17,20-trioxa-2,7,10-triazadocosan-22-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

zovodotine

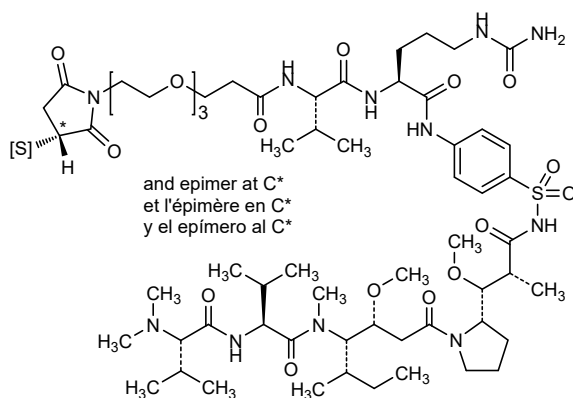
(3*RS*)-1-[(6*S*,9*S*)-1-amino-6-[[4-({*N,N*-diméthyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-méthoxy-5-méthyl-4-(méthylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-3-méthoxy-2-méthyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanoyl)sulfamoyl)phényl]carbamoyl]-1,8,11-trioxo-9-(propan-2-yl)-14,17,20-trioxa-2,7,10-triazadocosan-22-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

zovodotina

(3*RS*)-1-[(6*S*,9*S*)-1-amino-6-[[4-({*N,N*-diméthyl-L-valil-L-valil-(3*R*,4*S*,5*S*)-5-méthyl-4-(méthylamino)-3-méthoxyheptanoil-(2*R*,3*R*)-2-méthyl-3-méthoxy-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-il]propanoil)sulfamoi]fénil]carbamoi]-1,8,11-trioxo-9-(propan-2-il)-14,17,20-trioxa-2,7,10-triazadocosan-22-il]-2,5-dioxopyrrolidin-3-ilo

C₆₁H₁₀₂N₁₁O₁₇S

(maleimide reagent : 1800462-96-7)

# Electronic structure available on Mednet: <http://mednet.who.int/># Structure électronique disponible sur Mednet: <http://mednet.who.int/># Estructura electrónica disponible en Mednet: <http://mednet.who.int/>* <http://www.who.int/medicines/services/inn/publication/en/>

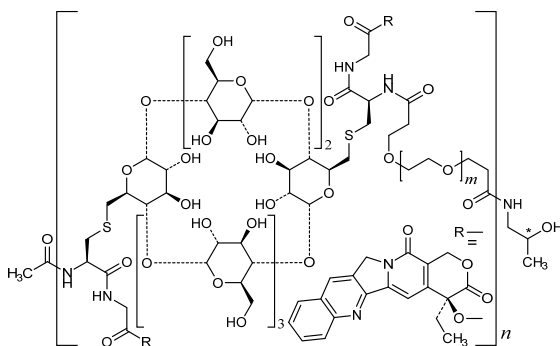
AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 101
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 101
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 101
(WHO Drug Information, Vol. 23, No. 2, 2009)

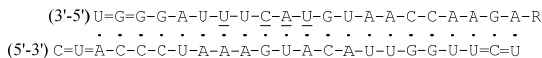
- p.135 **bardoxolonum**
 bardoxolone *replace the molecular formula by the following one*
 bardoxolone *remplacer la formule moléculaire brute par la suivante*
 bardoxolona *sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente*
 $C_{31}H_{41}NO_4$

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 117
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 117
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 117
(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 2, 2017)

- p.268 **davamotecanum pegadexamerum**
 davamotecan pegadexamer *replace the structure by the following one*
 davamotécan pégadexamère *remplacer la structure par la suivante*
 davamotecán pegadexámero *sustitúyase la estructura por la siguiente*



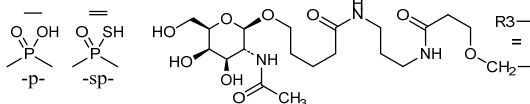
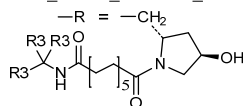
- p.353 **vutrisiranum (former vutrisiranum)**
 -354 vutrisiran (formerly vutrisiran) *replace the structure by the following one*
 vutrisiran (anciennement vutrisiran) *remplacer la structure par la suivante*
 vutrisirán (antes vutrisirán) *sustitúyase la estructura por la siguiente*



Legend

$\underline{X}$: 2'-deoxy-2'-fluoronucleotide

X : 2'-O-methylnucleotide



p.280 **ianalumabum #**

-281 ianalumab

ianalumab

ianalumab

*replace the description and the structure by the following ones**remplacer la description et la structure par les suivantes**sustitúyase la descripción y la estructura por las siguientes*

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF13C (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 13C, BAFFR, BAFF-R, BR3, B cell activating factor receptor, CD268)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain (1-454) [*Homo sapiens* VH (IGHV6-1*01 (96.00%) -(IGHD) -IGHJ5*01) [10.9.14] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), hinge (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-215')-disulfide with kappa light chain (1'-215')] [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3D-11*01 (89.00%) -IGKJ1*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide;
 produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF13C (membre 13C de la super famille du récepteur du facteur de nécrose tumorale (TNFR), BAFFR, BAFF-R, BR3, récepteur du facteur d'activation des lymphocytes B, CD268)], *Homo sapiens* anticorps monoclonal;
 chaîne lourde gamma1 (1-454) [*Homo sapiens* VH (IGHV6-1*01 (96.00%) -(IGHD) -IGHJ5*01) [10.9.14] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), charnière (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-215')-disulfure avec la chaîne légère (1'-215')] [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3D-11*01 (89.00%) -IGKJ1*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]]; dimère (233-233":236-236")-bisdisulfure,
 produit dans des cellules de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF13C (miembro 13C de la super familia del receptor del factor de necrosis tumoral (TNFR), BAFFR, BAFF-R, BR3, receptor del factor de activación de los linfocitos B, CD268)], *Homo sapiens* anticuerpo monoclonal;
 cadena pesada gamma1 (1-454) [*Homo sapiens* VH (IGHV6-1*01 (96.00%) -(IGHD) -IGHJ5*01) [10.9.14] (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (221) (125-222), bisagra (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-215')-disulfuro con la cadena ligera (1'-215')] [*Homo sapiens* V-KAPPA (IGKV3D-11*01 (89.00%) -IGKJ1*01) [7.3.9] (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1 (154), V101 (192) (109'-215')]]; dímero (233-233":236-236")-bisdisulfuro,
 producido en las células ováricas de hamster chino (CHO), glicoforma alfa

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
QVQLQSGPG LVKPSQTL L TCAISGDSVS SNSAAGWIR QSPGRGLEWL 50
GRIYVRSKWY NSYAVSVKSR ITINPOTSKN QFSLQLNSVT PEDTAVYVCA 100
RYDWVPKIGV FDSWGQGLTV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFFAV LQSSGLYSL SVTVVPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK RVEPKSCDKT HTCPFCFAPE LLGGPSVFLF 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNKKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKARGQP 350
REPQVYTLFP SREEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVWES NGQPENNYKT 400
TFPVLDSDGS FFYLSKLTVD KSRWQQGNVF SCVVMHEALH NHTYQKSLSL 450
SPGK 454

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
DIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQFIS SSVLSWYQQK PGQAPRLLIY 50
GSSSRATGVP ARFSGSGSGT DFTLTISSE PEDFAVYVYQ QLYSSPMTEG 100
QGTRVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNE YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYLSLSSTL TLSKADYERH KVTACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEK 215

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-99 151-207 268-328 374-432
22"-99" 151"-207" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104) 23"-89" 135"-195"
23"-89" 135"-195"
Inter-H-I (h 5-CL 126) 227-215" 227"-215"
Inter-H-II (h 11, h 14) 233-233" 236-236"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
HCH2N84.4:
304, 304"
Afucoylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycans de type CHO bi-antennaires
complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantennarios complejos afucosilados
N-terminal glutaminyl cyclization to pyroglutamy1 (pE, 5-oxoprolyl)
H V H Q I: 1, 1"
C-terminal lysine clipping
HCHSK2:
454, 454"

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 118
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 118
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 118
(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 4, 2017)

p.660	<i>delete/supprimer/suprimase</i>	<i>insert/insérer/insertese</i>
	diroleutonum	daleutonum
	diroleuton	daleuton
	diroleuton	daleuton
	diroleutón	daleutón

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 120
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 120
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 120
(WHO Drug Information, Vol. 32, No. 4, 2018)

p.661	adlinacogenum civaparvovecum #	
	adlinacogene civaparvovec	<i>replace the description by the following one</i>
	adlinacogène civaparvovec	<i>remplacer la description par la suivante</i>
	adlinacogén civaparvovec	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (**rAAV6**) vector, which contains a promoter-less human coagulation factor IX (hF9, Factor IX or FIX) transgene cassette, encoding exons 2-8 and splice acceptor site sequence (SA) from hF9 exon 2, flanked by a sequence homologous to the zinc-finger nuclease (ZFN) cleavage site of the human albumin (hALB) intron 1

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (**rAAV6**), non-répliquant, contenant la cassette avec le transgène du facteur de coagulation IX humain (hF9, Facteur IX, FIX) sans promoteur, codant pour les exons 2-8 et la séquence du site accepteur (SA) d'épissage de l'exon 2 de hF9, flanqué par une séquence homologue au site de clivage de la nucléase à doigts de zinc (ZFN) de l'intron 1 l'albumine humaine (hALB).

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (**rAAV6**), no replicativo, que contiene un casete con el transgen del factor de coagulación IX (hF9, Factor IX o FIX) humano sin promotor, que codifica para los exones 2-8 y la secuencia del sitio aceptor (SA) del splicing del exon 2 de hF9, flanqueado por una secuencia homóloga al sitio de rotura por la nucleasa con dedos de zinc (ZFN) del intron 1 de la albúmina humana (hALB)

p.583

devafidugenum civaparvovecum #

devafidugene civaparvovec	<i>replace the description by the following one</i>
devafidugène civaparvovec	<i>remplacer la description par la suivante</i>
devafidugén civaparvovec	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (**rAAV6**) vector, which contains a promoter-less human alpha-L-iduronidase (hIDUA) transgene cassette, encoding partial exon 1 and full exons 2-14 with the first 28 amino acids removed, and splice acceptor site sequence (SA) from hIDUA exon 2, flanked by a sequence homologous to the zinc-finger nuclease (ZFN) cleavage site of the human albumin (hALB) intron 1

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (**rAAV6**), non-répliquant, contenant la cassette du transgène de l'alpha-L-iduronidase humaine (hIDUA) sans promoteur, codant partiellement l'exon 1 et entièrement les exons 2-14 dont la partie correspondant aux 28 premiers acides aminés a été retirée, et la séquence du site accepteur (SA) d'épissage de l'exon 2 de l'hIDUA, flanqué d'une séquence homologue au site de clivage de la nucléase à doigts de zinc (ZFN) de l'intron 1 de l'albumine humaine (hALB)

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (**rAAV6**), no replicativo, que contiene un casete con el transgen de la alfa-L-iduronidasa humana (hIDUA) sin promotor, que codifica para el exón 1 parcial y los exones 2-14 completos con los primeros 28 amino ácidos eliminados, y la secuencia del sitio aceptor (SA) del splicing del exón 2 de hIDUA, flanqueado por una secuencia homóloga al sitio de rotura por la nucleasa con dedos de zinc (ZFN) del intron 1 de la albúmina humana (hALB)

p.603

inlezifigenum civaparvovecum #

inlezifigene civaparvovec	<i>replace the description by the following one</i>
inlezifigène civaparvovec	<i>remplacer la description par la suivante</i>
inlezifigén civaparvovec	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (**rAAV6**) vector, expressing a cDNA that targets 447-461 bp of the albumin locus (relative to the transcription initiation site), fused to the obligate heterodimeric FokI nuclease domain ELD, under the control of an apolipoprotein E hepatic control region and human alpha-1-antitrypsin promoter (ApoE/hAAT)

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (**rAAV6**), non-répliquant, exprimant un ADNc ciblant les paires de bases 447-461 du locus de l'albumine (en relation avec le site initial de

transcription), fusionné au domaine hétérodimérique ELD de la nucléase FokI, sous le contrôle d'une région de contrôle de l'apolipoprotéine E (ApoE) spécifique du foie et du promoteur de l'alpha1-antitrypsine humaine (ApoE/hAAT)

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (**rAAV6**), no replicativo, que expresa un cDNA dirigido a unirse a los pares de bases 447-461 (en relación al sitio de iniciación de la transcripción) del locus de la albúmina, fusionado al dominio heterodimérico ELD de la nucleasa FokI, bajo el control de una región de control hepático de la apolipoproteína E y el promotor de la alfa 1 antitripsina humana (ApoE/hAAT)

p.631 **ranuzifigenum civaparvovecum #**

ranuzifigene civaparvovec	<i>replace the description by the following one</i>
ranuzifigène civaparvovec	<i>remplacer la description par la suivante</i>
ranuzifigén civaparvovec	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (**rAAV6**) vector, expressing a cDNA that targets 468-485 bp of the albumin locus (relative to the transcription initiation site), fused to the obligate heterodimeric FokI nuclease domain ELD, under the control of an apolipoprotein E hepatic control region and human alpha-1-antitrypsin promoter (ApoE/hAAT)

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (**rAAV6**), non-répliquant, exprimant un ADNc ciblant les paires de bases 468-485 du locus de l'albumine (en relation avec le site initial de transcription), fusionné au domaine hétérodimérique ELD de la nucléase FokI, sous le contrôle d'une région de contrôle de l'apolipoprotéine E (ApoE) spécifique du foie et du promoteur de l'alpha1-antitrypsine humaine (ApoE/hAAT)

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (**rAAV6**), no replicativo, que expresa un cDNA dirigido a unirse a los pares de bases 468-485 (en relación al sitio de iniciación de la transcripción) del locus de la albúmina, fusionado al dominio heterodimérico ELD de la nucleasa FokI, bajo el control de una región de control hepático de la apolipoproteína E y el promotor de la alfa 1 antitripsina humana (ApoE/hAAT)

p.637 **selitrectinibum**

selitrectinib	<i>replace the chemical name by the following one</i>
sélitrectinib	<i>remplacer le nom chimique par le suivant</i>
selitrectinib	<i>sustitúyase el nombre químico por el siguiente</i>

(2²R,6R)-3⁵-fluoro-6-methyl-**7-aza**-1(5,3)-pyrazolo[1,5-a]pyrimidina-3(3,2)-pyridina-2(1,2)-pyrrolidinacyclooctaphan-8-one

(2²R,6R)-3⁵-fluoro-6-méthyl-**7-aza**-1(5,3)-pyrazolo[1,5-a]pyrimidina-3(3,2)-pyridina-2(1,2)-pyrrolidinacyclooctaphan-8-one

(2²R,6R)-3⁵-fluoro-6-metil-**7-aza**-1(5,3)-pirazolo[1,5-a]pirimidina-3(3,2)-piridina-2(1,2)-pirrolidinaciclooctafan-8-ona

p.650 **tefidsogenum civaparvovecum #**

-651	tefidsogene civaparvovec	<i>replace the description by the following one</i>
	téfidsogène civaparvovec	<i>remplacer la description par la suivante</i>
	tefidsogén civaparvovec	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

a recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (**rAAV6**) vector, which contains a promoter-less human iduronate 2-sulfatase (hIDS) transgene cassette, encoding parts of exon 1 plus exons 2-9 from hIDS and a splice acceptor site (SA) derived from human coagulation factor IX (hF9, factor IX or FIX) exon 2, flanked by a sequence homologous to the zinc-finger nuclease (ZFN) cleavage site of the human albumin (hALB) intron 1

vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant (**rAAV6**), non-répliquant, contenant la cassette du transgène de l'iduronate 2-sulfatase humaine (hIDS) sans promoteur, codant partiellement l'exon 1 et les exons 2-9 de hIDS, et la séquence du site accepteur (SA) d'épissage dérivé de l'exon 2 du facteur de coagulation IX humain (hF9, facteur IX, FIX), flanqué d'une séquence homologue au site de clivage de la nucléase à doigts de zinc (ZFN) de l'intron 1 de l'albumine humaine (hALB)

un vector de virus adeno asociado tipo 2/6 recombinante (**rAAV6**), no replicativo, que contiene un casete con el transgen de la iduronato 2-sulfatasa humana (hIDS) sin promotor, que codifica para partes del exón 1 más los exones 2-9 de hIDS y un sitio aceptor del splicing derivado del exón 2 del factor de coagulación IX humano (hF9, factor IX o FIX), flanqueado por una secuencia homóloga al sitio de rotura por la nucleasa con dedos de zinc (ZFN) del intron 1 de la albúmina humana (hALB)

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 121**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 121****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 121****(WHO Drug Information, Vol. 33, No. 2, 2019)**p.245 **avalotcagenum ontaparvovecum #**

-246	avalotcagene ontaparvovec	<i>replace the description by the following one</i>
	avalotcagène ontaparvovec	<i>remplacer la description par la suivante</i>
	avalotcagén ontaparvovec	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

A recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/8 (**rAAV8**) vector, encoding codon-optimized, wild-type human ornithine transcarbamylase (OTC) under the control of a hybrid human thyroxine-binding globulin (TBG) / human alpha 1-microglobulin/bikunin precursor (AMBP) promoter/enhancer. The vector genome is a head-to-head dimer, with the vector genome cassette located 5' of the mutated internal inverted terminal repeat (ITR) in a reverse orientation and the vector genome cassette located 3' of the mutated internal ITR in a forward orientation.

vecteur viral adéno-associé de type 2/8 recombinant non-répliquant (**rAAV8**), codant pour l'ornithine transcarbamylase humaine sauvage (OTC) avec des codons optimisés, sous le contrôle de l'activateur/promoteur hybride de la globuline liant la thyroxine (TBP) humaine/précurseur de microglobuline alpha 1 / bikunine (AMBP). Le génome du vecteur est un dimère en tête à tête avec la cassette contenant le génome du vecteur en position 5' de la séquence inverse

terminale répétée (ITR) interne et mutée dont l'orientation est inverse et la cassette contenant le vecteur du génome en position 3' de l'ITR interne et mutée dont l'orientation est vers l'avant

Un vector de virus adenoasociado recombinante no replicativo del serotipo 2/8 (**rAAV8**), que codifica para la ornitina transcarbamilasa silvestre humana (OTC) con codones optimizados, bajo el control de un promotor/potenciador híbrido de la globulina fijadora de tiroxina humana (TBG) / precursor de microglobulina alfa 1 humana/bicunina (AMBP). El genoma del vector es un dímero de cabeza con cabeza, con el casete del genoma del vector en posición 5' a la repetición terminal invertida (ITR) interna y mutada localizado en orientación inversa. y el casete del genoma del vector en posición 3' a la ITR localizado en orientación hacia adelante.

p.269 **epcoritamabum #**

epcoritamab
épcoritamab
epcoritamab

replace the structure by the following one
remplacer la structure par la suivante
sustitúyase la estructura por la siguiente

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-CD3E)

```
EVKLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFN TYAMNWVRQA PGKGLEWVAR 50
IRSKYNNYAT YYADSVKDRF TISRDDSKSS LYLQMNNLKT EDTAMYCYVR 100
HGNFGNSYVS WFAYWGGQTL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL 150
GCLVGYDFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVTVVPSSS 200
LGTTQTYICNV NHKPSNTKVD KRVEPKSCDK THTCPPCPAP EFEGGSPSVFL 250
FPKPKDKTLM ISRTPEVTCV VVAVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR 300
EEQYNSTYRV VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ 350
PREPQVYTLF PSREEMTKNQ VSLTCLVKGK YPSDIAVEWE SNGQPENNYK 400
TTPPVLDSDG SFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMHEAL HNHYTQKSL 450
LSPG 454
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-CD3E)

```
QAVVTQEPSP SVSPGGTVTL TRSSTGAVT TSNYANWVQ TPGQAFRLGI 50
GGTNKRAPGV PARFSGSLIG DKAALTITGA QADDESIYFC ALWYNSLNVF 100
GGGTKLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVTVA 150
WKADSSPVKA GVETTPPSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH 200
EGSTVEKTV PTECS 215
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (anti-MS4A1)

```
EVQLVESGGG LVQPDRLRL SCAASGFTFH DYAMHWVRQA PGKGLEWVST 50
ISWNSGTIGY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TALYYCAKDI 100
QYGNYYGMD VWGQGTITVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFFPAVLQ SSGLYSLSSV VTPVSSSLGT 200
QTYICNVNHH PSNTKVDKRV EPKSCDKTHT CPPCPAPEFE GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVA VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTPP 400
PVLDSGDSFF LYSRLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNN YTQKSLSLSP 450
G 451
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (anti-MS4A1)

```
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SYLAWYQQKP GQAPRLLIYD 50
ASNRRATGIPA RFSGSGSGTD FTLTISLSEP EDFAVYCYCQ RSNWPITFGQ 100
GTRLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNIFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSLTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC 214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 152-208 269-329 375-433
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 22'-90' 137'-196'
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-H (h 5-CL 126) 228-214' 225"-214"

Inter-H-H (h 11, h 14) 234-231" 237-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

305, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarijos complejos fucosilados.

p.277 -278	giroctocogenum fitelparvovecum #	
	giroctocogene fitelparvovec	<i>replace the description by the following one</i>
	giroctocogène fitelparvovec	<i>remplacer la description par la suivante</i>
	giroctocogén fitelparvovec	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

A recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/6 (**rAAV6**) vector, encoding human B-domain-deleted blood coagulation factor VIII (hF8, FVIII) under the control of a synthetic liver-specific promoter.

Vecteur viral adéno-associé de type 2/6 recombinant non-répliquant (**rAAV6**), codant pour le facteur de coagulation sanguine VIII humain (hF8, FVIII), dont le domaine B a été supprimé, sous le contrôle d'un promoteur synthétique spécifique du foie.

Un vector de virus adenoasociado recombinante no replicativo del tipo 2/6 (**rAAV6**), que codifica para el factor de coagulación sanguíneo VIII humano (hF8, FVIII) con el dominio B deletado, bajo el control de un promotor sintético específico del hígado.

p.286	<i>supprimer</i>	<i>insérer</i>
	letetresgène autoleucel	lététresgène autoleucel
p.290 - 291	<i>delete/supprimer/suprimáse</i>	<i>insert/insérer/insertese</i>
	mavezelimabum	favezelimabum
	mavezelimab	favezelimab
	mavézélimab	favézélimab
	mavezelimab	favezelimab
p.294	<i>supprimer</i>	<i>insérer</i>
	mipetresgène autoleucel	mipétresgène autoleucel

p.367 -368	zildistrogenum varoparvovecum #	
	zildistrogene varoparvovec	<i>replace the description by the following one</i>
	zildistrogène varoparvovec	<i>remplacer la description par la suivante</i>
	zildistrogén varoparvovec	<i>sustitúyase la descripción por la siguiente</i>

A recombinant non-replicating adeno-associated virus type 2/9 (**rAAV9**) vector, encoding human microdystrophin 5 (h-mD5) under control of CK8 muscle creatine kinase promoter and enhancer elements

vecteur viral adéno-associé de type 2/9 recombinant non-répliquant (**rAAV9**) codant pour la microdystrophine 5 humaine (h-mD5) sous le contrôle de l'activateur/promoteur de la créatine kinase musculaire CK8

Un vector de virus adenoasociado recombinante no replicativo del tipo 2/9 (**rAAV9**), que codifica para la microdistrofina 5 humana (h-mD5) bajo el control del promotor y elementos potenciadores (enhancer) de la creatina quinasa CK8 de músculo.

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 122**Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 122****Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 122****(WHO Drug Information, Vol. 33, No. 2, 2019)**p.822 **datopotamabum #**

-823 datopotamab

datopotamab

datopotamab

*replace the description by the following one**remplacer la description par la suivante**sustitúyase la descripción por la siguiente*

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (tumor-associated calcium signal transducer 2, membrane component chromosome 1 surface marker 1, M1S1, gastrointestinal tumor-associated antigen GA7331, pancreatic carcinoma marker protein GA733-1, epithelial glycoprotein-1, EGP-1, trophoblast antigen-2, cell surface glycoprotein Trop-2, TROP2)], humanized monoclonal antibody;
 gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transducteur 2 de signaux calciques associé aux tumeurs, composant membranaire du chromosome 1 marqueur de surface 1, M1S1, antigène GA7331 associé aux tumeurs gastrointestinales, protéine GA733-1 marqueur de carcinomes pancréatiques, glycoprotéine épithéliale 1, EGP-1, antigène 2 du trophoblaste, glycoprotéine Trop-2 à la surface des cellules, TROP2)], anticorps monoclonal humanisé;
 chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transductor 2 de señales cálcicas asociado a los tumores, componente membranario del cromosoma 1 marcador de superficie 1, M1S1, antígeno GA7331 asociado a los tumores gastrointestinales, proteína GA733-1 marcador de carcinomas pancreáticos, glicoproteína epitelial 1, EGP-1, antígeno 2 del trofoblasto, glicoproteína Trop-2 en la superficie de las células, TROP2)], anticuerpo monoclonal humanizado;
 cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%)) [8.8.14] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)) [6.3.9] (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')];
 dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa

p.822 **datopotamabum deruxtecanum #**

-823

datopotamab deruxtecan

datopotamab déruxtécan

datopotamab deruxtecán

*replace the description by the following one**remplacer la description par la suivante**sustitúyase la descripción por la siguiente*

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (tumor-associated calcium signal transducer 2, membrane component chromosome 1 surface marker 1, M1S1, gastrointestinal tumor-associated antigen GA7331, pancreatic carcinoma marker protein GA733-1, epithelial glycoprotein-1, EGP-1, trophoblast antigen-2, cell surface glycoprotein Trop-2, TROP2)], humanized monoclonal antibody conjugated to *deruxtecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative; gamma1 heavy chain humanized (1-451) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-3*01(79.6%)-(IGHD)-IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfide with kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (84.2%)-IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa, conjugated, on an average of 4 cysteinyl, to *deruxtecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transducteur 2 de signaux calciques associé aux tumeurs, composant membranaire du chromosome 1 marqueur de surface 1, M1S1, antigène GA7331 associé aux tumeurs gastrointestinales, protéine GA733-1 marqueur de carcinomes pancréatiques, glycoprotéine épithéliale 1, EGP-1, antigène 2 du trophoblaste, glycoprotéine Trop-2 à la surface des cellules, TROP2)], anticorps monoclonal humanisé conjugué au *déruxtécan*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine; chaîne lourde gamma1 humanisée (1-451) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (79.6%)-(IGHD)-IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 (CH1 R120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens*IGKV1-39*01 (84.2%)-IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens*IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure; produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa, conjugué sur une moyenne de 4 cystéines au *déruxtécan*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine

immunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TACSTD2 (transductor 2 de señales cálcicas asociado a los tumores, componente membrana del cromosoma 1 marcador de superficie 1, M1S1, antígeno GA7331 asociado a los tumores gastrointestinales, proteína GA733-1 marcador de carcinomas pancreáticos, glicoproteína epitelial 1, EGP-1, antígeno 2 del trofoblasto, glicoproteína Trop-2 en la superficie de las células, TROP2)], anticuerpo monoclonal humanizado conjugado con *deruxtecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina; cadena pesada gamma1 humanizada (1-451) [VH (*Homo sapiens*IGHV1-3*01 (79.6%)-(IGHD)-IGHJ4*01 (93.3%)) CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110) (1-121) -*Homo sapiens*IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1

(CH1 R120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-214')-disulfuro con la cadena ligera kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (230-230"-233-233")-bisdisulfuro; producido por células ováricas de hamster chino (CHO), forma glicosilada alfa, conjugado con una media de 4 cisteínas al *deruxtecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina.

p.908

-909

verbrinacogenum setparvovecum #

verbrinacogene setparvovec

verbrinacogène setparvovec

verbrinacogén setparvovec

*replace the description by the following one**remplacer la description par la suivante**sustitúyase la descripción por la siguiente*

A recombinant non-replicating adeno-associated virus of a modified liver-tropic serotype {S3} (**rAAVS3**) vector, encoding a gain-of-function variant (R338L; Padua) of codon-optimised human coagulation factor IX (hFIX) under the control of a liver-specific promoter (FRE1) comprising a truncated version of the human apolipoprotein E locus control region (i.e. enhancer) with a truncated version of the human alpha-1-antitrypsin promoter.

vecteur viral adéno-associé recombinant, non-répliquant, d'un sérotype hépatotropique modifié {S3} (**rAAVS3**), codant pour le variant Padua (R338L) du facteur de coagulation IX humain (F9, Facteur IX, FIX) dont les codons sont optimisés, sous le contrôle du promoteur spécifique du foie (FRE1) comprenant une version tronquée de la région de contrôle du locus de l'apolipoprotéine E humaine (c.-à-d. amplificateur) avec une version tronquée du promoteur de l'antitrypsine alpha-1 humaine.

Un vector de virus adeno-asociado recombinante, no replicativo, de un serotipo hepatotrópico modificado {S3} (**rAAVS3**), que codifica una variante de ganancia de función (R338L; Padua) del factor de coagulación IX humano (hFIX) con codones optimizados, bajo el control de un promotor específico de hígado (FRE1) que consta de una versión truncada de la región de control del locus de la apolipoproteína E humana (es decir, potenciador) con una versión truncada del promotor de la alfa-1-antitripsina humana.

ANNEX 1

PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure². The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*³ and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

¹ See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

² See Annex 2.

³ Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

Such objection shall:

- i) identify the person objecting;
- ii) state his or her interest in the name;
- iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

- a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and
- b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

- i) identify the person making the proposal;
- ii) state his or her interest in the proposed substitution; and
- iii) set forth the reasons for the proposal; and
- iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

i) MemberStates and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and

ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);

ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);

iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;

iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing.

Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its

successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES¹

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.

2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. "oxacillin" and "oxacillin sodium", "ibufenac" and "ibufenac sodium".

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.

For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, "f" should be used instead of "ph", "t" instead of "th", "e" instead of "ae" or "oe", and "i" instead of "y"; the use of the letters "h" and "k" should be avoided.

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.² Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

¹ In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic "stem" indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.

The guiding principles were updated during the 13th consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

² A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/QSM/2011.3 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

Latin	English	
-acum	-ac	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives
-adolum	-adol }	analgesics
-adol-	-adol-}	
-astum	-ast	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
-astinum	-astine	antihistaminics
-azepamum	-azepam	diazepam derivatives
bol	bol	steroids, anabolic
-cain-	-cain-	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
-cainum	-caine	local anaesthetics
cef-	cef-	antibiotics, cephalosporanic acid derivatives
-cillinum	-cillin	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
-conazolium	-conazole	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
cort	cort	corticosteroids, except prednisolone derivatives
-coxibum	-coxib	selective cyclo-oxygenase inhibitors
-entanum	-entan	endothelin receptor antagonists
gab	gab	gabamimetic agents
-gado-	-gado-	diagnostic agents, gadolinium derivatives
-gatrnum	-gatrnan	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
gest	gest	steroids, progestogens
gli	gli	antihyperglycaemics
io-	io-	iodine-containing contrast media
-metacinum	-metacin	anti-inflammatory, indometacin derivatives
-mycinum	-mycin	antibiotics, produced by <i>Streptomyces</i> strains
-nidazolium	-nidazole	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
-ololum	-olol	β-adrenoreceptor antagonists
-oxacinum	-oxacin	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
-platinum	-platin	antineoplastic agents, platinum derivatives
-poetinum	-poetin	erythropoietin type blood factors
-pril(at)um	-pril(at)	angiotensin-converting enzyme inhibitors
-profenum	-profen	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
prost	prost	prostaglandins
-relinum	-relin	pituitary hormone release-stimulating peptides
-sartanum	-sartan	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
-vaptanum	-vaptan	vasopressin receptor antagonists
vin-	vin- }	vinca-type alkaloids
-vin-	-vin-}	

ANNEXE 1

PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

¹ Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI » ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après¹. La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*² et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

¹ Voir annexe 2.

² Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de l'objection ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;
- iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :

- a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
- b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -

a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

- i) nom de l'auteur de la proposition ;
- ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;
- iii) raisons motivant la proposition ; et
- iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de

remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

- i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et
- ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

- i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;
- ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;
- iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;
- iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et
- v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le

fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES¹

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.
 2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.
- Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :*
3. Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.
 4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple «oxacilline» et «oxacilline sodique», «ibufénac» et «ibufénac sodique».
 5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive). En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.
 6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

¹ Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies. Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.¹ Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

Latin	Français	
-acum	-ac	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac analgésiques
-adolum	-adol	
-adol-	-adol-	
-astum	-ast	
-astinum	-astine	antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-azepamum	-azépam	
bol	bol	substances du groupe du diazépam
-cain-	-caïn-	stéroïdes anabolisants
de		antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et la lidocaïne
-cainum	-caïne	anesthésiques locaux
cef-	céf-	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
-cillinum	-cilline	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
-conazolom	-conazole	agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
cort	cort	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
-coxibum	-coxib	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
-entanum	-entan	antagonistes du récepteur de l'endothéline
gab	gab	gabamimétiques
gado-	gado-	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
-gatrnum	-gatan	antithrombines, antithrombotiques
gest	gest	stéroïdes progestogènes
gli	gli	antihyperglycémiant
io-	io-	produits de contraste iodés
-metacinum	-métacine	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-mycinum	-mycine	antibiotiques produits par des souches de <i>Streptomyces</i>
-nidazolom	-nidazole	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
-ololum	-olol	antagonistes des récepteurs β-adrénérgiques
-oxacinum	-oxacine	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
-platinum	-platine	antineoplasiques, dérivés du platine
-poetinum	-poétine	facteurs sanguins de type érythropoïétine
-pril(at)um	-pril(ate)	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
-profennum	-profène	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
prost	prost	prostaglandines

¹ Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/QSM/2011.3 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève.

-relinum	-réline	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
-sartanum	-sartan	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II, antihypertenseurs (non peptidiques)
-vaptanum	-vaptan	antagonistes du récepteur de la vasopressine
vin-	vin- }	alcaloïdes du type vinca
-vin-	-vin- }	

ANEXO 1

PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES RECOMENDADAS PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.² A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*³ y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

- i) la denominación sometida a estudio;
- ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;
- iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;
- iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y
- v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

¹ Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciones EB43.R9 y EB115.R4..

² Véase el anexo 2.

³ Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que formula la objeción;
- ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y
- iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo a) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

- a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y
- b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9

a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

- i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;
- ii) las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;
- iii) las causas que motivan la propuesta; y

- iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo *b) infra*.

Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

- i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo *a)* del artículo 3), y

- ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

- i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);

- ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);

- iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;

- iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

- v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.

No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante

inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS¹

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

¹ En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, N° 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio. Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o ésteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos. En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.¹ Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latin	Español	
-acum	-aco	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
-adolum	-adol)	analgésicos
-adol-	-adol-)	
-astum	-ast	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
-astinum	-astina	antihistamínicos
-azepamum	-azepam	derivados del diazepam
bol	bol	esteroides anabolizantes
-cain-	-caína-	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
-cainum	-caína-	anestésicos locales
cef-	cef-	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
-cillinum	-cilina	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
-conazolum	-conazol	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
cort	cort	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
-coxibum	-coxib	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
-entanum	-entán	antagonistas del receptor de endotelina
gab	gab	gabamiméticos
gado-	gado-	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
-gartranum	-gatrán	inhibidores de la trombina antitrombóticos
gest	gest	esteroides progestágenos
gli	gli	hipoglucemiantes, antihiper glucémicos
io-	io-	medios de contraste iodados
-metacinum	-metacina	antiinflamatorios derivados de indometacina
-mycinum	-micina	antibióticos producidos por cepas de <i>Streptomyces</i>
-nidazolum	-nidazol	antiprotozoarios derivados de metronidazol
-ololum	-olol	antagonistas de receptores β -adrenérgicos
-oxacinum	-oxacino	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico

¹ En el documento de trabajo WHO/EMP/QSM/2011.3, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

<i>-platinum</i>	<i>-platino</i>	antineoplásicos derivados del platino
<i>-poetinum</i>	<i>-poetina</i>	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
<i>-pril(at)um</i>	<i>-pril(at)</i>	inhibidores de la enzima convertidora de la angiotensina
<i>-profenum</i>	<i>-profeno</i>	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
<i>prost</i>	<i>prost</i>	prostaglandinas
<i>-relinum</i>	<i>-relina</i>	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
<i>-sartanum</i>	<i>-sartán</i>	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del receptor de
angiotensina II		
<i>-vaptanum</i>	<i>-vaptán</i>	antagonistas del receptor de vasopresina
<i>vin-</i>	<i>vin-</i>)	alcaloides de la vinca
<i>-vin-</i>	<i>-vin-</i>)	